CONFERENCE PROCEEDINGS

Dados Internacionais de Catalogação na Publicação (CIP)
(Câmara Brasileira do Livro, SP, Brasil)

Conference Proceedings [livro eletrônico] : VII Conferencia Bienal WDA Latinoamérica Brasil, 2025 : doenças e conservação da biodiversidade no antropoceno. -- Belo Horizonte, MG : Ed. dos Autores, 2025.
PDF

Vários organizadores
Bibliografia
ISBN 978-65-01-85437-3

1. Biodiversidade - Conservação 2. Veterinária.

25-324208.1 CDD-636.089

Índices para catálogo sistemático:

1. Veterinária 636.089

Livia Dias Vaz - Bibliotecária - CRB-8/9638

This publication is edited by the Organizing Committee of the VII BIENNIAL WDA CONFERENCE IN LATIN AMERICA, Brazil 2025.
Date of last update of this edition: 12/12/2025
EDITOR'S NOTE: The content of the abstracts included in this report appears as submitted by their authors, except for some formatting corrections to comply with the call for papers and printing requirements.

In 2025, Belo Horizonte enthusiastically hosted the WDA-LA Biennial Conference, bringing together participants from across Latin America and the world around the theme "Diseases and biodiversity conservation in the Anthropocene."

The meeting promoted intense days of learning, exchange of experiences, and integration among students, researchers, and professionals dedicated to the health and conservation of wildlife.

The program included lectures, roundtables, scientific presentations, and moments of conviviality that strengthened ties and inspired new collaborations.

In each edition, the commitment to uniting countries and promoting the One Health approach is renewed, boosting research, dialogue, and sustainability in the region.

WDA-LA, the Latin American section of the Wildlife Disease Association, remains steadfast in its mission to integrate science, conservation, and health, strengthening international cooperation and the training of new professionals committed to wildlife.

VII Conferencia Bienal WDA Latinoamérica
BRASIL, 2025

Management

Gerado Acosta, President, Chile

Oscar Rico Chavez, Vice-President, Mexico

Arícia Duarte Benvenuto, Treasurer, Brazil

Marina Galvão Bueno, Secretary - Portuguese, Brazil

Sofia Di Cataldo, Secretary - Spanish, Argentina

Roberto Ignácio Márquez Hernández, Student Representative - Spanish, Mexico

Bruna Hermine de Campos, Student Representative - Portuguese, Brazil

Andrea Chaves, Past-President, Costa Rica

WDA
Wildlife Disease Association
LATIN AMERICA

Organizing Committee

Ayisa Rodrigues de Oliveira

Coordinator President of the Local Committee Professor at UFMG

Marcelo Pires Nogueira de Carvalho

Co-coordinator President of the Scientific Committee Professor at UFMG

José Luiz Catão-Dias

Vice-resident of the Scientific Committee Professor at USP

Renato de Lima Santos

Member of the Scientific Committee Member of the Local Committee Professor at UFMG

Arícia Duarte-Benvenuto

President of the Disclosure and Communication Committee Postdoctoral researcher at USP

Bruna H. de Campos

Vice President of the Disclosure and Communication Committee Member of the Local Committee PhD student at UFMG

Lucas Belchior S. de Oliveira

Member of the Local Committee PhD student at UFMG

Marina Galvão Bueno

Member of the Scientific Committee FIOCRUZ researcher

Júlia Angélica G. da Silveira

Member of the Scientific Committee Member of the Local Committee Professor at UFMG

PARTICIPATING INSTITUTIONS

ORGANIZATION

WDA Wildlife Disease Association LATIN AMERICA

UFMG Universidade Federal de Minas Gerais

Escola de Veterinária UFMG

USP Universidade de São Paulo

IOC Instituto Oswaldo Cruz

FIOCRUZ

SUPPORT

EDUCAÇÃO CONTINUADA CRMV/MG

CAPES

Associação Brasileira de Veterinários de Animais Selvagens ABRAVAS

CBPV Colégio Brasileiro de Parasitologia Veterinária

SPONSORSHIP

LOG nature

VET BAG

WP

voando solto

Scientific Committee

Marcelo Pires Nogueira de Carvalho, Universidade Federal de Minas Gerais, Brasil

José Luiz Catão-Dias, Universidade de São Paulo, Brasil

Renato de Lima Santos, Universidade Federal de Minas Gerais, Brasil

Júlia Angélica G. Silveira, Universidade Federal de Minas Gerais, Brasil

Marina Galvão Bueno, Instituto Oswaldo Cruz, FIOCRUZ, Brasil

Ayisa Rodrigues de Oliveira, Universidade Federal de Minas Gerais, Brasil

VII Conferencia Bienal WDA Latinoamérica
BRASIL, 2025

Moderators

Andrea Chaves, Universidade Nacional da Costa Rica
Marina Galvão Bueno, Instituto Oswaldo Cruz, FIOCRUZ, Brasil
Tânia de Freitas Raso , Universidade Federal de Minas Gerais
Bruna Hermine de Campos, Universidade Federal de Minas Gerais
Gerado Acosta, Universidad Austral de Chile , Chile
Aricia Benvenuto, Universidade de São Paulo
Oscar Rico Chavez, Universidad Nacional Autónoma de México, México
Lucas Belchior, Pontifícia Universidade Católica de Minas Gerais
Renato de Lima Santos, Universidade Federal de Minas Gerais, Brasil
Júlia Angélica G. Silveira, Universidade Federal de Minas Gerais, Brasil
José Luiz Catão-Dias, Universidade de São Paulo, Brasil
Carolina Ewbank, Universidade Estadual Paulista

SPEAKERS

INAUGURAL LECTURE

Dr. Carlos Nobre

Professor at the Institute of Advanced Studies at the University of São Paulo (USP) and Co-Chair of the Scientific Panel for the Amazon (SPA).

CLOSING LECTURE

Dr. José Luiz Catão-Dias

Full Professor at the Faculty of Veterinary Medicine and Animal Science at the University of São Paulo. Head of the Comparative Pathology Laboratory of Wild Animals.

LECTURES

Dr. Jeann Leal

Assistant Professor in the Department of Veterinary Sciences at the Federal University of Paraíba. Conducts research in wildlife health and veterinary pathology, with a focus on wild birds.

Dr. Carlos Sacristan

Veterinarian, with a master's degree from the Complutense University of Madrid and a PhD from the University of São Paulo (USP). Experienced in wildlife (focused on marine mammals), with postdoctoral research at USP and CISA. Currently works as a researcher at the Center for Research in Animal Health – CISA/INIA – Spanish National Research Council (CSIC).

Dr. Danny Fuentes

Veterinarian. Doctor in Sciences from the University of São Paulo. Researcher in genomic epidemiology of critically important resistant pathogens at the human–animal–environment interface. Head of the Veterinary Microbiology Laboratory at the University of Concepción, Chile.

Dra. Virginia Rago

Veterinarian. Biodiversity Conservation Specialist. Principal Investigator at INIBIOMA-CONICET, Junín de los Andes Branch, CEAN, Neuquén, Argentina. Coordinator of the Committee on the Use of Wild Animals in Research (INIBIOMA). Research on pathogens in wild animals, morbidity and mortality events, and animal welfare.

Dr. Etienne Waleckx

He is a researcher at the IRD and works at the Dr. Hideyo Noguchi Regional Research Center at the Autonomous University of Yucatán, where he is a visiting professor. His research focuses on Chagas disease and other Neglected Tropical Diseases from the perspective of EcoHealth/One Health, the development of diagnostic tools, and epidemiological studies. He has coordinated four research projects and published over 50 articles in international journals, two books, and eight book chapters.

ROUND TABLE

Dra. Flávia Miranda

Visiting Professor at the State University of Santa Cruz, Coordinator of the Research and Conservation Institute for Anteaters in Brazil, Scientific Coordinator of the Three-banded Armadillo Conservation Program by Associação Caatinga, and Member of the Anteater, Sloth and Armadillo Specialist Group – IUCN (Switzerland).

Dr. Alexandre Túlio

Biologist, with a Master's from USP and a PhD from UFMG in Ecology and Wildlife Conservation. Specialist in biodiversity projects, environmental policy, and applied ecology. Professor and advisor in the Master's Program in Environmen

Dr. Luiz Alcantara

Senior researcher at Fiocruz Minas (René Rachou Institute) and member of CT-Vaccines/UFMG. Coordinates the CLIMADE Consortium, the NAVIO project (One Health), and the international VEME workshop. Virologist working in genomic surveillance, bioinformatics, and virus evolution, including Zika, Chikungunya, Dengue, Mpox, and SARS-CoV-2. Member of the RELDA, VIGENDA, and PAHOGEN surveillance networks (PAHO/WHO).

Dra. Carla Sássi

Veterinarian, president of Grad, holds a law degree, a master's in Civil Defense, and is a specialist in wildlife clinical and surgical care as well as in environmental management and analysis. She also works as a civil firefighter and lecturer at Univiçosa.

Dra. Andrea Chaves

Biologist, with a Master's in Tropical Diseases (UNA, Costa Rica) and a PhD in Animal Biology (Justus Liebig University, Germany), and a postdoctoral fellowship at UNAM (Mexico). Director of CENIBiot (CENAT-CONARE) and researcher at the University of Costa Rica. Works at the interface of ecology, evolution, and society, investigating the emergence of infectious diseases in human-modified landscapes through the One Health approach.

VII Conferencia Bienal WDA Latinoamérica
BRASIL, 2025

Program

SEPTEMBER 16TH CONGRESS

8:30-9:10	**Keynote Lecture (Tropical and Temperate Forest Biomes) - Dr. Etienne Waleckx**
9:20-9:55	*Oral presentations*
9:55-10:40	COFFEE BREAK + POSTER SESSION
10:40-12:00	*Oral presentations*
12:00-14:00	LUNCH
14:00-14:40	**Keynote Lecture (Biomes: Arid and Semi-arid Environments) - Dr. Jeann Leal**
14:50-15:25	*Oral presentations*
15:30-16:15	COFFEE BREAK + POSTER SESSION
16:15-17:35	*Oral presentations*
17:40-18:40	*WDA-LA STUDENT COMMITTEE MEETING*

VII Conferencia Bienal WDA Latinoamérica
BRASIL, 2025

Program

SEPTEMBER 17TH — CONGRESS

8:30-9:10	**Keynote Lecture (Andean and Mountainous Biomes and Environments) - Dr. Danny Andrés Fuentes Castillo**
9:20-9:55	*Oral presentations*
9:55-10:40	COFFEE BREAK + POSTER SESSION
10:40-12:00	*Oral presentations*
12:00-14:00	LUNCH
14:00-14:40	**Keynote Lecture (Patagonia and Pampas Biomes) - Dr. Virginia Rago**
14:50-15:25	*Oral presentations*
15:30-16:15	COFFEE BREAK + POSTER SESSION
16:15-16:50	*Oral presentations*
16:50-18:30	**Roundtable discussion on socio-ecological and cultural issues - Dr. Flávia Miranda, Dr. Alexandre Nascimento, Dr. Luiz Alcântara, Dr. Carla Sássi, Dr. Andrea Chaves. Moderator: Dr. Marina Galvão Bueno**

VII Conferencia Bienal WDA Latinoamérica
BRASIL, 2025

Program

SEPTEMBER 18TH — CONGRESS

8:30–9:10	**Keynote Lecture (Marshes, Cerrado and Savannas Biomes) – Dr. Flávia Miranda**
9:20–9:55	*Oral presentations*
9:55–10:40	COFFEE BREAK + POSTER SESSION
10:40–12:00	*Oral presentations*
12:00–13:30	LUNCH
13:30–14:10	**Keynote Lecture (Marine and Island Biomes and Environments) – Dr. Carlos Sacristán**
14:20–15:30	*Oral presentations*
15:30–16:15	COFFEE BREAK + POSTER SESSION
16:15–17:15	**Closing Lecture – Dr. José Luiz Catão-Dias**
17:15–18:00	*WDA-LA ASSEMBLY (NEW HEADQUARTERS, OTHER MATTERS)*
18:00–18:30	*Awards for oral and poster presentations*
19:00	CLOSING
20:00	CLOSING DINNER

BIBLIOGRAPHY

Ectoparasites and vector-borne pathogens in Phyllostomidae bats insights from an urban forest fragment in Southeast, Brazil ……31

Hemosporídeos em aves de matas úmidas serranas do Nordeste brasileiro……..32

Metagenomic enables the first detection of *Trypanosoma* sp. in Streblidae (Diptera: Hippoboscoidea) parasitizing bats in São Paulo, Brazil……..33

Effects of land-use change on leptospira seroprevalence in wild rodents……34

Influência do Grau de Cobertura Florestal sobre a Diversidade Viral em um Roedor Neotropical: Uma Abordagem Metagenômica para Vigilância de Zoonoses……35

Coinfecção por *Mycoplasma* sp. hemotrópico e *Rickettsia* sp. em um ouriço-cacheiro (*Coendou spinosus*) de vida livre ……36

Análisis de rasgos ecológicos para la identificación de hospederos potenciales de Arenavirus y Hepacivirus en roedores de América……...37

Análisis de la tasa de infección por *Trypanosoma cruzi* en *Rattus rattus* y *Rattus norvegicus* en áreas naturales y rurales de la zona central de Chile……38

Análisis de la prevalencia de *Leptospira* spp. en roedores invasores del género *Rattus* en distintos tipos de hábitats en la ecoregión mediterránea de Chile……39

Genetic comparison of partial HSV-1 DNA polymerase sequences from Peruvian Neotropical primates and their association with disease manifestation……..40

Achados toxico-patológicos em primatas expostos a agrotóxicos na Amazônia Meridional brasileira……...41

Astroviruses in South American Neotropical Primates Rescued from Illegal Wildlife Trafficking in Peru……...42

Bartonella quintana en un grupo de monos arañas confiscados cerca de la frontera sur de México……..43

Frequência de soropositividade e capacidade de transmissão de *Leishmania infantum* de micos estrela (*Callithrix penicillata*) e quatis (*Nasua nasua*) de vida livre na Região Periurbana de Belo Horizonte……..44

Citrobacter freundii produtor de ESBL em isolado clínico de Macaco-prego (*Sapajus nigritus*) oriundo de um fragmento florestal inserido em área urbana no oeste do Paraná, Brasil……45

Patrones alimenticios de los mosquitos en un gradiente de uso de suelo en la Península de Yucatán: Posibles implicaciones para la transmisión de flavivirus 46

Bat tryp.: morcegos de cabruca e tripanossomos Neobats 47

El efecto de la fragmentación del paisaje y la presencia de Enterobacterales resistentes a cefalosporinas de 1° generación en murciélagos de las regiones de Los Rios y Los Lagos en el Sur de Chile.....48

Immunopathological differences between marmosets (*Callithrix* spp.) and howler monkeys (*Alouatta* spp.) naturally infected with *Toxoplasma gondii*, southern Brazil.....49

Estudios eco-epidemiológicos de ratas invasoras (*Rattus* spp.) en un hotspot de biodiversidad de Chile central.....50

Impacto antrópico en carnívoros silvestres: un análisis de 10 años en un Centro de Rehabilitación de Fauna Silvestre en Santiago de Chile.....51

Ecologia parasitária, ecotoxicologia e patologia da rã-caçote (*Leptodactylus macrosternum* Miranda-Ribeiro, 1926) em áreas com diferentes tipos de uso do solo o domínio morfoclimático das Caatingas: um estudo sob a ótica da Saúde Única.....52

Dos nuevas genoespecies del género *Borrelia* detectadas en garrapatas de roedores silvestres en el norte de Chile.....53

No flea behind the ear: the increased role of host network ecology on historical Plague epidemics in the Araripe Plateau, in Northeastern Brazil.....54

Cambios en los patrones conductuales de *Mepraia spinolai* en relación con la carga parasitaria de *Trypanosoma cruzi* y la variación térmica producto del cambio climático.....55

Virulencia bacteriana en evidencia: Análisis genómico, clínico y forense de infecciones por Enterobacterales en fauna silvestre de Chile.....56

Caracterización genómica de Enterobacterales productores de betalactamasas de espectro extendido (E-BLEE) y carbapenemasas en cuerpos de agua de la región de Ñuble, Chile: Una amenaza para la fauna silvestre y salud pública.....57

Mountain sentinels: The Pyrenean capercaillie (*Tetrao urogallus aquitanicus*) as an indicator of environmental antibiotic contamination in the Pyrenees, northeastern Spain.....58

Diversidad de esquistosomátidos aviares (Digenea: Schistosomatidae) en aves y moluscos acuáticos de Chile.....59

Influenza A (H5N1) em aves e mamíferos da Antártica: um novo desafio para a saúde da vida silvestre polar 60

Detección de Virus de Influenza Aviar de Alta Patogenicidad H5Nx clado 2.3.4.4b en especies de aves marinas Antárticas……..61

Preparo e resposta a epizootias na interface saúde humana-silvestre: o caso do Plano de Contingência para Influenza Aviária Altamente Patogênica (IAAP) no Estado do Rio de Janeiro, Brasil……..62

Niche construction consequences of parasite virulence in threespined sticklebacks immunity……...63

Determinantes de la respuesta inflamatoria eosinofílica en Cachorros de Lobo Fino Austral (*Arctocephalus australis*): Revelando Nuevas Perspectivas Inmunológicas..……..64

Interspecies variability of the gut microbiota of rodents in southern Chile……..……..65

Morbillivirus surveillance in *Stenella* spp. Dolphins stranded on Brazilian coast (2019-2024)…….66

Análisis genómico de patógenos resistentes de prioridad critica circulando en animales silvestres de las costas de la región de Ñuble, Chile……..67

Resistencia a florfenicol en Enterobacterales que colonizan fauna silvestre y doméstica de las regiones de Los Ríos y Los Lagos en Chile: potencial impacto de la salmonicultura……..……..68

Gut microbiota variability of *Myotis chiloensis* in fragmented habitats of southern Chile……..69

Infecção natural por *Leishmania infantum* em graxaim-do-mato (*Cerdocyon thous*) em Porto Alegre, Brasil……...……...70

Diversidad, ecología y conservación de murciélagos en Chile: un análisis de la producción científica en la última década……..71

Tricomoníase em Coruja Jacurutu: Detecção molecular e cultivo em meio Diamond……...72

Patrones de actividad espacio-temporales de las comunidades de quirópteros en la Reserva Vodudahue, provincia de Palena, Los Lagos, Chile……73

Patógenos compartidos entre perros (*Canis familiaris*) y aguará guazú (*Chrysocyon brachyurus*) en la interfase doméstico-silvestre: evidencia serológica y molecular en Santa Fe, Argentina……..……74

Feline Leukemia Virus (FeLV) in free-ranging Neotropical wild felids and among domestic cats found inside protected areas from Southern Brazil……..75

Evaluation of the spatial overlapping of Neotropical otter with dogs and cats and its exposure to pathogens classically associated with domestic animals……..……..76

Evaluation of body condition score in a group of Capuchin monkeys (*Sapajus* sp.) under human care……77

Multi-Host Circulation of Canine Distemper Virus (CDV) in the Cerrado and Pantanal Biomes of Mato Grosso do Sul, Brazil……78

Vigilância epidemiológica em Mamíferos Silvestres Urbanos: Coexistência e transbordamento viral……79

Detection of Canine Distemper Virus in a Population of Giant Anteaters (*Myrmecophaga tridactyla*) in the Pantanal Subregion of Aquidauana……80

Uncovering the movement behavior of free-ranging dogs and their potential impacts on wildlife……81

Hidden in Plain Sight: Description of a new *Plasmodium* n. sp. and Its Potential Pathogenicity in Wild Brazilian Wood-Rails……82

Trypanosoma spp. en ciervo de los pantanos *(Blastocerus dichotomus*), en los Esteros del Iberá y el Bajo Delta del Paraná, Argentina……83

Marcadores proteicos para el estudio del nemátodo parásito *Dioctophyme renale……84*

Identificação de *Klebsiella aerogenes* resistente à aminoglicosídeos em Lagarto-teiú (*Salvator merianae*)……85

Detecção de Patógenos com Potencial Zoonótico em Onças-Pintadas no Pantanal Mato-Grossense……86

Esterilização de *Callithrix* sp. como estratégia de conservação de *Callithrix aurita* e manejo pós-operatório comparando pomada comercial e pomada derivada de *Croton urucurana*……87

O turismo de conservação integrado a projetos de pesquisa: o ecovoluntariado no Projeto Lontra……88

Fauna silvestre como portadora de bacterias resistentes a fluoroquinolonas: Estudio en un Centro de Rehabilitación de Chile……89

Alterações morfológicas eritrocitárias em ofídios de vida livre parasitados naturalmente por *Hepatozoon* spp. no Estado do Acre - Amazônia Ocidental……90

Caracterização morfométrica de eritrócitos de serpentes da família Boidae da Amazônia Brasileira……91

Análise microbiológica comparativa entre Botos-do-Araguaia (*Inia araguaiaensis*) capturados em região antropizada e área de reserva ecológica……92

Ectoparasitos em mamíferos silvestres e domésticos na Terra Indígena Xakriabá: existe relação?……..……93

Análisis de causas de ingresos en fauna silvestre del CRFS-UdeC durante el período 2024-2025……94

Caracterização histomorfológica de fungos invasivos em rins de quirópteros da Amazônia Brasileira……..95

Habitat use and pathogens diversity in wild white-lipped peccary (*Tayassu pecari*) from the Osa Peninsula (Costa Rica)……..……96

Diversidad parasitaria de *Alouatta guariba guariba* en dos fragmentos forestales con diferentes métricas en el Centro Sur de Bahía, Brasil: un estudio preliminar…….……97

La asociación entre la fragmentación del paisaje y la presencia de Enterobacterales resistentes a cefalosporinas de 1° generación en roedores silvestres de las regiones de Los Rios y Los Lagos en el Sur de Chile……..……98

Viral Surveillance in Wild Bats from an Urban Forest Fragment in Minas Gerais, Brazil……..……99

Achados anatomopatológicos da infecção por *Chlamydia* spp. em jararaca (*Bothrops jararaca*)……..……100

Histopathological Findings in Lungs of Road-Killed Opossums in Londrina and Surrounding Areas……..……101

Investigação de microfilárias em Quatis (*Nasua nasua*) de vida livre na região de Botucatu, SP……..……102

Associated injuries of a porcupine (*Coendou spinosus*) killed by a forest fire in a periurban region of São Paulo, Brazil: case report……...103

Detection of Alphaherpesviruses in the Trigeminal Ganglia of Neotropical Primates……...104

Helminth infections in free-living *Callithrix penicillata*, black tufted marmoset (Geoffroy, 1812): A case report of severe parasitism by *Primasubulura* (NEMATODA: SUBULURIDAE) (Marcel, 1857) in urban park, Belo Horizonte, Brazil……..……105

Perfil epidemiológico de ouriços-cacheiros (*Coendou spinosus*) encaminhados ao Centro de Triagem de Animais Silvestre de Belo Horizonte, Minas Gerais……..……106

Toxoplasmose fatal em *Cerdocyon thous*: Implicações para a Saúde Única……..107

Detection of Hantavirus by immunohistochemistry in small mammals from Atlantic Forest (Rio de Janeiro-RJ) of Brazil……..……108

Multiparasitismo em *Leopardus wiedii* em área periurbana do Rio Grande do Sul……..109

Detecção molecular de hemopatógenos em mamíferos da Fundação de Parques e Zoo Botânica de Belo Horizonte, Minas Gerais, Brasil……..110

Uso do google forms como ferramenta de monitoramento comportamental e clínico em animais sob manejo no centro de conservação dos saguis-da-serra da Universidade Federal de Viçosa……111

Dynamics of IgM and IgG antibody responses against *Plasmodium* antigens in naturally infected neotropical primates in Brazil……..112

Lack of Yellow Fever Virus exposure in buffy-tufted ear marmosets (*Callithrix aurita*) from a conservation center in southeastern Brazil……113

Detección y caracterización genómica de enterobacterales productores de betalactamasas de espectro extendido en micromamíferos silvestres de las regiones de Los Ríos y Los Lagos, Chile……..114

Comparación epidemiológica y genómica de resistencia bacteriana de prioridad crítica en el centro de rehabilitación de fauna silvestre udec durante 2022 y 2024……115

Morphological diversity and host-parasite interaction network of bat ectoparasites (Streblidae) in an urban atlantic forest fragment……116

Lesiones externas halladas en primates neotropicales recuperados del trafico ilegal en Lima-Perú, periodo 2022……117

Identificación de hemoparásitos y ectoparásitos en strigiformes de las regiones de biobío y el Ñuble, Chile……118

Nuevos registros de pulgas (insecta: Siphonaptera) asociadas con mamíferos de Chapa de Mota, estado de México, México……119

Importância de morcegos não-hematófagos na cadeia epidemiológica da raiva em zona urbana no estado de São Paulo, Brasil……120

Field laboratory: saliva as a tool to monitor microbial diversity and pathogens……121

Molecular detection of *Hepatozoon* spp. in blood samples of brazilian snakes: a nationwide investigation……122

La colección de ectosimbiontes de fauna silvestre del DEFSAL-FMZ-UNAM y el estudio de la ecología de enfermedades……123

Análise de risco da febre amarela para o mico-leão-da-cara-preta (MLCP; *Leontopithecus caissara* lorini & persson, 1990)……124

Transformación del paisaje en la Región de Los Ríos y Los Lagos, Chile y sus implicancias para la transmisión de agentes zoonóticos……125

Investigação dos vírus oropouche e mayaro em aves silvestres no estado de São Paulo no ano de 2022……..……126

Caracterización genómica de *Escherichia coli* productoras de betalactamasas de espectro extendido aisladas de mosca domestica ¿una amenaza emergente para la fauna insectívora?……..127

Chlamydia psittaci detection in *Amazona aestiva* nestlings recently seized from illegal wildlife trade in São Paulo, Brazil……128

Predação por gatos domésticos em parque urbano: implicações para a biodiversidade e para a abordagem "one health"……129

First report of two close cases of poxvirus in porcupine (*Coendou spinosus*) in Caxias do Cul - Rio Grande do Sul, Brazil……130

Morfometria dos eritrócitos de elapídicos e vipeírideos da fauna amazônica - estado do Acre……131

Detecção molecular de *Leptospira* spp. em mamíferos silvestres mantidos em centro de reabilitação……...132

A abordagem One Health em estudos com populações de capivaras (*Hydrochoerus hydrochaeris* Linnaeus, 1766) em áreas antropizadas de Mata Atlântica no Brasil……..132

Avances en el Diseño y Aplicación de un Distintivo Ganadero para la Conservación de Ecosistemas y Fauna Silvestre en México……...134

Landscape, Abiotic, and Host-Related Drivers of Ectoparasitism in Wild Rodents from Southern Chile……..……135

Infecção por *Streptococcus didelphis* em gambás de vida livre na cidade de São Paulo……..136

Combatendo invasores: contribuições para um protocolo de esterilização de saguis (*Callithrix* sp.)……..……137

Anemia transitoria en un *Choloepus hoffmanni* en un centro de rescate en Costa Rica……..……138

Diagnóstico molecular de *Leptospira* spp. em roedores de um canil municipal e de um centro de triagem de animais silvestres……...……139

Meningite em filhote de Lobo-Guará (*Chrysocyon brachyurus*) vitimado por atividade agrícola……..140

Linfoma em *Callithrix kuhlii* e a Potencial Ligação com o Uso de Agrotóxicos no sul da Bahia……..……141

Detecção imuno-histoquímica de mioglobinúria renal em primatas de vida livre: estudo preliminar sobre os impactos das ações antrópicas……..142

Lesions Found in the Northern White-Breasted Hedgehog (*Erinaceus roumanicus*): A Comprehensive Pathological Study……..143

Saúde e biodiversidade: análise das interações em parques urbanos de Belo Horizonte, Minas Gerais……144

Banco de referência tricológica para monitoramento de patógenos……145

Reporte de diversos estudios de caso que revelan elevada incidencia de mutaciones en *Choloepus hoffmanni* en Costa Rica……146

Perspectivas educativas y éticas en torno a la tenencia de animales Silvestres: Un Estudio de Percepción y Análisis de la formación académica de Estudiantes Mexicanos de Veterinaria……..147

Tracking Wildlife Health through Roadkill: Pathogen Surveillance in Wild Canids and Felids along Fragmented Landscapes in São Paulo, Brazil……148

Antibiotic resistance genes of public health relevance in wild ungulates of Andalusia, southern Spain……149

Presença de riquétsia do Grupo Febre Maculosa e diferenças no parasitismo por carrapatos em aves de Floresta Atlântica e restinga do Estado do Rio de Janeiro……150

Risk factors associated with *Toxoplasma gondii* infection in Neotropical Primates of Brazil……151

Doce años de importación de aves exóticas en Chile: Implicancias para las invasiones biológicas y la transmisión de patógenos……152

Análise epidemiológica e clínica de casos de Poxvírus aviário recebidos pelo Instituto Adolfo Lutz de 2018 a 2024……153

Gastrointestinal Parasitism in Endangered Black Lion Tamarins (*Leontopithecus chrysopygus*) Across Anthropized Atlantic Forest Fragments……154

Parasitismo como achado post mortem em Quati (*Nasua nasua*) na região Oeste do Paraná, Brasil……155

Parasitos e alterações teciduais em quirópteros neotropicais da grande São Paulo.....156

Circulação de *Leishmania* sp. em cães domésticos no Parque Nacional do Caparaó: Um Alerta para a Conservação e Saúde Pública……157

Bird death after collision with mirrored building in São Paulo: warning of invisible Enemy……158

Comparação entre dois protocolos de eutanásia realizados em roselas (*Platycercus eximius*) e periquitos-de-colar (*Psittacula krameri*)……..……159

Murciélagos urbanos y trampas ecológicas: consecuencias fisiológicas de la urbanización en *Artibeus jamaicensis*……160

Primer aislamiento de *Bartonella* spp. en roedores y pulgas de Chile: un primer paso hacia la caracterización de una nueva especie……161

Diversidade de Hemoparasitos em *Gonatodes humeralis* (Guichenot, 1855) da Amazônia Maranhense……..……162

Análise molecular de agentes etiológicos potencialmente zoonóticos em Tamanduás-bandeira e Tamanduás-mirins no estado de São Paulo……..163

Investigação molecular de leishmanioses em roedores da Amazônia paraense……..164

Investigação molecular de tripanossomatídeos em roedores silvestres do interior de São Paulo……..165

Investigação Molecular de *Ehrlichia* spp. em *Myrmecophaga tridactyla* e *Tamandua tetradactyla*……166

Principais achados patológicos em Saguis-da-serra-escuro (*Callithrix aurita*) em manejo *ex-situ* para fins de conservação……..……167

La fiebre de los Capibaras: dinámica de la infección del virus de la Hepatitis E y la salud del ecosistema en contextos de invasiones biológicas……...168

Descrição morfométrica e radiográfica cardíaca de *Leontopithecus chrysomelas*……169

Factores ecológicos y geográficos en la composición de helmintos asociados a primates del género Alouatta……170

Dermatofitosis causada por *Trichophyton tonsurans* en monos aulladores de manto (*Alouatta paliatta*) en Mexico……..171

Artrópodos parásitos y helmintos de *Asio flammeus*, Athene cunicularia y Bubo magellanicus (Strigiformes: Strigidae) en las regiones del Ñuble, Biobío y Los Ríos, Chile……172

Saúde Única em ecossistemas aquáticos: Parasitologia Ambiental, Patologia e Ecotoxicologia em populações de cágado-de-barbicha (*Phrynops geoffroanus*) (Schweigger, 1812) em um rio hipereutrófico……..…173

Pesquisa e quantificação de metais em quatis (*Nasua nasua*) e gambás (*Didelphis* sp.) de vida livre que coabitam parques urbanos de Belo Horizonte - Minas Gerais……174

La multifuncionalidad ecosistémica en paisajes ganaderos, una visión a través de los murciélagos……175

Parasitos de Peixes de Água Doce Amazônicos Ornamentais……176

Monitoramento do vírus da raiva em morcegos capturados em fragmentos florestais urbanos na Amazônia Ocidental brasileira……177

Raiva em cachorro-do-mato (*Cerdocyon thous*) na área urbana do município de Tietê, São Paulo……178

Avaliação da glicemia em *Callithrix kuhlii* de vida livre: comparando métodos……179

Bridging ecology and governance: mammal host richness and adaptive capacity reduce leptospirosis vulnerability……180

Número de Aves de Rapina ameaçadas admitidas em Centros de Animais Selvagens na América do Norte e América do Sul: Um Estudo Retrospectivo……181

Evaluation of Muscle Mass Score (MMS) in Crab-Eating-Fox (*Cerdocyon thous*) Using Ultrasonography ……182

Beyond life and death: Dogs' demography and management through the lens of human wildlife coexistence……183

Reverse Zoonosis of Human Herpesvirus 1 Causing a Mortality Outbreak in *Callithrix penicillata*, Minas Gerais, Brazil ……184

Educação ambiental e conservação por meio da observação comportamental e enriquecimento de fauna silvestre no contexto escolar……185

A coexistência entre cão, humano e fauna: Saúde Única no Cerrado brasileiro……186

Research on transmissible agents in free-ranging pumas (*Puma concolor*) and jaguars (*Panthera onca*) in the Caatinga, Cerrado, and Atlantic Forest biomes……187

Tratamento de ferida com associação de terapias convencionais e integrativas e avaliação sanitária de lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) de vida livre recebido no Centro de Triagem de Animais Silvestres (CETAS) de Belo Horizonte……188

Coinfecção por sarna sarcóptica (*Sarcoptes scabiei*) e dermatofitose em lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) de vida livre: Relato de Caso……189

Use of Computed Tomography to Estimate Visceral Fat and Body Condition Score in Crab-Eating Foxes (*Cerdocyon thous*)……190

Contaminación por Plaguicidas: Un Estudio en Parques Nacionales Argentinos y su fauna……191

Molecular screening of selected RNA viruses in Neotropical Wild Felids of Brazil……...192

Ectoparasitas em Lobo-Guará no Brasil: Vetores de Doenças e Riscos em Áreas de Conflito Antrópico……...193

The novel '*Candidatus* Mycoplasma haemosphiggurus' in free-ranging porcupines: host range and geographic distribution expansion……194

Spirometra spp. e *Echinococcus oligarthrus* em amostras fecais de onças-pintadas (*Panthera onca*): primeiro registro no Pantanal……195

Protocolo de identificação visual no monitoramento de saúde e comportamento de tamanduás-bandeira (*Myrmecophaga tridactyla*) reabilitados, reintroduzidos e monitorados em vida livre pelo Instituto Tamanduá no Pantanal Sul……196

Esquistossomose em um gavião-caramujeiro (*Rostrhamus sociabilis*).....197

Encontros agonísticos entre tamanduás-bandeira podem ser fatais……198

Investigação molecular de *Leishmania* spp. em morcegos de uma área endêmica do centro-oeste paulista……199

Circulação do parvovírus canino em quatis (*Nasua nasua*) em parque urbano do Brasil……200

"One Burrow, One Health": The Potential Role of Armadillos in Early Detection of Reemerging Diseases and in the Promotion of Integrated Preventive Health Strategies in Wildlife, Domestic Animals, and Humans……201

Health under pressure: wild canid disease surveillance in a fragmented landscape in the Cerrado……202

Ocorrência de *Spirometra* spp. em amostras fecais de onças-pintadas (*Panthera onca*)……203

Treatment of pressure gun fractures and release in the wild of a caracara (*Caracara plancus*)……204

Occurrence of Brazilian Porcupinepox Virus (BPOPV) in free-ranging porcupines (*Coendou longicaudatus*) from Southeastern Brazil……205

Discoespondilite em pinguim-de-Magalhães (*Spheniscus magellanicus*) de vida livre……206

Impacto da interação de vandalismo e agressão em Fragatas (*Fregata magnificens*) no Rio de Janeiro, Brasil……207

Carcinoma renal tubular em atobá-grande (*Sula dactylatra*).....208

Alterações cardíacas congênitas em cetáceos costeiros no litoral sul e sudeste do Brasil , relatos de casos……209

Melanoma intraocular em *Sula leucogaster*: relato de caso……210

Infecção por *Toxocara* spp. e *Toxascaris* sp. em felídeos silvestres no Rio Grande do Sul, Brasil……211

Evidence of interaction with nylon monofilament and sublethal effects on pectoral fin bones of Guiana Dolphins (*Sotalia guianensis*) from the coast of Rio Grande do Norte, northeastern Brazil……212

Primeiro Relato de *Plasmodium cathemerium* em *Larus dominicanus*: Uma Abordagem Integrativa……213

Evaluación de patógenos zoonóticos en roedores invasores de Punta San Juan, Perú….214

Escherichia coli ST219 productora de CTX-M-55 en *Larus dominicanus* de Isla Navarino, Chile: registro más austral de patógenos resistentes de prioridad crítica en fauna silvestre……215

Estrutura móvel de resposta para aves silvestres em atendimento à emergência zoossanitária de influenza aviária altamente patogênica (IAAP) no Estado do Rio de Janeiro, Brasil……216

First Report of Avian Malaria in Cory's Shearwater (*Calonectris borealis*) Stranded in a Coastal Area in Brazil……217

Comparative pathology and health evaluation of bycaught Franciscana dolphins (*Pontoporia blainvillei*) from central area of São Paulo coast, Brazil……218

Every Breath You Take: Survey of Selected Infectious Agents in exhaled breath from Humpback Whales in the Abrolhos Bank, Brazil……219

Skin in the game: molecular surveillance of emerging viruses in live free-ranging cetaceans of Brazil……220

Pneumonia parasitária e infecção por *Diomedenema sp*. em *Thalassarche melanophris*……221

Diversidade de bactérias e fungos em Procellariiformes encalhados no litoral norte de Santa Catarina, Brasil……222

Molecular screening of Morbillivirus in Franciscana dolphins (*Pontoporia blainvillei*), Brazil: preliminary results……223

Immune costs in a long-distance migratory shorebird: physiological implications……224

Perfil de sensibilidade e resistência antimicrobiana de *Salmonella* spp. isolada de pinguins-de-magalhães (*Spheniscus magellanicus*, Forster, 1781) no litoral sul do Brasil……225

El impacto de la disponibilidad de presas, en el tiempo de cuidado materno y el crecimiento de los cachorros de lobo fino austral (*Arctocephalus australis*), en Isla Guafo, Chile……226

Viral prospecting in vampire bat (*Desmodus rotundus*) colonies along the coastal zone of the Antofagasta Region, Chile: detection of Adenovirus, Coronavirus, Rabies Virus, and Influenza A……227

Dirofilariose em lontra-neotropical (*Lontra longicaudis*) de vida-livre: relato de caso……...228

Adenovirus and Herpesvirus surveillance in *Procellariiformes*, Southeastern Brazil……229

Molecular detection of Adenoviruses and Herpesviruses and hematological and biochemical profile assessment in seabirds from the Cagarras Archipelago, Rio de Janeiro, Brazil…..230

Detecção de *Scutavirus chelonidalpha5* em amostras de sangue de tartarugas marinhas verdes (*Chelonia mydas*) capturadas na costa do Brasil……..231

Post-mortem analysis of Franciscana dolphin calves stranded along the coast of Brazil between 2022-2024……232

Histopathological findings and investigation of Morbillivirus in lungs of stranded pinnipeds on the coast of Paraná……..233

Identificación de *Fusarium* spp. en tiburón martillo liso (*Sphyrna zygaena*) capturado para consumo en las costas de Perú……234

Efectos de la infección por *T. cruzi* sobre la conducta locomotora circadiana de triatominos endémicos de Chile sometidos a variación térmica en contexto de cambio climático……235

Efecto del cambio climático en la supervivencia y el ciclo biológico del vector silvestre de la enfermedad de chagas en Chile central ……236

Impacto de la expansión urbana en *Leopardus colocola*: amenazas y conservación en Chile……237

Investigação de *Hepatozoon* spp. em répteis do semiárido nordestino, Brasil ……238

Detección de endoparásitos en heces *Lagidium viscacia* (Rodentia: Hystricomorfa: Chinchillidae) en una Reserva de la Biosfera de Chile Central ……..239

Bacterias resistentes de prioridad crítica en aves silvestres que habitan diferentes ambientes de la región de Ñuble, Chile……240

La amenaza invisible: Evaluando y mitigando la potencial transmisión de enfermedades a felinos pequeños silvestres en los bosques nubosos de Costa Rica……..…241

Evaluación del estado de salud de lagartija *Petracola ventrimaculatus* (Reptilia:Sauria) mediante el índice de condición corporal y perfil leucocitario……..…242

Coinfecção por *Dioctophyma renale* e *Capillaria plica* em lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) no sul do Brasil ……..…243

ORAL PRESENTATION

Ectoparasites and vector-borne pathogens in Phyllostomidae bats: insights from an urban forest fragment in Southeast, Brazil

Nicolas Colácio | Yasmin Cerqueira e Silva | Lucas Belchior Souza de Oliveira | Pedro Gabriel Santos Andrade | Leonardo Pereira de Alcântara | Luiz Gustavo Magalhães Alves | Lis Marques de Carvalho e Vieira | Bruna Hermine de Campos | Gabriel Félix Diório | Brenda Karolina Gomes-Almeida | Almir Rogério Pepato | Kirstern Lica Follmann Haseyama | Marcelo Pires Nogueira de Carvalho | Érika Martins Braga | Júlia Angélica Gonçalves da Silveira

Ponente: Nícolas Colácio, nicocolacio@gmail.com

RESUMEN: Although it's known that bats harbor several viruses and bacterias, their host potential for hemoparasites are still poorly studied. The present study aimed to investigate the occurrence of ectoparasites and vector-borne pathogens in Phyllostomidae bats sampled at an urban forest fragment in southeast Brazil. From each bat specimen (n = 74), blood samples were collected to prepare blood films and the remaining was stored in filter papers, sequentially submitted to DNA extraction. Therefore, 31.1% were ectoparasitized: 82.6% carried only Streblidae bat flies, 13.0% only mites, and 4.4% were co-infected by both parasites. Structures resembling hemoparasites were not observed in Giemsa-stained preparations. Additionally, 1.4% were positive for *Ehrlichia* sp., 20.3% for hemotropic *Mycoplasma* spp., and 1.4% for *Leishmania* sp. All animals were negative for the PCR assays targeting the Haemosporida and Piroplasmida orders, *Anaplasma* sp., *Neorickettsia* sp., *Trypanosoma cruzi*, and *T. evansi*. Coinfections occurred in 1.4% of positive samples. Sequencing revealed that *Ehrlichia* sp., which are closely related to *Ehrlichia canis*; and hemotropic *Mycoplasma* sp., which are closely related to hemoplasmas previously described in bats; These findings confirmed the presence of ectoparasites and hemopathogens in Phyllostomidae bats, implying the maintenance of their cycles in urban forest fragments and highlighting the importance of studying these pathogens in bats from Brazil.

ORAL PRESENTATION

Hemosporídeos em aves de matas úmidas serranas do Nordeste brasileiro

Erika Martins Braga | Pedro Henrique Oliveira Pereira | Geovana Souza Sandes | Alexandre Mendes Fernandes | Luís Fábio Silveira

Ponente: Erika Martins Braga, embraga@icb.ufmg.br

RESUMEN: No Nordeste do Brasil, matas úmidas, conhecidas popularmente como Brejos de Altitude, estão presentes em áreas montanhosas rodeadas pela Caatinga semiárida. Esses remanescentes são testemunhos das flutuações históricas entre a Mata Atlântica e a Floresta Amazônica, abrigando elevada biodiversidade, espécies endêmicas e ameaçadas. Destaca-se a avifauna, com cerca de 40% das espécies de aves dependentes desses ambientes. Muitas dessas aves atuam como hospedeiras de parasitos, e sua extinção pode levar à coextinção de parasitos específicos, resultando na perda de biodiversidade ainda pouco documentada. Este estudo investigou a comunidade aviária dos brejos de altitude para compreender a dinâmica coevolutiva entre hemosporídeos (Apicomplexa: Haemosporida) e seus hospedeiros. Foram capturadas 362 aves com redes de neblina em seis áreas localizadas nos estados de Pernambuco e Paraíba. Amostras de sangue foram coletadas para a confecção de esfregaços sanguíneos e armazenamento em papel de filtro para análises moleculares. Um total de 227 aves foi testado para hemosporídeos por meio da amplificação de um fragmento do gene *cytb*. Parasitos dos gêneros *Plasmodium* e/ou *Haemoproteus* foram detectados em 13 aves das espécies: *Arremon taciturnus* (9), *Conopophaga cearae* (1), *Sittasomus griseicapillus* (1) e *Turdus leucomelas* (2). Foram recuperadas duas linhagens de *Plasmodium*, JX467689 (*Plasmodium nucleophilum*) em *Arremon taciturnus* e JX021462 em *Turdus leucomelas*. Além disso, dois indivíduos de *Elaenia chilensis*, espécie migratória, apresentaram infecção pela linhagem MN083254 de *Leucocytozoon*. A análise dos esfregaços revelou duas formas distintas de *Leucocytozoon*, sugerindo coinfecção e indicando que essas aves podem atuar como fontes de infecção para vetores e aves residentes. Os dados reforçam a importância de conhecer a comunidade parasitária nos brejos de altitude, especialmente pela identificação de espécies ameaçadas infectadas, como *Conopophaga cearae*, e migratórias, como *Elaenia chilensis*, para subsidiar estratégias de conservação.

ORAL PRESENTATION

Metagenomic enables the first detection of *Trypanosoma* sp. in Streblidae (Diptera: Hippoboscoidea) parasitizing bats in São Paulo, Brazil

Roberta Marcatti | Lucas Augusto Moysés Franco | Esmenia Coelho Rocha | Marcello Schiavo Nardi | Juliana Laurito Summa | Eric Thal Brambilla Cordeiro da Silva | Gustavo Graciolli | Ester Cerdeira Sabino

Ponente: Roberta Marcatti, robertamarcatti@usp.br

RESUMEN: Trypanosomatids are protozoan parasites affecting various hosts, with significant medical and veterinary importance. Bats, essential for ecosystem services like pollination and pest control, also act as reservoirs for various pathogens, including trypanosomatids. This study investigated microorganisms in Streblidae flies collected from *Carollia perspicillata* bats in an Atlantic Forest periurban green area: the Anhanguera Wildlife Refuge (São Paulo municipality), in August 2023. Through metagenomic analysis, using the Oxford Nanopore Technology, we detected *Trypanosoma* sequences in three samples of *Strebla guajiro* flies of the total six parasitized bats captured in the same place and day, making this the first report of this parasite in bat flies of the Streblidae Family. Phylogenetic analysis of the 18S SSU rRNA partial region positioned these sequences within the Neobat4 clade, previously associated exclusively to *Carollia* sp. bats, representing the first record of this clade in São Paulo state. The sequences detected in this study, although closely related to *Trypanosoma wauwau*, formed a distinct monophyletic group within the Neobat4 clade with high bootstrap support (98%). Among the five previously described clades of bat *Trypanosoma* sp., Neobat5 was detected in Acre state, which borders Peru and Bolivia in South America. This geographical distribution emphasizes the importance of broader investigations across South American countries to better understand the distribution patterns of these protozoan parasites in the Neotropical region. The exclusive detection in *S. guajiro* specimens associated with *C. perspicillata* reflects the complexity of host-parasite-vector interactions. While Streblidae flies' vector competence remains unconfirmed, their detection as *Trypanosoma* sp. carriers highlights their potential role in parasite transmission and utility as pathogen surveillance sentinels. These findings enhance our understanding of trypanosomatid ecology and distribution in periurban green areas, emphasizing the importance of monitoring these interactions, especially considering climate change impacts on vector-borne diseases.

ORAL PRESENTATION

Effects of land-use change on leptospira seroprevalence in wild rodents

Camilo Tomckowiack | Gerardo Acosta-Jamett | Maria Leal | Juan Alarcón

Ponente: Camilo Tomckowiack Jeldres, camilojeldres@gmail.com

RESUMEN: Forest fragmentation and changes in landscape composition are recognized as key drivers influencing wildlife-pathogen interactions and the emergence of zoonotic diseases like leptospirosis. Understanding these relationships is crucial for predicting and mitigating public health risks. In this context, this study evaluated the seroprevalence of *Leptospira* spp. in wild rodent populations across a land-use gradient in the Los Ríos and Los Lagos regions of southern Chile. Between spring 2023 and summer 2024, 249 plasma samples were collected, primarily from *Abrothrix olivacea* and *Oligoryzomys longicaudatus*, at 85 sites exhibiting varying degrees of land-use transformation. Serological testing using the Microscopic Agglutination Test (MAT), targeting eight leptospira serogroups, revealed an overall seroprevalence of 48.6%, with the main serovars identified as Hardjo (35.5%), Autumnalis (34.7%), and Grippotyphosa (16.5%). Environmental factors corresponding to the sampling sites were obtained through spatial analysis of Sentinel2 and ERA5 data, and their association with *Leptospira* seroprevalence was subsequently investigated using a generalized linear mixed model (GLMM), with sampling site as a random effect to evaluate ecological and individual predictors of exposure. The results of this analysis indicated a significant association between *Leptospira* seroprevalence in wild rodents and tree cover, as well as mean temperature, suggesting that vegetated and warmer habitats favor pathogen exposure. When analyzed by serovar, Grippotyphosa showed a positive association with urbanized areas, Autumnalis with higher temperatures and Hardjo with tree cover. These findings highlight the variable response of different *Leptospira* serovars to environmental and landscape factors, underscoring the fundamental importance of ecological context in understanding their distribution and the role of land-use ecological characteristics in shaping pathogen transmission in rodents. In particular, they emphasize the crucial role of forest fragmentation and landscape composition in understanding the epidemiology of leptospirosis, with significant implications for biodiversity conservation and public health."

ORAL PRESENTATION

Influência do Grau de Cobertura Florestal sobre a Diversidade Viral em um Roedor Neotropical: Uma Abordagem Metagenômica para Vigilância de Zoonoses

Ingrid Campos Sodré | Paula Ribeiro Prist | Cecilia Siliansky de Andreazzi | Matheus Camargo Silva Mancini | Gianmarco Bettoni Rodríguez | Leandro Reverberi Tambosi | Andre Felipe Andrade dos Santos | Mirela D'arc Ferreira da Costa | Marina Galvão Bueno

Ponente: Ingrid Campos Sodré, ingridcsodre@gmail.com

Alterações na estrutura da paisagem causadas por atividades humanas podem favorecer espécies de mamíferos generalistas que podem atuar como reservatórios de patógenos zoonóticos. Neste estudo, investigamos como a estrutura da paisagem influencia a diversidade viral em *Oligoryzomys nigripes*, uma espécie de roedor generalista e conhecido reservatório viral na Mata Atlântica brasileira. Para isso, analisamos o viroma fecal de 20 espécimes coletados em três paisagens com diferentes graus de cobertura florestal (20, 40 e 60%). Utilizamos índices de diversidade alfa e beta para avaliar diferenças entre comunidades e determinar quais famílias virais mais contribuíram para as dissimilaridades observadas. Análises multivariadas (PERMANOVA, GLMs e SIMPER) indicaram que a composição da comunidade viral variou significativamente entre as paisagens, com a paisagem menos florestada apresentando a maior diversidade e riqueza viral, mas menor equitabilidade, destacando a tendência de poucas táxons dominarem a comunidade viral. Não encontramos evidências de que sexo, peso, idade ou estágio reprodutivo influenciem a riqueza ou diversidade viral. Ao todo foram identificadas 48 famílias virais, em sua maioria fagos, que foram responsáveis por grande parte das dissimilaridades entre paisagens. Famílias virais associadas a vertebrados, como Flaviviridae, Papillomaviridae, Herpesviridae, Polyomaviridae e Iridoviridae, também se mostraram importantes para a dissimilaridade entre a composição das paisagens. Nossos resultados demonstram que mudanças na cobertura florestal podem moldar a estrutura das comunidades virais em roedores silvestres, favorecendo viromas onde poucas famílias virais dominam a abundância. Este estudo revela pela primeira vez o viroma fecal de O. nigripes, destacando a influência da paisagem nas comunidades virais e seu potencial para identificar vírus zoonóticos.

ORAL PRESENTATION

Coinfecção por *Mycoplasma* sp. hemotrópico e *Rickettsia* sp. em um ouriço-cacheiro (*Coendou spinosus*) de vida livre

Arthur Seixas Dias Gomes | Lucas Belchior Souza de Oliveira | Ana Carolina Silvestre Santana | Nikolas Costa Pinto Felizardo | Érika Procópio Tostes Teixeira | Thiago Lima Stehling | Leonardo Alcântara | Daniel Oliveira dos Santos | Ayisa Rodrigues de Oliveira | Júlia Angélica Gonçalves da Silveira

Ponente: Arthur Seixas Dias Gomes, arthur.sdvet@gmail.com

RESUMEN: A avaliação sanitária de animais silvestres em ambientes urbanos e periurbanos, como os ouriços-cacheiros (*Coendou spinosus*), é um importante meio de vigilância passiva de doenças que circulam nestas esferas, principalmente do ponto de vista epidemiológico. Algumas espécies de bactérias, como o *Mycoplasma* sp. (principalmente as espécies hemotrópicas) e *Rickettsia* sp. estão associadas a este contexto, se tratando de doenças emergentes no Brasil e com possíveis implicações zoonóticas. Um *C. spinosus*, fêmea, adulta, de vida livre, aparentemente saudável, foi encaminhado ao Centro de Triagem de Animais Silvestres (CETAS) de Belo Horizonte. Para a avaliação clínica, o animal foi contido quimicamente utilizando a associação de cloridrato de cetamina (4mg/kg) e cloridrato de midazolam (0,04mg/kg), aplicados por via intramuscular, juntamente com a manutenção anestésica através de isoflurano (1,5%-3%), contudo não foram observadas alterações clínicas durante a avaliação. Posteriormente, o animal veio a óbito subitamente, sendo encaminhado para necropsia. Apesar da ausência de achados macroscópicos, observou-se na histopatologia edema pulmonar multifocal intenso; hematopoise extramedular hepática multifocal discreta e hemossiderose esplênica multifocal discreta. Amostras de pulmão, baço e fígado foram encaminhadas para a detecção de hemopatógenos através da técnica de PCR para *Mycoplasma* sp., que foi positivo em todos os tecidos, e *Rickettsia* sp., detectada apenas no pulmão. Exames com foco na detecção de *Leishmania* spp., e, *Trypanosoma evansi* foram negativos. Este aparenta ser o primeiro caso descrito de coinfecção das duas hemobactérias em *C. spinosus*. O sequenciamento das espécies de hemopatógenos descritas encontra-se em análise. Os achados descritos neste relato em um roedor periurbano demonstram a importância da vigilância passiva para circulação de patógenos em áreas de conflitos humano-animal.

Financiamento: FAPEMIG, CNPq, CAPES, UFMG.

ORAL PRESENTATION

Análisis de rasgos ecológicos para la identificación de hospederos potenciales de Arenavirus y Hepacivirus en roedores de América

Maria del Carmen Villalobos Segura | Oscar Rico-Chavéz | Gerardo Suzán Azpiri | Andrea Chaves

Ponente:Maria del Carmen Villalobos Segura macavs324@gmail.com

RESUMEN: Más de la mitad de los patógenos emergentes o reemergentes que afectan la salud de los humanos tienen como reservorios a animales silvestres. Dentro de los hospederos de importancia, los roedores desempeñan un papel fundamental cómo hospederos de patógenos virales debido a sus características únicas de historia de vida y diversidad de especies. Esta última sumada a la complejidad logística y escasez de recursos económicos representa un desafío significativo para la vigilancia de patógenos en hospederos silvestres, particularmente en regiones como Mexico y varios países del Neotrópico. En el presente estudio se recopiló una base de datos de rasgos ecológicos de especies de roedores presentes en el continente americano, así como aquellas especies asociadas con infecciones por arenavirus y hepacivirus. Posteriormente utilizando árboles de regresión potenciada (BRT) se buscó identificar hospederos potenciales y evaluar la importancia de diferentes rasgos ecológicos en la probabilidad de ser positivos a ambos virus. Los modelos presentaron una alta precisión predictiva, con valores de AUC que fluctuaron entre 0.93 y 0.95 para arenavirus y hepacivirus respectivamente. Nuestros resultados mostraron que pertenecer a familias como Muridae y Cricetidae, así como rasgos ecológicos como la masa corporal, el tamaño de la camada y la longevidad, influían en la probabilidad de ser positivos para ambos virus. Finalmente, identificamos 51 hospederos potenciales en los que se podrían enfocar esfuerzos de vigilancia para la detección de estos patógenos virales. Los modelos basados en rasgos ecológicos ofrecen un enfoque prometedor para optimizar los esfuerzos de vigilancia en fauna silvestre, así como para la predicción y la gestión de las enfermedades infecciosas emergentes, lo que en última instancia podría ayudar a mitigar su impacto en la salud pública.

ORAL PRESENTATION

Análisis de la tasa de infección por *Trypanosoma cruzi* en *Rattus rattus* y *Rattus norvegicus* en áreas naturales y rurales de la zona central de Chile

Daniela Elizondo | Francisco Chacón | Rodrigo Salgado | André Rubio

Ponente: Daniela Elizondo daniela.elizondo@ug.uchile.cl

RESUMEN: La enfermedad de Chagas, causada por el protozoo *Trypanosoma cruzi* y transmitida por vectores triatominos, es una zoonosis distribuida en América y endémica en la zona centro-norte de Chile. Diversos mamíferos silvestres actúan como hospederos naturales de este parásito, mientras que roedores sinantrópicos, como *Rattus rattus* y *R. norvegicus*, pueden actúar como reservorios y facilitar su propagación en ambientes antrópicos. Dado que estas especies invasoras también habitan zonas naturales, pueden ser empleadas como centinelas para detectar la circulación de *T. cruzi* en diversos hábitats. Este estudio evaluó la presencia y prevalencia de *T. cruzi* en *Rattus* spp. capturados en 23 sitios rurales y naturales de la Región Metropolitana de Chile, ubicada en el límite sur de distribución de la enfermedad a nivel mundial. Durante las campañas de primavera 2023 y otoño 2024 se capturaron 540 roedores (419 *R. rattus* y 121 *R. norvegicus*). Se extrajeron muestras de sangre intracardíaca para análisis molecular mediante qPCR, utilizando las cepas de referencia D28c (TcI) e Y (TcII). Se detectó la presencia de T. cruzi en tres individuos (*R. rattus*), lo que corresponde a una prevalencia general de 0,55%. Los roedores positivos (dos hembras y un macho) fueron capturados en localidades con predominancia de hábitat natural. Estos hallazgos sugieren una baja transmisión del parásito en ambientes rurales y naturales, posiblemente asociada a un bajo solapamiento espacial entre triatominos y roedores invasores. Esto contrasta con investigaciones que han reportado una mayor prevalencia de *T. cruzi* en *Rattus* en países como México y Venezuela. Este es el primer estudio que reporta la presencia de *T. cruzi* en *Rattus* spp. en ambientes naturales de la Región Metropolitana de Chile, aportando información para la comprensión ecoepidemiológica de esta zoonosis y el rol potencial de estos roedores en la dinámica de transmisión de este parásito.

ORAL PRESENTATION

Análisis de la prevalencia de *Leptospira* spp. en roedores invasores del género *Rattus* en distintos tipos de hábitats en la ecoregión mediterránea de Chile

Natalia Leyton | Hugo Henríquez | Rodrigo Salgado | Cristian Herrera | Francisco Chacón | André Rubio

Ponente: Natalia Leyton, n.leytonfer08@gmail.com

RESUMEN: La leptospirosis es una zoonosis de distribución global causada por bacterias del género *Leptospira*, donde los roedores del género *Rattus* actúan como reservorios clave, especialmente en ambientes urbanos y rurales. En este estudio se evaluó la prevalencia de *Leptospira* spp. en *Rattus rattus* y *Rattus norvegicus* en distintos hábitats de la Región Metropolitana (Chile central), y se analizaron variables ambientales y biológicas asociadas al riesgo de infección (tipo de hábitat, estación del año, tamaño corporal, sexo y abundancia de roedores). Durante la primavera de 2023 y otoño de 2024 se realizaron capturas en 23 sitios categorizados como naturales, seminaturales, rurales y rurales-urbanos. Se capturaron 565 roedores (433 *R. rattus* y 132 *R. norvegicus*), y se extrajeron sus riñones para detección de leptospiras patógenas mediante PCR en tiempo real (gen LipL32). La prevalencia general fue de 4,07%. R. norvegicus presentó una mayor prevalencia (10,6%) que *R. rattus* (2,07%) (χ^2 = 18,85; p < 0,05). En *R. rattus*, el tamaño corporal fue la única variable significativa (GLMM binomial, p = 0,005), con una mayor probabilidad de infección en individuos de mayor tamaño. En *R. norvegicus*, los hábitats seminaturales presentaron mayor probabilidad de infección en comparación con los rurales (GLMM binomial, p = 0,015). No se detectó infección en roedores provenientes de hábitats naturales. Los resultados sugieren que *R. norvegicus* tiene un rol más relevante en la epidemiología de Leptospira spp. en la región, y que factores como la antropización y las características específicas del hábitat influyen en la transmisión del patógeno. Este es el primer estudio que evalúa *Leptospira* spp. en roedores exóticos invasores en ambientes naturales de la zona central de Chile, aportando evidencia eco-epidemiológica para comprender la dinámica de esta bacteria en la ecorregión mediterránea del país.

ORAL PRESENTATION

Genetic comparison of partial HSV-1 DNA polymerase sequences from Peruvian Neotropical primates and their association with disease manifestation

Vilchez-Delgado Fernando | Mendoza Becerra A. Patricia | Escobar Leticia | Zhou Lin | O'Connor Shannon | Renato Colan | Ghersi Bruno | Talledo Albújar Michael | Rosenbaum Marieke H.

Ponente: Vilchez-Delgado Fernando, Fernando_Javier.Vilchez_Delgado@tufts.edu

RESUMEN: Human Herpes Simplex Virus 1 (HSV-1) can infect Neotropical primates (NP), resulting in a range of clinical manifestations from asymptomatic infection to severe or fatal disease; however, the host and viral factors that influence disease outcomes remain poorly understood. While species-specific susceptibility has been proposed as a major determinant, conflicting data in the literature suggest there might be other factors, such as genetic variants, that influence disease manifestation. We compared the genetic identity of HSV-1 partial DNA polymerase (DPOL) sequences obtained from oral and blood samples collected from 660 NP during a multiyear cross-sectional study conducted between 2017 and 2025 and explored associations with clinical signs observed at the time of sampling. A conserved double guanine deletion (ΔGG) in the DPOL gene was identified in 22 of 24 HSV-1 positive sequences obtained from asymptomatic individuals representing eight different NP species. In contrast, this deletion was absent in sequences from two primates (one owl monkey and one spider monkey) that exhibited active oral ulceration at the time of sampling. The presence of the ΔGG deletion was statistically associated with the absence of clinical signs ($p < 0.05$). Interestingly, HSV-1 DPOL sequences obtained from the trigeminal ganglia of 4 asymptomatic NP did not contain the ΔGG deletion, contrasting with findings from oral and blood-derived samples. This discrepancy highlights the potential influence of viral compartmentalization or latency-associated genomic dynamics. Our findings suggest that specific viral genetic differences, such as the ΔGG deletion, may be linked to reduced pathogenicity in NP. These results raise important questions about the role of viral genetics and host susceptibility in shaping disease outcomes and emphasize the need for continued investigation into the mechanisms underlying HSV-1 pathogenicity in NP.

Achados toxico-patológicos em primatas expostos a agrotóxicos na Amazônia Meridional brasileira

Victor Yunes Guimarães | Eduardo F. Machado | Natália C.C. de Azevedo Fernandes | Nélio Fleury Filho | Juliene Bianchi Morais | Nádia A. B. Antoniassi | José Luiz Catão-Dias

Ponente: Victor Yunes Guimarães, medvetyunes@gmail.com

RESUMEN: As populações de primatas neotropicais (PNT) objetos deste estudo encontravam-se às margens do rio Teles Pires, dentro da área de influência direta da Usina Hidrelétrica de Sinop (UHE SINOP), Mato Grosso, Brasil. A área amostral está inserida num cenário de intensa perturbação, com a utilização de agrotóxicos nas monoculturas de soja, cana, trigo e milho, com efeitos ainda desconhecidos para a maioria dos PNT. No período conhecido como pós-enchimento, ainda havia espécimes remanescentes, que por algum motivo não foram resgatados, por vezes debilitados e que eventualmente não sobreviveram durante as ações de manejo. O objetivo deste trabalho foi investigar as interações clínico-patológicas em uma população de primatas neotropicais exposta a agrotóxicos na Amazônia meridional. Para tanto, 12 espécimes pertencentes a sete espécies de primatas neotropicais foram submetidos à avaliação anatomopatológica e toxicológica durante pesquisa de campo. A avaliação histopatológica foi realizada em duas etapas: a primeira antes do relatório toxicológico (às cegas) e uma segunda leitura, mediante os resultados das amostras positivas (33%). Entre as 12 amostras foi possível detectar agrotóxicos na faixa de concentração de 0,5 a 10 ppb em quatro espécimes. Mesotriona, fipronil e bromuconazol foram os ingredientes ativos detectados em fragmentos de fígado e musculatura esquelética, abaixo do limite de quantificação. Herbicida, inseticida e fungicida respectivamente, são utilizados nas culturas de cana-de-açúcar, soja, sorgo, trigo, milho, amplamente cultivadas na região. Três espécimes de *Sapajus apella* e um *Chiropotes albinasus* foram as espécies consideradas positivas para a presença dos resíduos. Em que pese um certo grau de autólise dos cadáveres, não foi possível fazer correlações diretas sobre a detecção dos agrotóxicos e a respectiva toxicidade em nível histopatológico. Os dados fornecidos aqui sugerem que é de grande importância compreender o significado da presença de pesticida, especialmente aqueles com persistência no meio ambiente e alta toxicidade para organismos não-alvo.

ORAL PRESENTATION

Astroviruses in South American Neotropical Primates Rescued from Illegal Wildlife Trafficking in Peru

Shannon E. O\'Connor | Fernando J. Vilchez-Delgado | Leticia Escobar-Mendoza | Lin Zhou | A. Patricia Mendoza | Renato Colan | Amy Davis | Stacey Schultz-Cherry | Michael Talledo Albújar | Marieke H. Rosenbaum

Ponente: Shannon E. O\'Connor, shannon.o_connor@tufts.edu

RESUMEN: Astroviruses (AstV) are RNA viruses that infect both humans and animals and are associated with gastrointestinal illness and severe neurological disease in humans. Little is known about the full host range for AstV and the role zoonotic transmission plays in AstV circulation and spread. To date, AstV have been detected in over 80 mammalian and avian hosts. One study in Bangladesh and Cambodia found diverse AstV in Macaques, Gibbons, Langurs and Baboons, including AstV strains associated with human infections, raising concern for potential zoonotic transmission. To our knowledge, there are no reports of AstV infection in Neotropical primates (NP). The goal of this study was to further our understanding of the host-range for AstV through a survey of NP recovered from wildlife trafficking, a context that creates frequent opportunities for contact and disease transmission between NP and humans and other domestic and wild species. We tested 95 NP representing five taxonomic families for AstV. Feces were tested using a pan-Astrovirus PCR assay targeting a 422 bp segment of the RdRp gene followed by Sanger sequencing and phylogenetic analysis to determine and compare strains with previously published AstV strains. Fourteen NP within four of the five taxonomic families were positive (14.74%). Sequence identities ranged from 70-96% similarity in nucleotide identity to published AstV genomes, with strains detected most closely related to mammalian AstV. AstV strains detected included those most closely associated with human infections (75% identity), dogs (96% identity), pigs (79% identity), bats (78% identity), and squirrels (76% identity). Our results expand our knowledge of species harboring AstV and highlight a need for further investigation to fully characterize the genomes of the AstV we detected, as well as to understand their pathogenic potential.

ORAL PRESENTATION

Bartonella quintana en un grupo de monos arañas confiscados cerca de la frontera sur de México

Edith A. Fernández-Figueroa | Tania Lissette Fonseca-Leal | Andrés M. López-Pérez

Ponente: Tania Lissette Fonseca-Leal, tanialifole@gmail.com

RESUMEN: Los primates son afectados por actividades humanas como el cambio de uso de suelo, la fragmentación de su hábitat y el tráfico ilegal por su demanda como mascotas. Las interacciones cercana con los humanos y su cercanía filogenética, facilita el riesgo de transmisión bidireccional de patógenos. Esta transmisión puede ser directa o a través de vectores, como *Bartonella quintana* la cual causa la enfermedad de fiebre de las trincheras en humanos y se transmite por piojos. En diciembre de 2023, un grupo 20 monos arañas (10 infantes y 10 juveniles) que aparentemente provenían de centro América fueron confiscados en el sur de México. Los monos se encontraban severamente infestados con piojos y en pobres condiciones nutricionales y físicas. Todos fueron inmovilizados químicamente y se colectaron muestras de sangre. Las muestras fueron llevadas al laboratorio donde se les extrajo el ADN y se les realizó la PCR para amplificar un fragmento de 767 pares de bases del gen citrato sintasa (*gltA*). Las bandas amplificadas que correspondieron al peso molecular fueron secuenciadas y alineadas y comparadas por medio de un análisis filogenético. A pesar de que ninguno de los monos presentó signos de enfermedad, dos monos fueron positivos a *Bartonella quintana.* Este es el primer reporte de caso de esta bacteria en primates en México, y las condiciones en que estaba señalan que la fuente de los piojos fueron los humanos. Este estudio resalta el riesgo de transmisión bidireccional entre primates y humanos, además de la importancia de monitorear enfermedades en fauna silvestre confiscada.

ORAL PRESENTATION

Frequência de soropositividade e capacidade de transmissão de Leishmania infantum de micos estrela (*Callithrix penicillata*) e quatis (*Nasua nasua*) de vida livre na Região Periurbana de Belo Horizonte

Letícia Neves Ribeiro | Daniel Oliveira dos Santos | Bruna Hermine de Campos | Lucas dos Reis de Souza | Nayara Ferreira de Paula | André Duarte Vieira | Caio de Castro Cunha Figueiredo | Janaina Ribeiro Duarte | Vinicius Henrique Barbosa Amaral | Nadja Simbera Hemétrio | Ayisa Rodrigues de Oliveira | Nelder de Figueiredo Gontijo | Ricardo Toshio Fujiwara | Tatiane Alves da Paixão | Marcelo Pires Nogueira de Carvalho | Renato de Lima Santos

Ponente: Letícia Neves Ribeiro, leticianribeiro@hotmail.com

RESUMEN: Leishmaniose é uma zoonose endêmica causada por protozoários do gênero Leishmania sendo cães os principais reservatórios de *L. infantum*, embora animais silvestres também possam desempenhar esse papel. Micos estrela (*Callithrix penicillata*) e quatis (*Nasua nasua*) em parques de Belo Horizonte foram estudados para avaliar sua soropositividade por *L. infantum* e a capacidade de transmissão para *Lutzomyia longipalpis*. Os animais foram capturados entre 2021 e 2023. Amostras de soro foram submetidas ao teste imunocromatográfico e ELISA anti-*Leishmania*, e flebótomos foram submetidos à qPCR. Foram capturados 148 quatis, sendo 32 recapturados, com 29,72% de sororreativos. Dos quatis recapturados, quatro se mantiveram sororreativos, cinco sororreativaram e um deles manteve a sororeatividade por pelo menos um ano. Já outros cinco soroconverteram para não-sororreativos. No xenodiagnóstico, 29,16% de 24 quatis foram capazes de transmitir *L. infantum* para o vetor. Não houve diferença na frequência de positividade entre xenodiagnóstico de animais sororreativos e não-sororreativos (Qui-quadrado, p=0,0577). Dos micos, 79 animais foram avaliados, com 3,79% de sorreativos. Para o xenodiagnóstico, 32 micos foram submetidos e 12,5% foram capazes de transmitir o agente para o flebótomo. A frequência de sororreatividade foi maior nos quatis (Qui-quadrado, $p < 0,0001$), entretanto não houve diferença na frequência de positividade no xenodiagnóstico (Qui quadrado, $p = 0,1203$). A sororreversão observada nos quatis suporta a ideia de que os animais possuem infecção auto-limitante com resposta humoral transiente. Os resultados de xenodiagnóstico demonstram que o *L. longipalpis* é capaz de ingerir *L. infantum* de quatis e micos, mesmo em indivíduos não-sororreativos.

Citrobacter freundii produtor de ESBL em isolado clínico de Macaco-prego (*Sapajus nigritus*) oriundo de um fragmento florestal inserido em área urbana no oeste do Paraná, Brasil

Cristiane Maria Montilho | Gabrieli Cardoso | Bruna Thais de Melo | Ketlyn Christine Bonatto Perlin | Camila Lie Yamauchi | Paola Zanoni da Silva | Ana Julia Dal Curtivo Back | Flávia Bordignon Hendges | Anderson Luiz de Carvalho | Fabiana Caroline Zempulski Volpato

Ponente: Cristiane Maria Montilho, cristianemontilho.mv@gmail.com

RESUMEN: A resistência antimicrobiana (RAM) é uma das maiores ameaças à saúde global, afetando a medicina humana, veterinária e o meio ambiente. Este relato apresenta o caso de um macaco-prego (*Sapajus nigritus*) encontrado em decúbito no pátio de uma escola no oeste do Paraná, Brasil, apresentando necrose na ponta da cauda. O animal foi encaminhado a uma universidade da região para atendimento veterinário. Devido à persistência de um processo infeccioso na região da lesão, foi realizado um swab profundo da cauda para cultivo microbiológico, com o objetivo de identificar os agentes etiológicos e avaliar seu perfil de resistência antimicrobiana. O isolamento bacteriano seguiu os protocolos laboratoriais padrão, e os testes de susceptibilidade antimicrobiana foram realizados conforme os pontos de corte estabelecidos pelo BrCast. Também foi aplicado o teste de sinergismo de disco duplo para a detecção de beta-lactamase de espectro estendido (ESBL), utilizando os antibióticos Amoxicilina + Ácido Clavulânico, Cefotaxima, Aztreonam, Cefepime e Ceftazidima. Foram isoladas duas bactérias: *Enterobacter cloacae* (complexo) e *Citrobacter freundii*. Ambas apresentaram resistência à maioria dos antibióticos testados, sendo sensíveis apenas à amicacina. Destaca-se que o isolado de *Citrobacter freundii* foi resistente a todos os beta-lactâmicos testados e foi positivo para ESBL, indicando um alto nível de resistência. Esses achados reforçam a preocupação com a presença de bactérias multirresistentes na fauna silvestre. A detecção desses microrganismos em animais de vida livre, como o macaco-prego, serve como um importante indicativo da circulação ambiental de cepas resistentes. O monitoramento da RAM na vida selvagem é fundamental para compreender sua disseminação, seus riscos à saúde pública e para estabelecer estratégias de controle eficazes no contexto da saúde única.

ORAL PRESENTATION

Patrones alimenticios de los mosquitos en un gradiente de uso de suelo en la Península de Yucatán: Posibles implicaciones para la transmisión de flavivirus

Elizabeth Linares-Alcántara | Roger Arana-Guardia | Omar García-Suárez | Victor Rodríguez-Valencia | Paola Martínez-Duque | Rosa Elena Sarmiento-Silva | David Roiz | Gerardo Suzán | María José Tolsá García

Ponente: Elizabeth Linares-Alcántara, elizabeth.linares@ciencias.unam.mx

El cambio de uso de suelo impulsa la aparición de enfermedades transmitidas por mosquitos (ej. flavivirus) en regiones tropicales. Comprender los patrones de alimentación de mosquitos es crucial para entender la dinámica de transmisión viral. La Península de Yucatán, México, es una región crítica para la transmisión de flavivirus, representando una amenaza para la salud humana y animal. Sin embargo, los patrones de alimentación de mosquitos en esta región son poco conocidos. Este estudio examina los patrones de alimentación de mosquitos culícidos y el riesgo asociado de transmisión de flavivirus en un gradiente de uso de suelo (conservado, diversificado, rural y urbano) en la Península de Yucatán. Se colectaron 154 hembras de mosquito alimentadas en 12 sitios usando trampas BG-Sentinel. Se identificaron patrones de alimentación utilizando primers dirigidos a DNA mitocondrial de vertebrados, y a través de análisis de redes se contrastaron la diversidad de interacciones, la especialización de vectores, se identificaron hospederos y vectores clave, e interacciones de alto riesgo. La red de uso de suelo conservado resultó ser más diversa en todos los órdenes de diversidad. La especialización de vectores cambió con el uso de suelo, y vectores que resultaron ser especialistas en la red conservada, resultaron ser generalistas en redes con mayor disturbio. Al identificar hospederos y vectores clave, *Psorophora ferox* y venados fueron importantes en las redes conservada y rural, *Culex quinquefasciatus* y humanos en la red urbana, y *Aedes bimaculatus* junto con humanos, ganado y zarigüeyas en la red diversificada. La red urbana tuvo más interacciones de alto riesgo (59.09%), y la red conservada tuvo el menor porcentaje (5.56%). Este estudio aporta nuevos conocimientos sobre la dinámica de interacciones vector-hospedero en respuesta al cambio de uso de suelo, con implicaciones para comprender y gestionar los riesgos de enfermedades transmitidas por vectores en paisajes tropicales.

ORAL PRESENTATION

Bat tryp.: morcegos de cabruca e tripanossomos Neobats

Fabíola Cardoso Vieira | Fabiana Lessa Silva | Flávia Miranda | Hllytchaikra F. Fehlberg | Deborah M. Faria | George R. Albuquerque | João Emanoel M. Santos | Fábio Falcão | Marcelo Pires Nogueira de Carvalho | Suelen S. Ferreira

Ponente: Fabíola Cardoso Vieira fabiolavieiravet@gmail.com

Morcegos hospedam diversas espécies de tripanossomos, mas a avaliação da diversidade dessa interação ainda representa um desafio. O gênero *Trypanosoma* inclui parasitos de vertebrados, majoritariamente transmitidos por artrópodes hematófagos. O *Trypanosoma cruzi*, agente etiológico da doença de Chagas – negligenciada e amplamente distribuída nas Américas - é o mais conhecido, e sua origem evolutiva remonta à associação com morcegos há cerca de cinco milhões de anos. Algumas linhagens, como *T. dionisii*, permanecem restritas a quirópteros. Outras espécies relevantes incluem *T. cruzi marinkellei*, *T. wauwau*, *T. madeirae* e as MOTUs *Neobats* — unidades operacionais taxonômicas moleculares, mas ainda não descritas formalmente como espécies. Essas MOTUs revelam ampla diversidade e sugerem diferentes estratégias ecológicas, variando de associações espécie-específicas a generalistas. Formam um agrupamento filogenético exclusivo de morcegos neotropicais, próximo ao clado *T. cruzi*. Neste estudo, 153 morcegos foram capturados em área de cabruca no município de Ilhéus-BA, avaliados clinicamente e submetidos à coleta sanguínea. Dos 135 coágulos obtidos, 28 (20,74%) foram positivos para *Trypanosoma* spp. por Nested PCR, e 8 amostras foram sequenciadas. Foram registrados novos achados de infecção não mista por *T. sp. Neobat 1* em *Trachops cirrhosus* (3,57%), *T.* sp. *Neobat 4* em *Carollia perspicillata* (21,43%) e *T. dionisii* também em *C. perspicillata* (3,57%). Esses resultados ampliam a distribuição geográfica dessas linhagens para o sul da Bahia e reforçam evidências sobre a possível especificidade de *T.* sp. *Neobat 1* e *T. sp. Neobat 4* para suas respectivas espécies hospedeiras. A vigilância epidemiológica desses parasitos contribui para a compreensão de suas dinâmicas evolutivas e ecológicas, com eventuais implicações para a saúde pública e a conservação.

ORAL PRESENTATION

El efecto de la fragmentación del paisaje y la presencia de Enterobacterales resistentes a cefalosporinas de 1° generación en murciélagos de las regiones de Los Rios y Los Lagos en el Sur de Chile

Catalina \Katto\" Cruz | Danny Fuentes | Gerardo Castro | Natalia Castro | Claudio Verdugo | Cristobal Verdugo

Ponente: Cristobal Verdugo, cristobal.verdugo@uach.cl

La resistencia antimicrobiana (RAM) es un grave problema tanto en salud pública como en salud animal, provocando fallas en los tratamientos de enfermedades infecciosas. La RAM es un fenómeno complejo, asociada al uso inadecuado de antimicrobianos en la ganadería, así como de la contaminación por residuos de antimicrobianos, detergentes, desinfectantes y otras sustancias procedentes de diversas actividades productivas. El bosque-nativo del sur de Chile se destaca como paisaje altamente fragmentado, habiendo sido mayormente sustituido por pasturas destinadas a la ganadería. Esta fragmentación propicia la interacción entre especies silvestres y domésticas, donde es común detectar colonias de murciélagos en construcciones rurales. En lecherías, es común el uso de cefalosporinas de primera generación (Ce1°g) como tratamiento preventivo durante la terapia de secado, aumentando el riesgo de generar cepas de bacterias resistentes (BR) a este antimicrobiano. Además, el contacto estrecho entre especies puede facilitar la movilidad de estas bacterias resistentes desde las lecherías hacia los entornos silvestres. Nuestro objetivo fue investigar la relación entre la presencia de BR a Ce1°g y la fragmentación del hábitat en murciélagos de las regiones de Los Ríos y Los Lagos. Se seleccionamos aleatoriamente 98 puntos de muestreo abarcando diferentes grados de fragmentación. En cada punto, se colocaron redes neblineras durante dos noches. Se recolectaron heces frescas de los individuos capturados, las cuales fueron cultivadas en agar McConkey suplementado con cefazolina, el crecimiento de Enterobacterales fue confirmado mediante baterías bioquímicas. La presencia de agrupamientos espaciales se evaluó mediante estadísticas *scan*, y la relación entre la presencia de BR y variables ambientales se analizó mediante un modelo de regresión logística. Los resultados mostraron un total de 201 muestras, de las cuales el 19.9% presentó Enterobacterales resistentes. Se identificaron dos agrupamientos espaciales estadísticamente significativos. Y la presencia de Enterobacterales resistentes estuvo asociada al nivel de fragmentación del hábitat.

ORAL PRESENTATION

Immunopathological differences between marmosets (*Callithrix* spp.) and howler monkeys (*Alouatta* spp.) naturally infected with *Toxoplasma gondii*, southern Brazil

Marina Pellegrino da Silva | Alessandra L. M. Santos | Natália C. C. A. Fernandes | Gabrielle F. P. da Silva Gagliotti | Rodrigo Albergaria Ressio | Ana Carolina Ewbank | Carlos Sacristán | Juliana Mariotti Guerra | José Luiz Catão-Dias

Ponente: Marina Pellegrino da Silva, marinapellegrinosilva@gmail.com

Neotropical primates (NTPs) exhibit species-specific susceptibility to toxoplasmosis, a zoonosis caused by *Toxoplasma gondii*. Callitrichidae and Atelidae families are highly susceptible, while the Cebidae family particularly resistant. Although infections and associated lesions have been documented, the immunopathogenic mechanisms underlying *T. gondii* infection in NTPs remain poorly understood. Thus, our goal was to characterize and compare the immunophenotypic profiles of local immune responses of howler monkeys (*Alouatta* spp.) and marmosets (*Callithrix* spp.) naturally infected with *T. gondii*. Polymorphonuclear (PMN) cell counts were performed on hematoxylin-eosin-stained slides, and immunohistochemistry (IHC) was used to characterize CD3 and Iba1 cells, and IFN-γ and IL-10 cytokines expression in liver, spleen, and central nervous system (CNS) tissues. Statistical analysis was performed for quantitative and semi-quantitative differences in the immunopathological response. Fifty NTPs were included in the study, 62% (31/50) marmosets and 38% (19/50) howler monkeys. Both groups presented a predominantly histiocytic response in liver and CNS ($p<0.05$) and higher expression of CD3+ cells in spleen ($p<0.05$). Marmosets exhibited higher levels of CD3+ ($p=0.049$), Iba1+ cells ($p<0.05$), and IFN-γ ($p=0.013$) in spleen compared to howler monkeys. There was a negative correlation between IFN-γ and IL-10 ($p=0.018$) and a positive correlation between IL-10 and parasite load ($p<0.05$) in marmosets. No statistically significant differences were found in PMN cell counts. Both groups seem to present an acute response to *T. gondii* infection; however, increased spleen cellularity, higher production of IFN-γ, and greater IL-10 with increased parasite load suggest a hyperacute condition in marmosets. These findings highlight similarities and differences in immunopathological responses of two susceptible NTP genera to *T. gondii* infection and contribute to current knowledge regarding tissue-specific immune responses to toxoplasmosis in NTPs, providing insights into the immunopathogenesis of the disease in these species.

ORAL PRESENTATION

Estudios eco-epidemiológicos de ratas invasoras (*Rattus* spp.) en un hotspot de biodiversidad de Chile central

André V. Rubio | Rodrigo Salgado | Hugo Henríquez | Cristián Herrera | Catalina Grisolia | Natalia Leyton | Daniela Elizondo | Tatiana Tapia | Javiera González | Jocelyn Álvarez | Paloma Pereira | Malen Miric | Francisca Vargas | Gemma Rojo | Cristian Álvarez | Nélida R. Villaseñor | Francisco Chacón

Ponente: André V. Rubio, arubio@uchile.cl

La rata negra (*Rattus rattus*) y la rata gris (*Rattus norvegicus*) son especies invasoras de amplia distribución, con efectos negativos en la biodiversidad, la salud pública y la economía. En Chile, su presencia en diversos ambientes es conocida, pero los estudios ecológicos y epidemiológicos siguen siendo limitados. Este trabajo sintetiza los principales hallazgos de investigaciones realizadas en los últimos cuatro años sobre ecología, comportamiento y presencia de patógenos en estas especies a lo largo de un gradiente de antropización en la ecorregión mediterránea de Chile central, reconocida por su alto valor ecológico. Se emplearon cámaras trampa (41 sitios, 82 cámaras) para evaluar patrones de actividad y uso del espacio, identificando un alto solapamiento espacio-temporal entre ambas especies en zonas rurales, y una mayor presencia de *R. rattus* en hábitats naturales. Mediante capturas vivas (36 sitios, 12.960 noches/trampa), se muestrearon más de 500 individuos, obteniéndose muestras biológicas analizadas por técnicas microscópicas, serológicas y moleculares. Se detectó la presencia de diversos agentes zoonóticos: *Bartonella* spp., *Leptospira* spp., *Trypanosoma cruzi*, coronavirus, helmintos y protozoos gastrointestinales. Los resultados se discuten en el contexto eco-epidemiológico, considerando cómo la antropización, el uso del hábitat y las características biológicas de los roedores modulan su rol como reservorios. Estos hallazgos aportan evidencia relevante para comprender la dinámica de enfermedades zoonóticas en paisajes fragmentados y resaltan la necesidad de integrar medidas de conservación y vigilancia sanitaria en regiones vulnerables a la invasión biológica.

ORAL PRESENTATION

Impacto antrópico en carnívoros silvestres: un análisis de 10 años en un Centro de Rehabilitación de Fauna Silvestre en Santiago de Chile

Claudio Ahumada Sanhueza | Isabel Araya Ivanoff | Carla Carrasco Rivera | Carolina Sanchéz Saavedra | Nicole Sallaberry Pincheira

Ponente: Claudio Ahumada Sanhueza, claudio.ahumada@unab.cl

RESUMEN: Los carnívoros cumplen un rol esencial en los ecosistemas, regulando poblaciones de herbívoros y mesocarnívoros. Desafortunadamente, muchas especies están en declive por la destrucción de ecosistemas, conflictos con humanos, tráfico, daños directos e indirectos por animales domésticos, entre otros. Los Centros de Rehabilitación de Fauna Silvestre (CRFS) permiten la recuperación y liberación y contribuyen a la vigilancia epidemiológica de fauna silvestre. Este estudio analiza los ingresos, casuística de éxito y egreso de carnívoros en UFAS-UNAB (Santiago, Chile) durante 10 años (2015-2025). En total, se registraron 218 ingresos, de tres familias: Canidae (72.02%), Mustelidae (17.89%) y Felidae (10.09%). Las especies más representadas fueron *Lycalopex culpaeus* (61.15%), *Galictis cuja* (89.74%) y *Leopardus colocola* (40.91%), mientras que las causas de ingreso fueron atropellos (26.14%) y orfandad (17.88%), seguidas de animales atrapados (11.92%) principalmente en trampas de alambre tipo lazo (53.85%), ataques de perro (10.55%) y enfermedades infecciosas (8.25%). Durante alguna etapa de la rehabilitación de estos animales, se identificaron 12 enfermedades en 40 casos. Las más frecuentes fueron sarna sarcóptica (*Sarcoptes scabiei*; 35%), distemper canino (*Canine morbillivirus*; 15%) y salmonelosis (*Salmonella enteritidis*, *S. sonnei*; 15%). Se observaron coinfecciones, destacando leucemia viral felina (FeLV) + micoplasmosis (*Mycoplasma* spp.). Respecto al egreso, considerando que 21 ejemplares ingresaron fallecidos para necropsias, del total restante: 38.58% fueron liberados, 27.98% eutanasiados, 14.22% fallecieron y 11.01% se derivaron a cautiverio. Este estudio revela una gran tasa de letalidad (muerte, eutanasia, ingresa fallecido) de las diversas amenazas, presentando un 72.22% en enfermedades infecciosas, 71.93% en los atropellos, 65.22% en ataques de perros y 50% en animales atrapados. También refuerza la importancia del monitoreo epidemiológico de los CRFS, registrando el primer reporte de FeLV en *L. colocola*. Estos elevados porcentajes subrayan la necesidad urgente de estrategias para mitigar amenazas y fortalecer la conservación de carnívoros

Ecologia parasitária, ecotoxicologia e patologia da rã-caçote (*Leptodactylus macrosternum* Miranda-Ribeiro, 1926) em áreas com diferentes tipos de uso do solo o domínio morfoclimático das Caatingas: um estudo sob a ótica da Saúde Única

Gabriela Felix-Nascimento | Fabiano Matos Vieira | Leonardo Barros Ribeiro | Jaqueline Bianque de Oliviera

Ponente: Jaqueline Bianque de Oliviera, jaqueline.boliveira@ufrpe.br

RESUMEN: Os anuros são altamente sensíveis às modificações ambientais, seja devido às mudanças climáticas ou à fragmentação/perda de habitat, sendo considerados bioindicadores da saúde ambiental. Os estudos de ecologia parasitária, patologia e ecotoxicologia podem fornecer informações importantes sobre a interação destes animais com o ambiente e demais espécies da comunidade faunística. Objetivou-se estudar aspectos ecológicos das comunidades de parasitos, patológicos e ecotoxicológicos de *Leptodactylus macrosternum* de áreas com diferenças de uso do solo na Caatinga. Foram coletados 135 espécimes de *L. macrosternum* em três áreas (agricultura orgânica, agricultura convencional e Caatinga stricto sensu conservada como controle) em Petrolina, município do semiárido de Pernambuco. Os helmintos foram coletados, assim como amostras de fígado e músculo tanto para determinação dos minerais quanto histopatologia. Dos 135 animais, 90,4% estavam parasitados, sendo os parasitos coletados pertencentes aos grupos Nematoda, Digenea, Acanthocephala e Cestoda, alguns associados com lesões. Três novas espécies de nematoides foram descritas: *Oxyascaris caatingae*, *Oxysomatium petrolinensis* e *Oswaldocruzia franciscoensis*, contribuindo para conhecimento da biodiversidade de parasitos da herpetofauna Neotropical. Dez animais das três áreas apresentaram lesões granulomatosas no fígado, com hifas septadas associadas à feohifomicose. Foram quantificados 11 elementos, sendo Al, Fe, Zn e Cd, encontrados em concentrações elevadas, em fígado e músculo nos animais de todas as áreas. O Cd, que excedeu os limites máximos determinados na legislação brasileira para peixes, é um mineral hepatotóxico de grande capacidade de acumulação em frutas e outros vegetais. No âmbito da Saúde Única, além do risco para a saúde dos anuros, este resultado alerta para a possibilidade (por contato/absorção) de contaminação dos itens agrícolas produzidos no município, cuja principal atividade econômica é a produção para o mercado interno e externo. Além disso, os minerais detectados estiveram presentes inclusive nos animais da área controle, demonstrando também os riscos para a saúde da biota desse ecossistema.

Dos nuevas genoespecies del género *Borrelia* detectadas en garrapatas de roedores silvestres en el norte de Chile

Catalina Parragué-Migone | Adriana Santodomingo | Richard Thomas | Sebastián Muñoz-Leal | Gerardo Acosta-Jamett

Ponente: Catalina Parragué-Migone, cparraguemigone@gmail.com

RESUMEN: Bacterias del género *Borrelia* se mantienen en ciclos enzoóticos entre vertebrados silvestres y garrapatas, principalmente. El género se divide en el grupo de la enfermedad de Lyme (GEL) y el grupo de la fiebre recurrente (GFR), transmitidas por garrapatas ixodidas y garrapatas argásidas, respectivamente. La investigación sobre *Borrelia* se ha desarrollado mayormente en el hemisferio norte, sin embargo estudios recientes evidencian nuevas genoespecies sudamericanas. *Borrelia chilensis* es la única especie chilena descrita formalmente. Sin embargo, cepas no caracterizadas circulan entre roedores silvestres y garrapatas. Entre 2021 y 2023, se capturaron *Phyllotis darwini* en la Región de Coquimbo. Las garrapatas colectadas se identificaron morfológicamente, sólo ninfas y adultos fueron analizados, se les extrajo ADN para evaluar la presencia de *Borrelia* por medio de PCR dirigida al gen *flaB*. Las muestras positivas fueron tipificadas por medio de secuencias multilocus (MLST) para ocho genes. Para determinar las relaciones evolutivas de los agentes detectados se realizaron análisis genéticos comparativos y filogenéticos de máxima verosimilitud e inferencia bayesiana. Se capturaron 634 roedores (*P. darwini*) y se colectaron 134 garrapatas del género *Ixodes*. Diez de 90 garrapatas fueron positivas para *Borrelia* spp. Los análisis de identidad genética y filogenéticos de los genes MLST revelaron la presencia de dos nuevas genoespecies del GEL. La detección de estas especies candidatas en *Ixodes* colectados de roedores sugiere que los ciclos de transmisión son similares a los de otras especies de *Borrelia* del GEL del hemisferio norte, que también involucran roedores y garrapatas del género *Ixodes* en sus ciclos de transmisión. Además, estas especies candidatas se relacionan filogenéticamente con *B. chilensis*, demostrando un linaje del GEL exclusivo del Cono sudamericano. La identificación de dos nuevas genoespecies de *Borrelia* en Chile resalta la necesidad de realizar investigación ecoepidemiológica para evaluar su impacto en la vida silvestre y la salud humana.

No flea behind the ear: the increased role of host network ecology on historical Plague epidemics in the Araripe Plateau, in Northeastern Brazil

Natan Diego Alves de Freitas | Caio Graco Zeppelini | Pedro Cordeiro-Estrela | Cecilia Siliansky de Andreazzi

Ponente: Natan Diego Alves de Freitas, natan.freitas@academico.ufpb.br

RESUMEN: Plague is an emerging infectious disease caused by the *Yersinia pestis bacillus*, transmitted mainly by flea bite, maintained by a mammalian reservoir system in a complex ecological network and regulated by climatic factors. Grasping the ecological and epidemiological elements influencing Plague dynamics is crucial for forecasting outbreaks. We examined host-vector-pathogen interactions in the Araripe Plateau of Northeast Brazil to evaluate how community structure, network characteristics and climatic elements affect Plague circulation in humans, fleas and small mammals between 1966 and 1980. Our findings indicate that increased small mammals' host richness raises the quantity of species linked to *Y. pestis*, while evenness diminishes it. Host diversity fosters the reshaping of interactions, which indirectly elevates human infection rates. Alterations in host-vector dynamics over time enabled different transmission pathways, maintaining bacterial spread during epidemic years. The prevalence of fleas indirectly influenced host prevalence, serving as a crucial link between reservoir species and vulnerable hosts. Increased interaction dissimilarity, based on species turnover, significantly correlated with fewer human Plague cases, likely because varied host competence restricted bacterial survival or transmission. Nevertheless, heightened variation among long-lived infective species was linked to a rise in cases, probably because of altered transmission pathways. A greater number of infected species was associated with increased flea prevalence and, paradoxically, a reduced number of human cases. Structural connectance did not have a direct impact on host or flea prevalence but did affect human infections. Rainfall patterns affected by the El Niño Southern Oscillation (ENSO) and the Pacific Decadal Oscillation (PDO), impacted host community composition and indirectly influenced disease risk. Our findings validate that semiarid rainfall is responsive to ENSO and PDO teleconnections. These results show an increased importance and complexity of the multiple reservoir species network when compared to a vector-single host-pathogen for pathogen maintenance and transmission.

ORAL PRESENTATION

Cambios en los patrones conductuales de Mepraia spinolai en relación con la carga parasitaria de *Trypanosoma cruzi* y la variación térmica producto del cambio climático

Francisco Chacón | Catalina González-Bustos | Francisca Sepulveda-Salinas | Nataly Mora | Camila Tapia-Castro | Roxan González-Irribarra | Pedro E Cattan | Galia Ramírez-Toloza

Ponente: Francisco Chacón, fachacon@uchile.cl

La enfermedad de Chagas es una zoonosis causada por el protozoo *Trypanosoma cruzi*, donde, Mepraia spinolai es el vector más importante del ciclo silvestres de la zona central de Chile. Se ha descrito que la infección con *T. cruzi* puede modificar la conducta alimentaria y locomotora de *M. spinolai*, pero hasta el momento no se ha evaluado si la carga parasitaria tiene efectos en la conducta de este vector, junto a los efectos que podría tener la variación térmica bajo un contexto de cambio climático. Por esta razón, este trabajo busca evaluar los cambios en la conducta locomotora y alimentaria de *M. spinolai,* bajo distintos tratamientos térmicos, en relación con la carga parasitaria de *T. cruzi*. De un total de 300 individuos, hasta ahora fue monitoreada la actividad locomotora de 34 *M. spinolai*, 17 sometidos a temperatura promedio de verano histórico y 17 a temperatura de cambio climático, utilizando un sistema de seguimiento de movimiento (Ethovision XT©) y registrando en video los patrones alimentarios de cada individuo durante su alimentación. Evaluando la carga parasitaria mediante qPCR. De los 34 insectos, 8 resultaron estar infectados, con cargas de 0,2 a 5.186 par-eq/mg. Se evaluó la complejidad de las trayectorias, no evidenciando diferencias significativas entre infectados y no infectados, tampoco entre los tratamientos térmicos (K-W p=0,071). Sin embargo, fue posible observar diferencias significativas en el número de picadas entre tratamientos térmicos (K-W p<0,001), entre infectados y no infectados (U de M-W p=0,01), pero sin una relación significativa con la carga parasitaria (rs = 0,49; p=1,14). A pesar del bajo número de individuos analizados, si estas diferencias se mantienen, mostrarían resultados que deberían tenerse en cuenta en las estrategias de control y prevención de la enfermedad de Chagas en zonas de riesgo de infección.

ORAL PRESENTATION

Virulencia bacteriana en evidencia: Análisis genómico, clínico y forense de infecciones por Enterobacterales en fauna silvestre de Chile.

Valentina Aravena-Ramírez | Fredy Riquelme | Fernanda Larenas-Muñoz | César Mellado-Beltrán | Sergio Donoso | María Jesús Segovia-Pincheira | Bastián Albornoz-Albornoz | Ángeles Pavez-Sepúlveda | Lidice Méndez-Pérez | Paula Aravena | Danny Fuentes-Castillo

Ponente: Valentina Aravena-Ramírez, varavena2018@udec.cl

Escherichia coli, *Klebsiella pneumoniae* y *Klebsiella oxytoca* son bacterias asociadas a diferentes infecciones en humanos y animales domésticos. Sus determinantes de virulencia permiten guiar el correcto diagnóstico y tratamiento según cada hospedero. En fauna silvestre, las infecciones por estas *Enterobacterales* son escasamente estudiadas y se desconocen los factores de virulencia asociados. Los siguientes reportes de casos corresponden a muestras obtenidas desde *Puda puda* (1 y 2), *Myocastor coipus*, *Pteroptochos tarnii* y *Cygnus melancoryphus* admitidos en el Centro de Rehabilitación de Fauna Silvestre UdeC, con signología de infección bacteriana. El aislamiento e identificación bacteriana se realizó mediante técnicas microbiológicas convencionales junto con análisis de susceptibilidad antimicrobiana. Los patógenos aislados de infecciones fueron sometidos a secuenciamiento genómico completo mediante plataforma NovaSeq-X-Plus para posterior análisis bioinformático y acceder a la información de viruloma, resistoma y relación clonal de cepas. De *P. puda* (1) se aisló *E. coli* linaje ST224 desde herida y sangre y *K. oxytoca* ST145 desde herida. De *P. puda* (2) se aisló *K. oxytoca* ST145 desde herida. De *M. coipus* se identificó *E. coli* ST141 desde secreción uterina. De *P. tarnii* se identificó *E. coli* ST58 desde sangre. De *C. melancoryphus* se identificó *E. coli* ST1125 y *K. pneumoniae* ST1805 desde lavado bronquial. Se evidenciaron genes de virulencia y resistencia específicos, acordes a la signología clínica y análisis fenotípicos de susceptibilidad antimicrobiana de las diferentes infecciones analizadas. De esta forma, este trabajo entrega evidencia para ser la base de estudios de patogenicidad bacteriana en fauna silvestre y mejorar la búsqueda dirigida de determinantes de virulencia asociados a infecciones en animales silvestres. Además, análisis filogenómicos permitieron comprobar la muerte de un paciente (*P. puda* 1) debido a la infección bacteriana comprobando el clon de *E. coli* ST224 en herida y posterior septicemia.

ORAL PRESENTATION

Caracterización genómica de Enterobacterales productores de betalactamasas de espectro extendido (E-BLEE) y carbapenemasas en cuerpos de agua de la región de Ñuble, Chile: Una amenaza para la fauna silvestre y salud pública.

Jorge Campos Tabilo | Valentina Aravena Ramírez | edhnita Inostroza Muñoz | Jorge Barraza Schulmeyer | Aylin Vásquez Mosqueda | Fredy Riquelme | Danny Fuentes Castillo

Ponente: Jorge Campos Tabilo jocampos2018@udec.cl

El agua, si bien es un recurso esencial para la vida humana y la fauna silvestre, puede actuar como vector de patógenos multirresistentes. La Organización Mundial de la Salud ha priorizado los Enterobacterales productores de betalactamasas de espectro extendido (E-BLEE) y carbapenemasas como patógenos de prioridad crítica. El presente estudio, esta enfocado en la identificación de (E-BLEE) en cuerpos de agua de la región de Ñuble, Chile. Durante el año 2024, se colectaron muestras de agua (1,5L c/u) en 12 puntos de la región, dos veces al año. Las muestras se centrifugaron, el sedimento fue sembrado en agar MacConkey suplementado con ceftriaxona (2 ug/mL) a 37°C overnight. Los aislados se identificaron bioquímicamente y sometidos a pruebas de susceptibilidad antimicrobiana e inmunocromatográficos para confirmación de betalactamasas. Genomas completos de *Enterobacterales* productoras de BLEE y carbapenemasas fueron secuenciados utilizando la plataforma Illumina NovaSeq-X-Plus y analizados mediante herramientas bioinformáticas. A partir de dos puntos de la región (Estero Las Toscas y Quilmo) se obtuvieron 17 cepas positivas correspondientes a *Escherichia coli* secuenciotipos (ST) 131, 10, 744, 69, 336, 23, 641, 48, 361, 4429 y 410; y *Klebsiella pneumoniae* STs 466, 348, 45, 314 y un ST nuevo. Doce de los aislados fueron clasificados como multirresistentes. Entre el resistoma de los aislados destacan genes codificando carbapenemasas tipo KPC-2 y NDM-7, mientras que las BLEE correspondieron a CTX-M-15, CTX-M-1 y SHV-12. En cuanto al viruloma, destacan factores de adhesión y formación de biopelículas, hemolisinas y sistemas de captación de hierro; relacionadas a generar infecciones en humanos y animales. El análisis genómico evidenció que linajes de alto riesgo para la salud humana y animal están presentes en 2 puntos de la región de Ñuble. Alarmantemente, estos cursos de agua son utilizados por fauna silvestre local siendo una potencial fuente de adquisición de patógenos resistentes prioritarios. Fondecyt 11241097.

ORAL PRESENTATION

Mountain sentinels: The Pyrenean capercaillie (Tetrao urogallus aquitanicus) as an indicator of environmental antibiotic contamination in the Pyrenees, northeastern Spain.

Carlos Sacristán Yagüe | Ana de la Torre | Pablo Ibáñez-Porras | Olga Nicolas de Francisco | Antoni Margalida | Ana Carolina Ewbank
Ponente: Carlos Sacristán Yagüe | Ana Carolina Ewbank, carlos.sacristan@inia.csic.es | ewbank@inia.csic.es

The Pyrenean Capercaillie (*Tetrao urogallus aquitanicus* [PC]) is an endangered bird inhabiting well-preserved subalpine forests of the Pyrenean range across France, Andorra, and Spain. Previously, PCs co-inhabiting with extensive livestock presented antibiotics in their feces (fluorquinolones, tetracyclines and phenicols). Nevertheless, the occurrence and diversity of genes against antibiotics (ARGS), heavy metals and biocides, and mobile genetic elements (MGEs), remain unknown. We hypothesized that PCs could be indicators of environmental contamination. Twenty-one fecal samples from Catalan Pyrenees's PCs (northeastern Spain; 2020 and 2022), were tested for 23 genes using SmartChip PCR: beta-lactams, macrolide-lincosamide-streptogramin B [MLSB], phenicol, quinolone, sulfonamide, tetracycline, vancomycin, and polymyxins, heavy metals (*copA*, *czcA*, *merA*), biocides (*qac*), and MGEs (IncF-FIC and IncI1 plasmids, class 1 integron intI1_1), selected by their presence in livestock and environmental samples. The 16S rRNA gene was quantified for quality control. ARGs were detected in 95.2% (20/21) of PCs. Specifically, 81.0% (17/21) were multidrug-resistant, 14.3% (3/21) were resistant to only one antibiotic class, and 4.8% (1/21) were ARGs-negative. The most prevalent ARG classes were beta-lactams (90.5%, 19/21), vancomycin (85.7%, 18/21), sulfonamides (76.2%, 16/21) and polymyxins (*mcr-1*, 71.4%, 15/21), followed by phenicols (47.6%, 10/21) and tetracyclines (4.8%, 1/21). Quinolone and MLSB genes were not detected. Heavy metal genes were found in 85.7% (18/21) of PCs: copper (*copA*; 85.7%, 18/21), cadmium/zinc/cobalt (*czcA*; 57.1%, 12/21), and mercury (*merA*, 9.5%, 2/21). All samples were biocide-negative. IncI1_repI1 was found in 76.2% (16/21), and intI1_1 33.3% (7/21) of PCs. All samples were IncF-FIC-negative. We detected high vancomycin (*vanA*) and polymyxin (*mcr-1*) prevalences, last-resort antibiotics against nosocomial multidrug-resistant bacteria. Heavy metal genes co-select ARGs, while IncI1 plasmids are key in Enterobacteriaceae, and intI1_1 is a DNA environmental pollutant and anthropogenic impact proxy. We highlight PCs as environmental contamination indicators in high mountain ecosystems, and suggest resistance markers for future epidemiological studies.

Diversidad de esquistosomátidos aviares (Digenea: Schistosomatidae) en aves y moluscos acuáticos de Chile

Pablo Oyarzún Ruiz | María Teresa González | Martín Zamorano-Uribe | Ítalo Fernández | Pilar Suárez | Pamela Muñoz | Adriana Santodomingo | Richard Thomas | Lucila Moreno | Sebastián Muñoz-Leal | Carlos Landaeta-Aqueveque | Sara Brant

Ponente: Pablo Oyarzún Ruiz, poyarzun@udec.cl

Los esquistosomátidos aviares son trematodos parásitos del torrente sanguíneo de aves silvestres, mientras que caracoles acuáticos actúan como hospederos intermediarios, liberando furcocercarias a los cuerpos de agua. Estas últimas pueden infectar accidentalmente a bañistas, causando un cuadro cutáneo llamado dermatitis cercarial. En Chile, se han reportado brotes y casos aislados en humanos. El objetivo de esta investigación fue caracterizar, mediante taxonomía integrativa, los esquistosomátidos adultos y larvales presentes en aves y caracoles acuáticos, respectivamente. Para ello, se colectaron y diseccionaron 135 aves (95 anátidos de cinco especies [*Anas*, *Mareca*, *Spatula*, *Cygnus*], 20 gaviotas dominicanas [*Larus dominicanus*] y 20 cormoranes yeco [*Phalacrocorax brasilianus*]) y 4.644 caracoles (siete familias) entre 2019-2021 y 2023-2025. Los vermes adultos y larvas se caracterizaron morfológica- (tinción y microscopía electrónica de barrido) y molecularmente (*28S* y *COI*). En todas las especies anátidas se registraron 11 *taxa* (Prevalencia[P]=61%): nueve viscerales de los géneros *Trichobilharzia* y *Dendritobilharzia*, y dos nasales de los géneros *Trichobilharzia* y *Nasusbilharzia*. De estos, ocho corresponden a nuevas especies, y otros dos a *taxa* responsables de casos humanos: *Trichobilharzia querquedulae* y *Nasusbilharzia melancorhypha*. En *L. dominicanus* se identificó *Marinabilharzia patagonense* (P=84%) y en *P. brasilianus* un taxón pendiente de ser descrito. Se registraron las siguientes asociaciones hospedero-parásito: *Chilina dombeiana* (Chilinidae) fue hospedero de dos *taxa* (P=1,5%): Schistosomatidae-II y *N. melancorhypha*, ambos aislados en *Cygnus melancoryphus*, Los moluscos Lymnaeidae sp. y el caracol marino *Echinolittorina peruviana* (Littorinidae) se encontraron parasitados por los esquistosomátidos aviares Schistosomatidae gen. sp.-III (P=0,96%) y Schistosomatidae gen. sp.-IV (P=5%), respectivamente. En el presente estudio se destaca la riqueza de estos trematodos en los ecosistemas dulceacuícolas y marinos chilenos, con ejemplos de zoonosis. Se requiere la inclusión de herramientas moleculares en *taxa* caracterizados solo mediante morfología. Es esencial mantener la investigación de estos parásitos desatendidos en el Neotrópico.

Influenza A (H5N1) em aves e mamíferos da Antártica: um novo desafio para a saúde da vida silvestre polar

Maria Ogrzewalska | Ralph Eric Thijl Vanstreels | Elisa Cavalcante Pereira | Leonardo Correa Junior | Martha Lima Brandao | Bruno Pribul Rocha | Roberto do Val Vilela | Fabrício Souza Campos | Bruna Paredes-Galarza

Ponente: Maria Ogrzewalska, mogrzewalska@gmail.com

The highly pathogenic avian influenza virus H5N1 has raised global concerns due to its rapid spread among wild birds and the increasing reports of infections in mammals. In this study, we report the results of H5N1 surveillance in Antarctic animals during two breeding seasons in the South Shetland Islands (2023–2025). We present the sequencing and phylogenetic analysis of H5N1 viruses obtained from seabirds, specifically a Kelp Gull (Larus dominicanus) and a Cape Petrel (Daption capense), and from an Antarctic fur seal (Arctocephalus gazella). Samples were collected through the FIOANTAR and VIDEANTAR projects, part of the Brazilian Antarctic Program (PROANTAR), with logistical support from the Brazilian Navy. Molecular detection was performed by RT-qPCR, and full genome sequencing was conducted using Multisegment RT-PCR (M-RT PCR) protocol followed by Illumina MiSeq sequencing. Phylogenetic analyses revealed that these viruses belong to clade 2.3.4.4b, previously identified in migratory birds and marine mammals in the Americas. Phylogeographic reconstruction suggests possible viral introduction via migratory routes originating from Eurasia and Africa, with subsequent establishment in South America. The detection of H5N1 in an Antarctic fur seal aligns with recent reports of interspecies transmission among marine mammals, raising concerns about viral adaptation and its ecological impact in Antarctic ecosystems. These findings underscore the need for continuous surveillance with a One Health approach to monitor the spread and evolution of H5N1 in remote and ecologically sensitive regions.

Detección de Virus de Influenza Aviar de Alta Patogenicidad H5Nx clado 2.3.4.4b en especies de aves marinas Antárticas

Claudia Ulloa-Contreras | Fabiola León | Eduardo Pizarro J. | Pablo Castillo-Torres | Lucas Krüger | Daniela Nualart | Luis Vargas-Chacoff | Catalina Pardo-Roa | Juliana A. Vianna

Ponente: Claudia Ulloa-Contreras, caulloa4@uc.cl

El virus de Influenza Aviar de Alta Patogenicidad (HPAIV) H5N1 ha provocado múltiples eventos de mortalidad masiva en aves en el mundo, amenazando la estabilidad de las poblaciones. En 2023 el virus fue reportado por primera vez en Antártica, sin embargo, dada su reciente introducción, su epidemiología en el continente sigue siendo poco conocida. En el presente estudio se realizó la vigilancia epidemiológica de HPAIV en aves silvestres de 18 localidades de Antártica y 2 localidades en la isla de South Georgia (Región Subantártica). Para ello se capturaron aves adultas aparentemente sanas de 8 especies distintas y se obtuvieron hisopados cloacales y muestras sanguíneas de cada individuo. Adicionalmente se realizaron necropsias a aves muertas sin signos de depredación, recolectando tejido pulmonar e hisopados cloacales, orotraqueales y cerebrales. En carcasas con mayor estado de descomposición solo se obtuvieron muestras de hisopados cloacales, orotraqueales o cerebrales. Se realizaron pruebas de PCR específicas para influenza y para H5 clado 2.3.4.4b desde los hisopados de todos los individuos y estimación de parámetros fisiológicos sanguíneos de aves aparentemente sanas. Adicionalmente se realizaron análisis histopatológicos de tejido pulmonar de skúas muertas. Si bien no se registraron eventos de mortalidad masiva, se encontraron 35 skúas (*Stercorarius* spp.) muertas, de las cuales 11 fueron muestreadas. Hasta el momento, el 100% de las aves muertas resultó positiva a HPAIV H5Nx clado 2.3.4.4b, indicando que la infección por influenza fue probablemente la causa de muerte. La mayoría de los cadáveres presentó signos de muerte aguda, aunque algunos cuerpos estaban en avanzado estado de descomposición o con signos de depredación. Este estudio representa la primera detección de HPAIV en el año 2025 en el continente Antártico y diferentes niveles de mortalidad entre especies. La vigilancia continua es esencial para entender su dinámica e impacto en las poblaciones de aves antárticas.

ORAL PRESENTATION

Preparo e resposta a epizootias na interface saúde humana-silvestre: o caso do Plano de Contingência para Influenza Aviária Altamente Patogênica (IAAP) no Estado do Rio de Janeiro, Brasil

Mirella Lauria D'Elia | Germana Vizzotto Osowski | Silvia Neri Godoy | Valeria Ruoppolo | Valquiria Agnes Cardoso Côrtes

Ponente: Mirella Lauria D´Elia, mirella.delia@aiuka.com

A Influenza Aviária Altamente Patogênica (IAAP) H5N1 disseminou-se na América do Sul no final de 2022, impactando significativamente aves silvestres e comerciais. Em resposta, a Secretaria de Estado de Agricultura, Pecuária e Abastecimento do Rio de Janeiro (SEAPA-RJ) convocou diversas instituições e articulou um Plano de Contingência para prevenção, detecção precoce e controle da IAAP em aves comerciais no estado brasileiro. Considerando o papel das aves silvestres migratórias na epidemiologia da IAAP, o corpo técnico priorizou a seleção de aves limícolas e marinhas como potenciais vetores de IA em criações avícolas comerciais e de subsistência no Rio de Janeiro, dada sua relevância na disseminação e mutação viral. A identificação de áreas de alto risco baseou-se em dados do Centro Nacional de Pesquisa e Conservação de Aves Silvestres (CEMAVE) sobre espécies com rotas internacionais, analisados em Python e QGIS. Das 118 espécies silvestres identificadas (97,5%), 48 (40,7%) eram limícolas e marinhas, estando presentes em 32 municípios litorâneos do estado. Essa análise direcionou a vigilância ativa para as propriedades avícolas, especialmente de Anseriformes, elevando a sensibilidade do sistema de detecção. A partir disso, o plano estabeleceu procedimentos para alerta e emergência sanitária, ações de proteção da sanidade das aves comerciais e de subsistência, estratégias de comunicação, articulação interinstitucional, educação sanitária, fluxos de resposta e capacitação de equipes do Serviço Veterinário Oficial (SVO) e outras instituições. Adicionalmente, estabeleceu as características mínimas das estruturas de oportunidade tais como Instalações Fixas e Móveis, necessárias nas ações a campo envolvendo fauna silvestre. Este trabalho visa apresentar a metodologia do plano, principais ações de defesa e a relevância da colaboração público-privada no enfrentamento de epizootias com impacto socioeconômico e ambiental, possibilitando uma atuação rápida e coordenada em emergências zoossanitárias, reforçando a efetividade da resposta e da vigilância ativa baseada em risco sob a perspectiva da Saúde Única.

ORAL PRESENTATION

Niche construction consequences of parasite virulence in threespined sticklebacks immunity

Diana Netto Hernandez Blazquez | Maja Drakula | Robert Peuß | Joachim Kurtz | Jaime M. Anaya-Rojas

Ponente: Diana Netto Hernandez Blazquez, dianablazquez22@gmail.com

Eco-evolutionary feedbacks describe the dynamic interplay between ecological and evolutionary processes. Host-parasite interactions are a classic example, with both adapting to each other over time. Recent studies show that parasites not only impact their individual hosts but can also indirectly affect other species through environmental changes. However, the importance of these parasite-driven ecological effects for the immune responses of future host generations remains unclear. In this study, we examined how infection by the manipulative parasite *Schistocephalus solidus* from two distinct populations (Norway and Greenland) influences physiological and immune responses in *Gasterosteus aculeatus* (three-spined sticklebacks) across two fish generations. We conducted a mesocosm experiment where adult fish (Phase 1) were infected and then a new generation (Phase 2) was reared in the same environments, some of which had been previously modified by infected fish. In Phase 1, both parasite populations caused similar infection rates and physiological changes. However, in Phase 2, fish exposed to the Norway parasite population had notably lower infection rates, suggesting a protective environmental effect, potentially related to microbial, immune, or abiotic shifts. Furthermore, infected Phase 2 fish raised in previously modified tanks showed higher innate immune investment compared to those raised in control tanks. Infected fish in Phase 2 also experienced greater declines in body condition, likely reflecting a lack of prior immune priming and residual environmental stress. Overall, our results show that infection impacts extend beyond individual hosts and are strongly influenced by environmental context. Parasite origin, host traits, and environmental legacy collectively shape infection outcomes and immune responses across generations. These findings underscore the potential for parasite-driven environmental changes to influence host-parasite dynamics in the long term.

Determinantes de la respuesta inflamatoria eosinofílica en Cachorros de Lobo Fino Austral (*Arctocephalus australis*): Revelando Nuevas Perspectivas Inmunológicas

Erick Giovani Mendez Gomez | Luna Larrieta | Diego Perez-Vanegas | Ayush Nair | Carmon Co | Aranza Gomez Camus | Antonia Angel | Mauricio Seguel

Ponente: Erick Giovani Mendez Gomez, ermendez@unal.edu.co

Las enteritis causadas por parásitos intestinales, principalmente *Uncinaria* sp., son una de las principales causas de mortalidad en cachorros de lobo fino austral (*Arctocephalus australis*). Estas infecciones inducen una respuesta inmune tipo Th2 con activación de eosinófilos, células clave en la defensa contra parásitos. Sin embargo, en pinnípedos silvestres aún se conoce poco sobre el desarrollo de estas respuestas, especialmente considerando que el sistema inmune debe equilibrarse con otras demandas fisiológicas como el crecimiento, la reproducción y la termorregulación. En este estudio, realizado en Isla Guafo (Chile), analizamos la infiltración de eosinófilos en las aletas de 20 cachorros de lobo fino austral tras aplicar un estímulo inflamatorio con fitohemaglutinina (PHA), un mitógeno que genera una respuesta inmune localizada. Para comprender mejor esta respuesta, recolectamos datos fisiológicos e inmunológicos en tres momentos clave del desarrollo: al nacimiento, a las seis semanas (intermedio) y a las diez semanas de edad (final), previo a la aplicación de PHA. Utilizamos modelos lineales generalizados con distribución binomial negativa para identificar relaciones relevantes. Encontramos que niveles plasmáticos más altos de colesterol al nacimiento se asociaron con una respuesta eosinofílica más intensa en la piel tras la aplicación de PHA. Asimismo, cachorros con concentraciones elevadas de creatinina y colesterol al momento del estímulo mostraron mayor recuento de eosinófilos en las biopsias cutáneas. En contraste, valores bajos de basófilos sanguíneos se vincularon con mayor infiltración eosinofílica tisular. Además, variables como el índice de masa corporal y las globulinas totales mostraron relaciones no lineales con la respuesta inflamatoria, lo que sugiere interacciones fisiológicas complejas. Estos resultados sugieren que una mayor disponibilidad de recursos energéticos favorece la respuesta eosinofílica tisular, lo que podría facilitar la resistencia a ancilostómidos. Además, revelan que el desarrollo inmunológico temprano está sujeto a compromisos fisiológicos internos.

ORAL PRESENTATION

Interspecies variability of the gut microbiota of rodents in southern Chile

Daniela Soto | Andrea Silva | Anita Plaza | Cristóbal Verdugo | Claudio Verdugo | Gerardo Acosta-Jamett

Ponente: Daniela Soto, daniela.soto@uach.cl

Rodents are important reservoirs of zoonotic agents worldwide. Major rodent-borne diseases include hantavirus cardiopulmonary syndrome (HPS), hemorrhagic fever with renal syndrome, plague, and leptospirosis. Recent studies have demonstrated that land-use changes significantly impact rodent communities, often increasing the richness and/or abundance of rodent reservoirs due to anthropogenic disturbances such as habitat conversion into agricultural lands. Another critical factor influencing animal microbiota is species identity, which has been identified as one of the strongest predictors of microbiota composition. In this study, we characterized the gut bacterial microbiota of two abundant rodent species in southern Chile (*Abrothrix hirta* and *Abrothrix olivacea*) from the Los Ríos and Los Lagos regions using 16S rRNA amplicon sequencing. Despite sharing the same habitat, these two species exhibited distinct gut microbiota profiles. In addition, neither species showed significant differences in richness or diversity in relation to the percentage of native forest, which serves as an indicator of environmental fragmentation. Regarding alpha diversity, *Abrothrix hirta*displayed a richer and more diverse microbiota than *Abrothrix olivacea*. In addition, *A. olivacea* was dominated by bacteria from the families *Lactobacillaceae* and *Lachnospiraceae*, while *Abrothrix.* showed a predominance of *Bacteroidaceae* and *Prevotellaceae*. Pathogenic bacteria were also detected in their gut microbiota, including genera such as *Helicobacter, Rahnella*, *Serratia*, *Streptococcus*, and *Yersinia*. Notably, statistical differences were observed for specific genera: *Helicobacter* was significantly more abundant in *A. hirta* whereas *Yersinia* was more prevalent in *A. olivacea.* Environmental factors also influenced the abundance of pathogenic bacteria. For instance, a positive correlation was found between *Streptococcus* abundance and the proportion of natural non-forest areas at sampling sites, while a negative correlation was observed between *Yersinia* abundance and mean temperature during the sampling month. These findings underscore the species-specific nature of gut microbiota in rodents from southern Chile.

Morbillivirus surveillance in *Stenella* spp. Dolphins stranded on Brazilian coast (2019-2024)

Caroline Freitas Pessi | Arícia Duarte-Benvenuto | Roberta Zamana-Ramblas | Bárbara Sophia Codeas | Clara Chiarello | Vanessa Dal Bianco | Samira Costa-Silva | Bruno Marreto Canônico | Vanessa Lanes Ribeiro | Carolina Pacheco Bertozzi | Rafael Sardinha Murro | Thais Marcondes Schreiner | Pedro Volkmer de Castilho | José Luiz Catão-Dias

Ponente: Caroline Freitas Pessi, carol.freitas.pessi@gmail.com

Cetacean morbillivirus (CeMV; family *Paramyxoviridae*) is considered a pathogen of concern for cetaceans, as it's associated with high mortality. Dolphins within *Stenella* genus inhabit both pelagic and coastal waters, potentially facilitating CeMV transmission between these environments. Thus, viral surveillance in these species is strategic and warranted. Seventeen *Stenella* spp. stranded along the Brazilian coast between 2019 and 2024, including *Stenella frontalis* (10/17), *S. clymene* (3/17), *S. longirostris* (2/17), *S. coeruleoalba* (1/17) and *S. attenuata* (1/17); 13 were recorded in the Southeastern, 3 in the Northeastern, and 1 in the Southern region. The sample comprised 12 adults and 5 juveniles (6 females, 11 males). Standardized necropsies were performed, and tissues were collected for histopathology and molecular analysis. Total RNA was extracted from selected tissues (brain and lungs) using commercial kits and tested for morbillivirus by a broad-spectrum nested RT-PCR targeting the RNA polymerase gene and a conventional RT-PCR for partial amplification of the phosphoprotein gene (P). In positive cases, additional tissues were tested and formalin-fixed samples were examined by histopathology. Morbillivirus was detected by both assays in three individuals: two *S. longirostris* (lungs, brain, lymph node, kidney, liver, spleen) and one *S. clymene* (brain). The retrieved P sequences showed >99% nucleotide identity with Guiana Dolphin CeMV previously reported in Brazil. All positive individuals were juveniles, two females and one male. Notably, the two *Stenella longirostris* stranded in the Southeastern region in 2022, 20 days apart, while the *S. clymene* was recorded in Northeastern region in 2024. Preliminary histopathological findings revealed lesions consistent with morbillivirus in brain and lungs. To the authors' knowledge, this is the first detection of morbillivirus in *S. clymene* and *S. longirostris* in the Southern Hemisphere. Ongoing analyses will further characterize the virus, its pathological signature, and investigate potential comorbidities and co-infections to define their causes of death.

Análisis genómico de patógenos resistentes de prioridad critica circulando en animales silvestres de las costas de la región de Ñuble, Chile

Sofia Irribarra-Riquelme | Edhnita Inostroza-Muñoz | Jorge Campos-Tabilo | Valentina AravenaRamirez | Aylin Vásquez-Mosqueda | Fredy Riquelme | Danny Fuentes-Castillo

Ponente: Sofía Irribarra-Riquelme, sirribarra2018@udec.cl

Actualmente la resistencia a los antimicrobianos es una amenaza para la salud de humanos y animales. La OMS recientemente ha clasificado a *Enterobacterales* productoras de betalactamasas de espectro extendido (E-BLEE) como patógenos críticamente prioritarios debido a la alta morbilidad, mortalidad y capacidad de adaptación a diferentes ambientes y hospederos. Con la finalidad de evaluar la presencia y características genómicas de E-BLEE en animales costeros de Ñuble, en 2024 se obtuvo 239 muestras de heces de aves y mamíferos. Estas fueron cultivadas en agar MacConkey suplementado con ceftriaxona (2 µg/ml) a 37° C por 24h y los aislados fueron analizados mediante pruebas de susceptibilidad antimicrobiana y test de sinergismo de doble disco para la confirmación de BLEE. Las muestras positivas fueron sometidas a secuenciamiento genómico completo mediante la plataforma Illumina NovaSeq-X-Plus y analizados con herramientas bioinformáticas. Se detectaron cuatro *Cathartes aura* positivos a *Escherichia coli* ST10, ST58 y ST3611; dos *Coragyps atratus* portando *E. coli* ST58 y ST683; y una *Larus dominicanus* con *E. coli* ST1395. Entre las cepas se detectaron genes que codifican BLEE (*blaCTX-M-1, blaCTX-M-8, blaCTX-M-177, blaCTX-M-27* y *blaCTX-M-15*), además de genes de resistencia a aminoglucósidos (*aph(3'')-Ib*), fenicoles (*floR*), fluoroquinolonas (*qnrB19*), sulfonamidas (*sul2*), trimetoprima (*dfrA17*) y tetraciclinas (*tet(A)*). Además, se detectaron factores de virulencia importantes como de fimbrias de adhesión (*yehA, yehB, yehC, fimB, fimE*), formación de biopelículas (*hha, csgA*), hemolisinas *(hlyE),* evasión del sistema inmune *(iss, traT),* enterotoxinas *(astA, cia, colE7)* y transportadores de metales *(fepC, fepB, fyuA).* Estas bacterias fueron aisladas en aves carroñeras y oportunistas que frecuentan residuos humanos. Los linajes ST10 y ST58 son ampliamente detectados en infecciones humanas; esto refleja cómo la interacción entre fauna silvestre y actividades humanas puede afectar la salud ecosistémica y la diseminación ambiental de bacterias resistentes de origen antrópico, destacando la importancia de un enfoque One Health. Fondecyt 11241097.

Resistencia a florfenicol en *Enterobacterales* que colonizan fauna silvestre y doméstica de las regiones de Los Ríos y Los Lagos en Chile: potencial impacto de la salmonicultura

Edhnita Inostroza-Muñoz

Ponente: Edhnita Inostroza-Muñoz, edhnitasoleinos@udec.cl

La resistencia antimicrobiana (RAM) es un fenómeno global que debe abordarse bajo el enfoque de Una Salud. En este contexto, el florfenicol es un antibiótico utilizado en salmonicultura para la prevención y control de enfermedades. Su uso excesivo genera preocupación, ya que podría estar contribuyendo a la RAM, con consecuencias para la salud pública y los ecosistemas. Para evaluar la resistencia a florfenicol en *Enterobacterales* provenientes de fauna silvestre y doméstica de las regiones de Los Lagos y de Los Ríos, se colectaron 803 muestras rectales/cloacales de aves y mamíferos. Estas se incubaron en caldo MacConkey a 37 °C por 24 h, y luego se sembraron en agar MacConkey con 8 µg/mL de florfenicol. Se sometieron a la prueba de oxidasa para confirmar *Enterobacterales*, y posteriormente se analizó la presencia del gen de resistencia *floR* mediante PCR. De las 803 muestras, se detectaron 41 (5,1%) *Enterobacterales* que crecieron en presencia de florfenicol, las cuáles provenían de aves (diez *Larus dominicanus*, tres *Chroicocephalus maculipennis*, un *Rynchops niger*, un *Pelecanus thagus* y un *Calidris bairdi*) y mamíferos terrestres (tres *Lycalopex fulvipes,* dos *canis familiaris*, un *ovis aries* y un *Leopardus guigna*). Un 56% (N = 23) de los aislados mostraron una reacción positiva para el gen *floR*. Estos resultados sugieren un impacto ambiental del uso de florfenicol en la salmonicultura a nivel ambiental, generando una presión selectiva vinculada a su uso. Aunque no puede confirmarse la fuente exacta de los genes de resistencia, el elevado porcentaje de muestras positivas en aves marinas (64%) en comparación con animales terrestres (36%) sugiere una contaminación costera que podría estar relacionada con la actividad acuícola, indicando efluentes y sedimentos de florfenicol que promueven la propagación de la RAM. Esta investigación fue financiada por el proyecto VRID N°20240011SEM y el proyecto ANILLO ATE220062.

ORAL PRESENTATION

Gut microbiota variability of *Myotis chiloensis* in fragmented habitats of southern Chile

Daniela Soto | Andrea Silva | Anita Plaza | Cristóbal Verdugo | Claudio Verdugo | Gerardo Acosta-Jamett

Ponente: Gerardo Acosta-Jamett, gerardo.acosta@uach.cl

The insectivorous bat *Myotis chiloensis*, endemic to South America, has the southernmost distribution of any bat species. It inhabits diverse habitats in Chile, including native temperate forests, exotic tree plantations, and human structures. Southern Chile's fragmented landscapes have experienced outbreaks of zoonotic diseases, highlighting the importance of understanding potential reservoirs like *M. chiloensis*. In this study, we characterized the gut microbiota of *M. chiloensis* in a fragmented habitat spanning the Los Ríos to Los Lagos regions in southern Chile using 16S rRNA amplicon sequencing. Despite the fragmented environment, no significant differences on richness or diveristy in relation to the percentage of native forest were detected. SIMPROF analysis revealed that the gut microbiota of these bats forms two distinct clusters, each exhibiting different diversity and community structures. In terms of composition, one cluster was dominated by bacteria from the families *Yersiniaceae*, *Budviciaceae*, and *Beijerinckiaceae*, while the other was dominated by bacteria from the families *Clostridiaceae* and *Hafniaceae*, as well as bacteria of the order Bacillales. Pathogenic bacteria followed a similar pattern, and two distinct clusters were detected with one cluster showing high abundances of bacteria of the genera Yersinia and Rahnella, and the other featuring *Staphylococcus*, *Mycoplasma*, *Clostridium sensu stricto*, and *Candidatus Arthromitus*. Although the factors differentiating the gut microbiota composition of *M. chiloensis* are not yet fully understood, correlation analyses show that environmental variables such as the percentage of forest plantations and agricultural mosaics positively correlate with the abundance of bacteria from the genera *Staphylococcus*, *Mycoplasma*, and *Clostridium sensu stricto*. This study provides valuable insights into the gut microbiota diversity of *M. chiloensis* and underscores the role of bats as reservoirs for pathogenic bacteria.

Infecção natural por *Leishmania infantum* em graxaim-do-mato (*Cerdocyon thous*) em Porto Alegre, Brasil.

Luiza Rodrigues Tirelli | Clara Murussi Baheregaray | Laura Berger Nunes | Yasmin Santanna Pereira | Rafaela Mallmann Bohn | Jacqueline Meyer | Paola Antunes Rodrigues | Saulo Petinatti Pavarini | Marcelo Meller Alievi | João Fabio Soares

Ponente:Luiza Rodrigues Tirelli, luizartirelli@gmail.com

RESUMEN: A leishmaniose visceral é uma doença fatal, causada por protozoários do gênero *Leishmania*, um parasito intracelular obrigatório, que se encontra em monócitos e macrófagos de órgãos linfoides. No Brasil, a doença é transmitida por flebotomíneos de diversas espécies. Embora o cão doméstico seja descrito como principal reservatório do agente, infecções naturais em canídeos silvestres também são relatadas. Cerdocyon thous é um canídeo silvestre com ampla distribuição no território brasileiro e se adapta a diversos ambientes, incluindo zonas periurbanas. O hábito sinantrópico desses animais, juntamente com os registros de infecções naturais por L. infantum, reforçam a hipótese da transmissão periurbana e selvagem do agente. Em junho de 2023, um indivíduo jovem de *C. thous* foi capturado em uma área residencial de Porto Alegre e encaminhado ao Núcleo de Conservação e Reabilitação de Animais Silvestres da UFRGS (Preservas). Após exame clínico, lesões profundas de pele foram observadas na face e nos membros. Amostras de sangue foram coletadas, além de *imprinting* das lesões. Após extração do DNA, procedeu-se a amplificação do fragmento do gene catepsina L-like do agente. A amostra também foi processada em teste imunocromatográfico e imunofluorescência indireta (RIFI). Após a morte, o animal foi encaminhado para do Setor de Patologia Veterinária para necropsia, avaliação histopatológica e identificação molecular do agente em diferentes órgãos. O graxaim foi negativo no teste sorológico rápido e positivo na RIFI (1/160). Amostras de sangue total, baço, linfonodo e derme foram positivos no ensaio molecular, com sequência similar a *L. infantum*. Na patologia, as lesões foram compatíveis com leishmaniose visceral. Portanto, apresentou-se um caso em que o canídeo desenvolveu um quadro exacerbado da infecção por *L. infantum*. O potencial maléfico que *L. infantum* pode exercer sobre populações de canídeos silvestres carecem de estudos, mas tal achado evidencia a importância do agente para conservação das espécies afetadas.

Diversidad, ecología y conservación de murciélagos en Chile: un análisis de la producción científica en la última década.

Jorge Gallardo | Dante Lobos-Ovalle | Ignacia Dartuwig Del Pino | Sofía Rojas | Úrsula Echeverría | Clemente Beltrán | Jaime Rau | Annia Rodríguez-San Pedro

Ponente: Jorge Gallardo, jorge.gallardo@umayor.cl

RESUMEN: Los murciélagos son cruciales para el funcionamiento ecosistémico, debido a sus roles como controladores de plagas, polinizadores y dispersores de semillas. Pese a esto, la investigación sobre este grupo de mamíferos en Chile resulta escasa. Esta revisión sistematiza la producción científica generada entre 2013 y 2024, evaluando las tendencias temáticas, metodológicas y fuentes de financiamiento, con el fin de identificar patrones de investigación, avances en el conocimiento y estrategias para su manejo y conservación. La revisión resultó en 50 artículos, siendo el año 2015 el con mayor producción de publicaciones (20%), seguido por 2014, 2016, 2022 y 2024, todos con un 12%. Las regiones más estudiadas corresponden a: Metropolitana (32%), Bio-Bio (14%); Arica y Parinacota, Araucanía, y Magallanes con un 10% cada una. En cuanto al financiamiento, el 56% corresponde a fondos públicos, el 12% a fondos privados nacionales y el 10% a fondos extranjeros. Con relación a los principales hallazgos, el 21% de los estudios documentaron nuevos registros o ampliaron rangos de distribución; el 19% describió patrones ecológicos; el 8% se enfocó en temas de epidemiologia y salud pública; y por último, la conservación y amenazas emergentes con 6%. Desde la revisión de Sierra-Cisternas (2015), la riqueza de especies ha aumentado de 12 a 17, incluyendo a *Myotis arescens* como endémica y clasificando a *Myotis atacamensis* como Casi Amenazada (NT). Adicionalmente, se han incorporado nuevas metodologías como la bioacústica y el modelamiento ecológico, junto con nuevas líneas como la medicina de la conservación. Destaca la necesidad de expandir la investigación hacia otras zonas geográficas del país para comprender mejor los patrones biogeográficos y eco-epidemiológicos regionales. Como líneas futuras de trabajo, recomendamos abordar el conflicto humano-murciélago desde enfoques comunitarios y políticas gubernamentales, enfatizando el valor de estos mamíferos como bioindicadores y especies claves para la funcionalidad de los agroecosistemas.

Tricomoníase em Coruja Jacurutu: Detecção molecular e cultivo em meio Diamond

Clara Murussi Beheregaray | Laura Berger Nunes | Luiza Rodrigues Tirelli | Lay Greco Basílio | Ana Carolina Contri Natal | Paola Antunes Rodrigues | Camila Eloine da Silva Soares | Marcelo Meller Alievi | João Fábio Soares

Ponente:Clara Murussi Beheregaray, clara.berega@gmail.com

RESUMEN: A tricomoníase aviária é uma doença causada pelo protozoário *Trichomonas gallinae*. Seu hospedeiro natural são aves da ordem columbiformes, nas quais a infecção é normalmente assintomática, embora possam apresentar inflamações leves na mucosa oral ou, menos comumente, lesões caseosas. Em rapinantes adultos a infestação causa lesões caseosas graves na mucosa oral que podem induzir infecções secundárias, cursando com caquexia, anorexia, e dispneia, que, se não tratadas, levam ao óbito por disfagia e inapetência. Observa-se que o aumento da população de columbiformes em decorrência da urbanização pode causar aumento da predação destes por aves rapinantes. Em março de 2024, foi recebido no PRESERVAS, Núcleo de Conservação e Reabilitação de Animais Silvestres UFRGS uma coruja jacurutu (*Bubo virginianus*) adulta que apresentava lesões amareladas caseosas características disseminadas na orofaringe e esôfago. Foi coletado swab oral para cultura parasitológica em meio Diamond, com incubação à 37ºC e leituras seriadas em 24h, 48h e 72h pós cultivo. Em todas as leituras, foi possível a visualização de pseudocistos e trofozoítos do protozoário. O animal veio a óbito e as lesões caseosas foram analisadas também por método histopatológico e PCR para amplificação da região intergênica completa com resultado positivo para *T. gallinae,* confirmando o diagnóstico. Os autores levantam a hipótese que o aumento da incidência de tricomoníase em rapinantes esteja relacionado à urbanização pela perda de habitat natural acompanhada do crescimento da população de columbiformes, especialmente a espécie exótica (*Columba livia*), que agem como reservatório para *T. gallinae*, em detrimento de outras espécies não carreadoras que seriam presas naturais dos rapinantes. Indica-se, portanto, a necessidade de estudos mais extensos quanto à associação da urbanização com um possível aumento da casuística de tricomoníase em rapinantes.

ORAL PRESENTATION

Patrones de actividad espacio-temporales de las comunidades de quirópteros en la Reserva Vodudahue, provincia de Palena, Los Lagos, Chile

Dante Lobos-Ovalle | Jorge Gallardo-Fuentes | Pedro Ojeda | Sofía Rojas | Úrsula Echeverría | Clemente Beltrán | Jaime Rau | Annia Rodríguez-San Pedro

Ponente: Dante Lobos-Ovalle, dantelobos18@outlook.es

RESUMEN:Chiroptera es el segundo taxón mastozoológico con mayor diversidad y distribución geográfica global. En Latinoamérica sus poblaciones declinan alarmantemente, producto de su vinculación con agentes zoonóticos y fragmentación de hábitats. Chile es el país de Sudamérica con menor riqueza de murciélagos (n= 17). En relación con las especies patagónicas, el conocimiento sobre su ecología y patrones de actividad resulta escaso. Este estudio emplea registros acústicos recolectados durante cuatro estaciones, de manera simultánea, en tres ecosistemas: Estuario, Bosque Nativo y Pampa Agrícola. La mayor actividad se registró en la Pampa Agrícola (56%), seguida del Estuario (30%) y el Bosque Nativo (14%). *Tadarida brasiliensis* presentó la mayor actividad total (53%), predominando en verano y otoño; mientras que *Lasiurus varius* (33%) fue dominante en invierno y primavera. En cuanto a la actividad diaria, *Tadarida brasiliensis* presentó un patrón bimodal, con alta actividad en las últimas horas de la noche. *Lasiurus varius* y *Myotis chiloensis* evidenciaron patrones bimodales, con peaks tras la puesta de sol y antes del amanecer. Mientras que, *Histiotus magellanicus* concentró su actividad en torno a la medianoche e *Histiotus montanus* mostró un patrón multimodal, con un peak inicial al anochecer y antes del amanecer. Los análisis de solapamiento mostraron altos niveles de coincidencia de actividad entre *Tadarida brasiliensis*, *Lasiurus varius* y *Myotis chiloensis*, ($\Delta 4 > 0{,}70$). Por el contrario, *Histiotus montanus* mostró valores menores con las demás especies ($\Delta 4 < 0{,}38$) sugiriendo un patrón diferenciado. La Patagonia es considerada un ecosistema frágil y vulnerable, debido a un emergente impacto antropogénico (ej: aprobación de proyectos eólicos). Por lo cual, proponemos investigaciones que integren patrones eco-geográficos y fenológicos de murciélagos en áreas previamente no exploradas, con el fin de generar información valiosa para la toma de decisiones en pro de la salud ecosistémica local y la conservación de murciélagos neotropicales en un contexto de cambio climático.

Patógenos compartidos entre perros (*Canis familiaris*) y aguará guazú (*Chrysocyon brachyurus*) en la interfase doméstico-silvestre: evidencia serológica y molecular en Santa Fe, Argentina

Andrea Szmelc | Gallo Calderón, Marina | Sciabarrasi, Antonio | Rambeaud, Magdalena | Lucas Federico Arce | Orozco, Marcela

Ponente: Andrea Szmelc, aszmelc@gmail.com

RESUMEN: La presencia de perros en áreas rurales constituye una amenaza creciente para la biodiversidad, debido a su rol como hospedador y, en ciertos casos como reservorio de agentes infecciosos que afectan diversas especies, incluidos los humanos. En Argentina, el aguará guazú (*Chrysocyon brachyurus),* un cánido silvestre categorizado como "Vulnerable" a nivel nacional, ha incrementado su presencia en ambientes antropizados, lo que favorece el contacto con perros y aumenta el riesgo de exposición a patógenos compartidos. Con el objetivo de evaluar la exposición y/o infección a distemper canino (CDV), parvovirus canino (CPV), *Toxoplasma gondii* y *Neospora caninum,* se analizaron muestras biológicas de aguará guazú ingresados en el Centro de Rescate "La Esmeralda", Santa Fe, Argentina, entre 2008 y 2021. Para el análisis serológico de CDV (n=32) y CPV (n=32) se utilizó la técnica de inmunoensayo de flujo lateral (IFL) mediante CANTICHECK® (FassisiAT GmbH). Para evaluar exposición frente a *T. gondii* (n=32) y *N. caninum (*n=32) se utilizó la técnica de inmunofluorescencia indirecta (IFI) en suero. Se realizaron análisis moleculares (RT-PCR y PCR convencional) en sangre y heces para determinar la infección activa por CDV (n=43) y CPV (n=32) respectivamente. Los resultados indicaron una frecuencia de exposición de 6,25% para CDV, 68.4% para CPV, 68,75% para *T. gondii* y 12,5% para *N. caninum,* mientras que no se detectaron infecciones activas por CDV ni CPV. Este estudio proporciona evidencia concreta sobre la circulación de agentes infecciosos en áreas compartidas entre especies domésticas y silvestres, lo que representa una amenaza subestimada para la conservación de *C. brachyurus* en el centro de Argentina. Los hallazgos destacan la urgencia de incorporar la dimensión sanitaria en las estrategias de conservación de especies amenazadas, incluyendo el control de la salud de los perros y la reducción de interacciones en paisajes cada vez más transformados por actividades humanas.

ORAL PRESENTATION

Feline Leukemia Virus (FeLV) in free-ranging Neotropical wild felids and among domestic cats found inside protected areas from Southern Brazil

Jose Reck | Greice Gonchoroski | Tatiane Campos Trigo

Ponente: Jose Reck, jose.reck@gmail.com

RESUMEN: Feline Leukemia Virus (FeLV) and Feline Immunodeficiency Virus (FIV) are retroviruses which cause severe diseases in domestic cats. Recently, they have emerged as a concern for wild felids. The aim of this study was to evaluate the exposure to feline retroviruses in free-ranging Neotropical wild felids from Southern Brazil. A total of 48 road-killed wild felids belonging to three species were sampled: Geoffroy's cat (*Leopardus geoffroyi*), margay (*Leopardus wiedii*), and Southern tiger cat (*Leopardus guttulus*). In addition, 28 domestic cats found inside protected areas were also investigated. Both domestic and wild felids were tested for the presence of FeLV and FIV by lateral flow immunoassay (LFA) and molecular methods. Three wild felids (two Geoffroy's cats and one margay) were positive to FeLV by LFA (antigen), PCR (proviral DNA), and RT-qPCR (viral RNA). From the twenty-eighth free-roaming domestic cats sampled inside protected areas, 10 (35%) were positive for FeLV. None of the domestic or wild felids were positive to FIV. Herein we have described the occurrence of FeLV in two species of free-ranging Neotropical felids; also, FeLV-positive domestic cats seem to be commonly found in protected areas from southern Brazil, posing an important risk of FeLV transmission to threatened wild felids inside those areas.

ORAL PRESENTATION

Evaluation of the spatial overlapping of Neotropical otter with dogs and cats and its exposure to pathogens classically associated with domestic animals

Greice Gonchoroski | Jose Reck | Caroline Leuchtenberger | Thales Renato Ochotorena Freitas

Ponente: Greice Gonchoroski, greicegonchoroskiz@gmail.com

The Neotropical otter (*Lontra longicaudis*) is a semiaquatic mustelid distributed across all Brazilian biomes. Increasing interaction between wildlife and domestic animals, particularly dogs and cats, exacerbates conservation threats by facilitating pathogen transmission. The aim of this study was to assess the exposure of *Lontra longicaudis* to domestic carnivores and to pathogens associated with these species within a protected area in southern Brazil. For this, we investigated the overlapping occurrence of otters, domestic dogs, and cats in the studied area, as well as the exposure to major pathogens commonly associated with dogs (Canine Distemper Virus - CDV, Canine Parvovirus type 2 - CPV, and *Neospora caninum*) and cats (*Toxoplasma gondii* and Feline Leukemia Virus - FeLV) in Neotropical otters. Samples from six otters were analyzed. Most of them presented antibodies against CDV (83%), CPV (66%), and *T. gondii* (66%), while none was seropositive for *N. caninum* or reagent for FeLV antigen. Direct observation and camera trap monitoring allowed identification of overlapping records of otters, dogs and cats. The set of results allowed us to conclude that the Neotropical otters, even in protected areas, are heavily exposed to domestic carnivorans and their pathogens.

Evaluation of body condition score in a group of Capuchin monkeys (*Sapajus* sp.) under human care

Maira Beatriz Gandofi Silva | Natália Ribeiro dos Santos | Heloísa Coppini de Lima | Maria Fernanda Hussni | Isabelle Ferreira Mascarenhas | Mayara Ferreira Vieira | Carolyne Assis Eigenheer Pinke Testa | Priscylla Tatiana Chalfun Guimarães-Okamoto | Alessandra Melchert

Ponente: Heloísa Coppini de Lima, heloisacoppini@hotmail.com

RESUMEN: Assessment of Body Condition Score (BCS) enables the detection of nutritional imbalances, such as overweight or underweight, thereby facilitating the nutritional management of wild animals under human care. However, information regarding BCS in primates remains limited. This study aimed to evaluate the BCS of capuchin monkeys (*Sapajus* sp.) maintained under human care. Twenty-four adult male and female capuchin monkeys were assessed. All animals were deemed healthy based on normal physical examinations, negative coproparasitological tests, and hematological, renal, hepatic, and lipid profiles within species-specific reference ranges. During routine management, the animals were fed a diet consisting of various fruits, vegetables, leafy greens, eggs, and primate chow. A 5-point BCS scale specific to capuchin monkeys was developed, adapted from existing scales used in other primate species. The scores were defined as follows: (1) emaciated; (2) lean; (3) ideal body condition; (4) overweight; (5) obese. The provided diet had an average composition of 17.2% protein, 3.8% ether extract, 6.1% crude fiber, and 51.5% nitrogen-free extract, fulfilling the nutritional requirements of the species. The average body weight was 2.1 ± 0.3 kg. Most BCS scores observed ranged from lean to ideal. Two animals scored 1; sixteen with BCS 2; five scored 3; and only one animal with BCS 4. No individuals were classified as obese. Interestingly, despite an ad libitum diet with adequate nutritional content, most monkeys tended toward leanness. To the best of the authors' knowledge, there are no published studies applying BCS to free-ranging capuchin monkeys, which limits direct comparisons with wild populations. These findings provide a reference for evaluating body condition in *Sapajus* spp. under human care and highlight the need for further research on nutritional assessments in wild populations.

Multi-Host Circulation of Canine Distemper Virus (CDV) in the Cerrado and Pantanal Biomes of Mato Grosso do Sul, Brazil

athana Beatriz Martins | Arthur Campoi Peluco | Lucas Mauricio Lopes De Navasquez | Yuri de Souza Linhares | Mario Henrique Alves | Mayara Grego Caiaffa | Grazielle Soresini | Danilo Kluyber | Ana Carolina Monteirinho Lobo | José Luiz Catão-Dias | Paulo Eduardo Brandão | Arnaud Léonard Jean Desbiez | Aline Santana da Hora

Ponente: Aline Santana da Hora, alinedahora@ufu.br

Canine distemper virus (CDV) is a highly contagious pathogen with high mortality rates, posing a global threat to wildlife and domestic animals. This study aimed to investigate the occurrence of CDV in wild giant anteaters, armadillos, and crab-eating fox, and domestic dogs in the Cerrado and Pantanal biomes of Mato Grosso do Sul, Brazil. Between 2011 and 2024, samples were collected from 236 captured, monitored, and/or road-killed anteaters and armadillos. Additionally, 164 blood samples from rural domestic dogs (June 2023–June 2024) and one spleen sample from a crab-eating fox (2023) were analyzed. Samples were screened using endogenous control, RT-qPCR for the CDV N gene, and nested PCR targeting the paramyxovirus L gene. CDV RNA was not detected in domestic dogs. The crab-eating fox (*Cerdocyon thous)* tested positive and exhibited neurological signs and systemic illness. Paramyxovirus RNA was detected in 2.1% (5/236) of xenarthrans. Positive cases included three blood samples from monitored giant anteaters (*Myrmecophaga tridactyla*), one spleen sample from a road-killed giant anteater, and one blood sample from a captured six-banded armadillo (*Euphractus sexcinctus*). All sequences showed 100% identity with CDV. Despite confirmed infection, all xenarthrans were asymptomatic. One anteater was pregnant and monitored for a year, another carried a calf, and a third died six months later. The armadillo showed tail hyperkeratosis, a possible CDV-related sign. CDV had previously been detected in jaguarundi (*Herpailurus yagouaroundi)* within the same studied area, suggesting a broader susceptibility of wildlife in the region. These findings highlight the circulation of CDV in wildlife with minimal clinical expression and support the hypothesis of viral maintenance among wild hosts. Serological studies in domestic dogs remain essential to evaluate prior exposure and better understand CDV transmission dynamics in multi-host ecosystems.

Vigilância epidemiológica em Mamíferos Silvestres Urbanos: Coexistência e transbordamento viral

Bruna Hermine de Campos | Daniel Oliveira dos Santos | Janaina Ribeiro Duarte | Vinicius Henrique Barbosa Amaral | Nadja Simbera Hemetrio | André Duarte Vieira | Letícia Neves Ribeiro | Sara Cândida Ferreira dos Santos | Talita Emile Ribeiro Adelino | Maurício Teixeira Lima | Carlyle Mendes Coelho | Herlandes Penha Tinoco | Luiz Carlos Junior Alcantara | Felipe Campos de Melo Iani | Erica Azevedo Costa | Renato Lima Santos | Marcelo Pires Nogueira de Carvalho

Ponente: Bruna Hermine de Campos, brunahermine.campos@hotmail.com

A conversão de habitats naturais em ecossistemas urbanos transforma dinâmicas ecológicas e epidemiológicas, favorecendo a emergência de doenças interespecíficas. Na região sudeste do Brasil, a cidade de Belo Horizonte abriga diversos fragmentos urbanos de Cerrado e Mata Atlântica, onde são frequentes os conflitos entre mamíferos silvestres, animais domésticos e população humana. Estudos prévios na região identificaram vírus respiratórios como Influenza A e SARS-CoV-2 em quatis assintomáticos, evidenciando o papel desses animais como sentinelas na vigilância de agentes infecciosos de importância em saúde pública. Neste estudo, conduzido entre 2022 e 2025, foi monitorada a presença de agentes virais nas populações de *Nasua nasua*, *Didelphis* sp. e *Callithrix penicillata*, em parques da cidade. Os animais foram capturados, contidos e anestesiados conforme protocolos éticos e ambientais aprovados. Foram coletadas amostras não letais (sangue, swabs orais e retais) por equipe treinada, com uso de EPIs. Todos os animais foram microchipados e submetidos à avaliação clínica. Carcaças encontradas nas áreas de estudo também foram coletadas para exames necroscópicos e triagem de patógenos. A extração e purificação de DNA e RNA foram realizadas com esferas magnéticas, as análises moleculares visaram a detecção de vírus com relevância zoonótica e para a conservação da biodiversidade. As sequências virais foram obtidas a partir de análises de Sequenciamento de Nova Geração. Foram detectados agentes virais respiratórios, além de herpesvírus e vírus da cinomose canina. Em saguis (*Callithrix penicillata*), foram registrados surtos associados ao herpesvírus e ao vírus da cinomose. Nos demais animais, não foram observados sinais clínicos compatíveis com os agentes detectados no momento do exame clínico. Esses achados reforçam a importância de estratégias de vigilância integrada, considerando os riscos de transbordamento viral entre espécies e a emergência de doenças com impacto em Uma Só Saúde.

ORAL PRESENTATION

Detection of Canine Distemper Virus in a Population of Giant Anteaters (*Myrmecophaga tridactyla*) in the Pantanal Subregion of Aquidauana

Isabella Amaral de Paula | Flávia Regina Miranda | Maíra Prestes Margarido

Ponente: Flávia Regina Miranda, frmiranda@uesc.br

The giant anteater (*Myrmecophaga tridactyla*), classified as Vulnerable by the IUCN, faces multiple anthropogenic threats, including infectious diseases that may compromise population viability. Canine distemper virus (CDV), a *Morbillivirus* of major concern for wild carnivores and other mammals, has recently been detected in xenarthran species. This study investigated the presence of CDV in a population of *M. tridactyla* in the Aquidauana subregion of the Pantanal, Brazil. This project is covered under the license of the Biodiversity Authorization and Information System (SISBIO), number 56349-10. Biological samples (nasal, oral, conjunctival, and rectal swabs) were collected from 19 individuals, including free-ranging and rehabilitated animals, and analyzed via RT-PCR targeting the nucleoprotein gene of CDV. All animals tested negative at first capture (0/19), indicating no active infection at that time. However, three individuals later recaptured with clinical signs (ocular and nasal discharge, lethargy, skin lesions) tested positive (3/3) for CDV RNA. These results suggest viral exposure and possible recent infection or reactivation, especially in animals under rehabilitation or near domestic species. Although CDV prevalence was low in initial sampling, the confirmed cases in symptomatic recaptures emphasize the importance of health monitoring and disease surveillance in this threatened species. Understanding the involvement of *M. tridactyla* in CDV transmission dynamics is essential for guiding conservation and health strategies, particularly in sensitive regions such as the Pantanal.

Uncovering the movement behavior of free-ranging dogs and their potential impacts on wildlife

Caio Filipe da Motta Lima | Isis Zanini das Candeias | Fernanda Cavalcanti Azevedo | Luiz Gustavo Rodrigues Oliveira Santos | James D. Forester | Frederico Gemesio Lemos | Ricardo Augusto Dias

Ponente: Caio Filipe da Motta Lima, caio.lima@usp.br

Dogs play essential roles in human communities, but their negative impacts on wildlife and public health are recognized worldwide. However, free-ranging dogs´ landscape use, particularly during excursions away from home, remains poorly understood. To improve our understanding of dog foray behavior, we monitored 29 dogs with GPS collars over 15 months in an agroecosystem in Central Brazil. We estimated home and foray ranges, calculated foray trajectory metrics, modeled the correlation between these metrics and dogs´ characteristics, and assessed habitat selection through resource selection functions. Dogs spent 11% (1.4% - 33.6%) of their time foraying, averaging two (0.3 – 6) forays per day, covering 1,200 meters over 85 minutes. Larger dogs performed primarily nocturnal forays, while smaller herding dogs made diurnal forays, often accompanied by their owners. Foray range areas were, on average, 36 times larger than home range areas. By integrating foray range with trajectory metrics, we better understood dogs´ presence in the landscape, showing that dogs frequently used 58% of the study area. Hence, although individual forays were infrequent, their collective impact at the landscape level could be significant, particularly as dogs selected roads and open areas, potentially increasing wildlife vulnerability in these habitats. Our analytical framework significantly improves the understanding of dogs' space use, often underestimated by studies relying solely on home range analysis. We emphasize that future studies should adopt this approach to better assess the potential environmental impacts of free-ranging dogs. To mitigate these impacts, we propose community-based conservation strategies focused on improving dog husbandry and promoting responsible ownership, including better health and behavior profiles and appropriate breed selection, to enhance both wildlife conservation and the social functions of dogs in the community.

Hidden in Plain Sight: Description of a new *Plasmodium* n. sp. and Its Potential Pathogenicity in Wild Brazilian Wood-Rails

Lis Marques de Carvalho e Vieira

Ponente: Lis Marques de Carvalho e Vieira, lismarques120@gmail.com

The order Haemosporida comprises heteroxenous protozoan parasites transmitted by hematophagous dipterans. These parasites are globally distributed and of recognized importance to both human health and ecosystem dynamics, given their ability to infect a wide range of wild vertebrate hosts, including birds. Although significant progress has been made in avian haemosporidian research, major biases persist, particularly those related to sampling methods and the lack of morphological data associated with molecular lineages. These limitations hinder a comprehensive understanding of haemosporidian diversity, especially in under-sampled avian groups such as Gruiformes, from which only 14 species have been formally described to date. In this study, we provide the first morphological characterization of the ARACAJ01 lineage, previously reported in a single captive grey-necked wood rail (*Aramides cajaneus*) at the São Paulo Zoo, Brazil. This lineage was identified in five out of eight *A. cajaneus* individuals rescued from the wild and transferred to the Wild Animal Triage Center of Belo Horizonte (CETAS-BH), Minas Gerais, Brazil. The individual's peripheral blood was collected upon arrival to avoid potential interference from infections acquired in captivity. Samples underwent microscopic examination and molecular analysis based on amplification and sequencing of a 479 bp fragment of the mitochondrial cytb barcoding gene. All infected birds exhibited all blood stages of the parasite, enabling the formal description of a new *Plasmodium* species. Three infected birds died during rehabilitation, and multiple organs were collected for histopathological examination. Exoerythrocytic meronts were found within macrophages and endothelial cells of the lungs, heart, and pectoral muscle. These findings were associated with lesions commonly observed in avian malaria, including interstitial pneumonia and generalized hemosiderosis. Our findings suggest that *Plasmodium* n. sp. may be a common and potentially pathogenic parasite of *A. cajaneus*. Further studies are needed to explore its host range and clarify its ecological and pathological relevance.

Trypanosoma spp. en ciervo de los pantanos *(Blastocerus dichotomus*), en los Esteros del Iberá y el Bajo Delta del Paraná, Argentina

Iara Figini | Paula Blanco | Diana Arnica | Marcela Orozco | Eliana Guillemi

Ponente: Paula Blanco, paupaurule@gmail.com

Los tripanosomas son protozoos con importancia sanitaria para los sistemas ganaderos y la fauna silvestre. El ciervo de los pantanos (*Blastocerus dichotomus*), una especie amenazada de los humedales del noreste argentino, podría desempeñar un rol en los ciclos silvestres de transmisión de tripanosomas, poco estudiados en la región. Entre 2014-2024 se colectaron muestras de sangre y oreja de ciervo de los pantanos en los Esteros del Iberá (Corrientes) y el Bajo Delta del Paraná (Buenos Aires). Las muestras se analizaron mediante amplificación por PCR (gen 24S rRNA) e hibridación reversa (RLBH) con sondas específicas (gen *18S rRNA*) para *T. evansi*, *T. theileri*, *T. vivax*, *T.* sp. *Formosa* y *T.* sp. *garrapata*. Se realizaron modelos lineales generalizados con distribución binomial (link *logit*) para evaluar la probabilidad de infección por *Trypanosoma* spp. considerando como predictores variables ecológicas y sanitarias (estación, año, zona, área protegida o interfaz, causa de muerte, condición corporal y carga de garrapatas). De 196 ciervos analizados, 77 (39,3%) fueron positivos a *Trypanosoma* sp., de estos, 8 (4,14%) fueron positivos a *T. evansi* y 26 (10,5%) a *T. theileri* (13,4%), incluyendo 5 coinfecciones. El modelo con mejor ajuste (ΔAIC=153,97) asoció significativamente una carga alta de garrapatas con mayor probabilidad de infección, sin efecto de otras variables. Estos resultados evidencian la circulación de tripanosomas en ciervos de los pantanos en Argentina. Aunque el rol de las garrapatas como vectores biológicos de tripanosomas no está establecido, su posible función como transmisores mecánicos no debe descartarse. Además, una alta infestación por garrapatas puede comprometer la salud del hospedador, induciendo anemia, estrés fisiológico e inmunosupresión, lo que podría aumentar la susceptibilidad a infecciones parasitarias por *Trypanosoma* spp. La interacción entre el parasitismo externo y la capacidad inmune del hospedador es clave para entender los determinantes ecológicos de la infección en fauna silvestre.

ORAL PRESENTATION

Marcadores proteicos para el estudio del nemátodo parásito *Dioctophyme renale*

Lucas Federico Arce | Martín Sebastián Sisti | Laura Kamenetzky | Gisela Raquel Franchini

Ponente: Lucas Federico Arce, lucasfarce.lfa@gmail.com

Dioctophyme renale es un nemátodo zoonótico capaz de provocar infecciones renales severas en mamíferos domésticos y silvestres. En Argentina, especialmente en la región litoral, existen numerosos reportes de casos en fauna doméstica con evidencia de dispersión hacia la fauna silvestre, resaltando la importancia eco-epidemiológica de este parásito. Actualmente, la falta de información molecular limita el desarrollo de métodos diagnósticos efectivos y accesibles para la detección temprana y el control sanitario. En este estudio se realizó la caracterización proteómica del líquido de excreción/secreción (LES) y tejidos esofágicos del parásito mediante espectrometría de masas. Las proteínas específicas fueron identificadas mediante análisis bioinformáticos utilizando bases de datos (WormBase, NCBI, SwissProt) y dominios conservados (Pfam). Tres proteínas candidatas fueron exitosamente clonadas, expresadas y purificadas, y posteriormente evaluadas inmunológicamente por Western Blot frente a sueros provenientes de perros infectados y no infectados con *D. renale*. Entre estas proteínas, la denominada P52 (código de genoma DREN_jg52) mostró una marcada reactividad diferencial entre sueros positivos y negativos, destacándose como un prometedor marcador diagnóstico. Adicionalmente, se generó por primera vez el perfil proteómico completo del LES de *D. renale*, aportando información inédita sobre la interacción parásito-hospedador y proporcionando nuevas herramientas diagnósticas. Los resultados obtenidos contribuyen significativamente al conocimiento biológico y molecular de *D. renale*, avanzando en el desarrollo métodos diagnósticos sensibles y específicos para la detección temprana y el monitoreo epidemiológico.

Identificação de *Klebsiella aerogenes* resistente à aminoglicosídeos em Lagarto-teiú (*Salvator merianae*)

Heloisa Patricia Besson Morgan | Cristiane Maria Montilho | Maria Antonia Kupkovski | Geovana Gabrielly de Souza Casado | Ketlyn Christine Bonatto | Camila Lie Yamauchi | Paola Zanoni | Ana Julia Dal Curtivo Back | Flávia Bordignon Hendges | Fabiana Caroline Zempulski Volpato | Anderson Luiz de Carvalho

Ponente: Heloisa Patricia Besson Morgan, heloisa.besson.morgan@gmail.com

A determinação de bactérias em processos infecciosos vem se tornando cada vez mais necessário. Uma vez que, muitos processos infecciosos não apresentam êxito terapêutico sem o auxílio de exames de cultura. O presente estudo descreve o isolamento de uma *Klebsiella aerogenes* resistente aos aminoglicosídeos, isolado de uma ferida de um lagarto-teiú (*Salvator merianae*) de vida livre. O animal foi encaminhado para atendimento em uma universidade na região oeste do Paraná - BR, e apresentava fratura exposta em fêmur esquerdo. Um fragmento de tecido ósseo desse ferimento, foi encaminhado para o laboratório de bacteriologia da mesma instituição. O isolamento bacteriano foi realizado conforme protocolos laboratoriais e o perfil de susceptibilidade aos antimicrobianos foi realizado conforme pontos de corte estabelecidos pelo BrCast, os antibióticos testados foram: ciprofloxacino, aztreonam, sulfametoxazol + trimetropim, ceftazidima , cefepime, cefotaxima, amoxicilina + ácido clavulânico, ceftriaxona, gentamicina e amicacina. Foram isoladas três bactérias da ordem Enterobacterales, com perfil fenotípico distinto, sendo identificadas como: *Escherichia coli, Klebsiella pneumoniae e Klebsiella aerogenes.* Os dois primeiros isolados apresentaram sensibilidade a todos os antimicrobianos testados. Em contrapartida a *K. aerogenes* apresentou resistência aos aminoglicosídeos, uma vez que a bactéria apresentou resistência tanto para a gentamicina quanto para a amicacina. Nossos achados demonstram a necessidade da realização de testes que determinem o perfil de susceptibilidade de isolados bacterianos em amostras clínicas, a fim de direcionar o melhor tratamento para infecções nestes animais. Somado a isso, esses achados acendem um alerta para o monitoramento de bactérias resistentes presentes em animais de vida livre.

Detecção de Patógenos com Potencial Zoonótico em Onças-Pintadas no Pantanal Mato-Grossense

Bruna Mendonça Santos | Fiona McDougall | Paul Raad Cisa | Larissa Pereira Rodrigues | Michelle Power | Lígia Souza Lima Silveira da Mota

Ponente: Bruna Mendonça Santos, bruna.mendonca@unesp.br

A determinação de bactérias em processos infecciosos vem se tornando cada vez mais necessário. Uma vez que, muitos processos infecciosos não apresentam êxito terapêutico sem o auxílio de exames de cultura. O presente estudo descreve o isolamento de uma *Klebsiella aerogenes* resistente aos aminoglicosídeos, isolado de uma ferida de um lagarto-teiú (*Salvator merianae*) de vida livre. O animal foi encaminhado para atendimento em uma universidade na região oeste do Paraná - BR, e apresentava fratura exposta em fêmur esquerdo. Um fragmento de tecido ósseo desse ferimento, foi encaminhado para o laboratório de bacteriologia da mesma instituição. O isolamento bacteriano foi realizado conforme protocolos laboratoriais e o perfil de susceptibilidade aos antimicrobianos foi realizado conforme pontos de corte estabelecidos pelo BrCast, os antibióticos testados foram: ciprofloxacino, aztreonam, sulfametoxazol + trimetropim, ceftazidima , cefepime, cefotaxima, amoxicilina + ácido clavulânico, ceftriaxona, gentamicina e amicacina. Foram isoladas três bactérias da ordem Enterobacterales, com perfil fenotípico distinto, sendo identificadas como: *Escherichia coli, Klebsiella pneumoniae e Klebsiella aerogenes.* Os dois primeiros isolados apresentaram sensibilidade a todos os antimicrobianos testados. Em contrapartida a *K. aerogenes* apresentou resistência aos aminoglicosídeos, uma vez que a bactéria apresentou resistência tanto para a gentamicina quanto para a amicacina. Nossos achados demonstram a necessidade da realização de testes que determinem o perfil de susceptibilidade de isolados bacterianos em amostras clínicas, a fim de direcionar o melhor tratamento para infecções nestes animais. Somado a isso, esses achados acendem um alerta para o monitoramento de bactérias resistentes presentes em animais de vida livre.

Esterilização de *Callithrix* sp. como estratégia de conservação de *Callithrix aurita* e manejo pós-operatório comparando pomada comercial e pomada derivada de *Croton urucurana*

Ana Ester Martins oliveira | Fabiana Azevedo Voorwald | Fabiana Cristina Silveira Alves de Melo | Fabiano Rodrigues de Melo | Gabriel Silva Toledo | Maria Clara Pereira Roque

Ponente: Maria Clara Pereira Roque, maria.roque@ufv.br

RESUMEN: O *Callithrix aurita*, conhecido como sagui-da-serra-escuro, é um primata endêmico da Mata Atlântica e encontra-se em risco de extinção devido à perda de habitat e à hibridação com espécies exóticas. Para sua conservação, o Centro de Conservação dos Saguis da Serra (CCSS) da UFV tem implementado estratégias como a esterilização de híbridos, impedindo a reprodução e contribuindo para a preservação da genética do Callithrix aurita. Este estudo teve como objetivo acompanhar o período pós-operatório da esterilização de grupos de *Callithrix* sp., comparando a eficácia de duas pomadas cicatrizantes: Ganadol® e uma pomada à base da casca do caule de *Croton urucurana*, que foi desenvolvida no Departamento de Biologia Animal da UFV. As capturas dos híbridos foram realizadas nos fragmentos florestais da Universidade Federal de Viçosa e os animais eram encaminhados para o Departamento de Veterinária, onde havia recintos devidamente ambientados para que os indivíduos permanecessem até o pós-operatório. No local, os animais foram avaliados criteriosamente e, se estivessem saudáveis, seriam esterilizados. As esterilizações baseavam-se em salpingectomia nas fêmeas e deferentectomia nos machos, procedimentos que impedem a reprodução sem interferir no comportamento social dos indivíduos, visto que os grupos são reintroduzidos na natureza. Após a cirurgia, os indivíduos foram monitorados por sete dias, sendo realizada diariamente a contenção, limpeza da ferida com solução fisiológica e aplicação da pomada. No decorrer do estudo foi observado que ambas as pomadas possibilitaram evolução positiva do tratamento da ferida. Assim, com este estudo pode-se concluir que a pomada derivada do caule da *Croton urucurana* possui um potencial excelente para cicatrização de feridas, uma vez que demonstrou resultados semelhantes à pomada comercial Ganadol®, já consolidada no mercado farmacêutico veterinário. Portanto, este estudo não só evidencia o seu potencial como alternativa natural e eficaz no tratamento de feridas, como também valoriza o conhecimento tradicional sobre plantas medicinais.

O turismo de conservação integrado a projetos de pesquisa: o ecovoluntariado no Projeto Lontra

Carolina Rios da Silva | Débora Aroeira Muller | Marcelo Antônio Tosatti

Ponente: Carolina Rios da Silva, carolriosvet@gmail.com

RESUMEN: Fundado em 1986, o Projeto Lontra inicialmente tinha suas ações concentradas no monitoramento das populações de *Lontra longicaudis* na região da Lagoa do Peri, na Ilha de Santa Catarina (Florianópolis), e a partir de 2002 foi iniciado o programa de ecovoluntariado, que contribuiu para a expansão do projeto e até hoje é uma importante ferramenta da organização. Essa modalidade, uma subcategoria de turismo de conservação, permite que ecovoluntários do Brasil e do exterior tenham a oportunidade de integrar a equipe do Projeto Lontra ao mesmo tempo em que realizam atividades turísticas. A atuação direta dos turistas em tarefas como a monitoração de animais de vida livre e o manejo dos espécimes mantidos sob cuidados humanos otimiza a capacidade da equipe. Além da colaboração prática, os ecovoluntários também desempenham um papel importante no engajamento do projeto. Ademais, o turismo de conservação gera recursos financeiros importantes para a sustentabilidade do projeto de pesquisa e impactos positivos nas comunidades locais. Ao integrar moradores dos arredores em atividades como hospedagem, alimentação, lazer e produção de artesanato, o Projeto Lontra fortalece a economia local e incentiva a geração de empregos e a valorização do patrimônio natural e cultural. Desde 2002 o Projeto recebeu cerca de 1320 ecovoluntários brasileiros e 980 ecovoluntários internacionais. Atualmente, além da expansão da atuação para outras regiões do Brasil, o projeto também incluiu outros animais da família Mustelidae, como as iraras (*Eira barbara*) e os furões (*Galictis cuja*), em suas pesquisas e ações de conservação. Essa expansão foi facilitada pela integração do ecovoluntariado e hoje o Projeto Lontra é considerado uma referência em educação ambiental e turismo de conservação, possuindo parcerias com agências de turismo nacionais e internacionais, e ampliando continuamente sua estrutura e alcance científico.

Fauna silvestre como portadora de bacterias resistentes a fluoroquinolonas: Estudio en un Centro de Rehabilitación de Chile

Valentina Sepúlveda Chávez | Valentina Aravena | Edhnita Inostroza | Fredy Riquelme | Paula Aravena | Danny Fuentes-Castillo

Ponente: Valentina Sepúlveda Chávez, valentina.antonia8991@gmail.com

RESUMEN: La resistencia antimicrobiana representa una amenaza creciente para la salud pública global. La detección de bacterias resistentes en fauna silvestre ha generado interés por su rol potencial como reservorios y/o diseminadores de genes de resistencia. Las fluoroquinolonas, una clase de antibióticos de uso frecuente en medicina humana y veterinaria, actualmente están catalogadas como antimicrobianos de importancia critica según la OMS y OMSA. Su uso extensivo ha generado una elevada presión selectiva, favoreciendo la aparición de cepas resistentes y reduciendo las opciones terapéuticas disponibles. El presente estudio tuvo como objetivo detectar la presencia de Enterobacterales resistentes a fluoroquinolonas (ERF) en animales ingresados en un Centro de Rehabilitación de fauna silvestre en Chile. El primer semestre del año 2022 se recolectaron muestras cloacales y rectales de 82 aves y 14 mamíferos, las cuales se cultivaron en agar MacConkey suplementado con enrofloxacino, las cepas que crecieron fueron analizadas mediante pruebas de difusión en disco para antibióticos de uso humano y veterinario. Además, se realizó secuenciación genómica para la identificación de genes de resistencia, virulencia y secuenciotipo. Se aislaron cuatro cepas de *Escherichia coli* resistentes a fluoroquinolonas, dos de ellas multirresistentes. El análisis genómico reveló que la resistencia estaba asociada a la presencia de mutaciones en las regiones determinantes de resistencia a quinolonas (Genes *gyrA*, *gyrB, parC* y *parE*). Además, el estudio del viruloma permitió clasificar a las cepas M4 y B46 como *E. coli* patógenas extraintestinal. La tipificación por secuenciación multilocus identificó los linajes ST58, ST744, ST1193 y ST2448 de relevancia clínica y distribución internacional en la interfaz humano-animal-ambiente. Estos hallazgos evidencian la circulación de ERF entre fauna silvestre y resaltan la necesidad de desarrollar estrategias de monitoreo y control que integren a los animales silvestres dentro de los programas de acción contra la resistencia antimicrobiana, bajo un completo enfoque de One health.

Alterações morfológicas eritrocitárias em ofídios de vida livre parasitados naturalmente por *Hepatozoon* spp. no Estado do Acre - Amazônia Ocidental

Jéssica Alves Marques | Isabele de Oliveira Souza | Giovanna Stramandinoli Correa Esteves | Wenderson Samuel Alves da Costa | Pedro Henrique Rodrigues dos Santos | Alexandro Teixeira Rodrigues | Andesson de Souza Oliveira | Jhonatan Henrique Lima da Rocha | Moisés Barbosa de Souza | Francisco Glauco de Araújo Santos

Ponente: Pedro Henrique Rodrigues dos Santos, pe919046@gmail.com

RESUMEN: O gênero *Hepatozoon* spp. compreende aos hematozoários heteróxenos, pertencentes ao filo Apicomplexa; família Hepatozoidae que parasitam anfíbios, répteis, aves e mamíferos, sendo estes considerados hospedeiros intermediários. No Brasil, há pesquisas sobre a ocorrência de *Hepatozoon* spp. em ofídios, mas há poucos registros sobre as características hematológicas da infecção por *Hepatozoon* spp. em ofídios de vida livre do Bioma Amazônico. A parasitemia por *Hepatozoon* spp. nos ofídios pode ser classificada como: baixa (quando se registra a frequência de 01 gamonte a cada dois ou três campos), intermediaria (entre 01 a 03 gamontes por campo) e elevada (acima de 03 gamontes por campo). A patogenicidade da infecção em ofídios geralmente é baixa, mesmo em casos de parasitemia elevada, entretanto, o verdadeiro impacto fisiológico da parasitemia nesses animais ainda não é completamente compreendido. O objetivo deste trabalho foi investigar alterações morfológicas eritrocitárias em ofídios parasitados naturalmente por *Hepatozoon* spp. Realizou-se colheita sanguina de dez serpentes de vida livre das famílias Boidae e Viperidae capturadas no estado Acre, entre julho de 2023 e março de 2025. Para a análise das alterações morfológicas e grau parasitemia, confeccionou-se esfregaços sanguíneos que foram analisados em microscopia óptica, levando-se em consideração a mensuração dos eritrócitos não parasitados, eritrócitos parasitados e dos gamontes intraeritrocitários. Registrou-se parasitemia leve, média e forte. Dentre as alterações morfológicas em eritrócitos com gamontes de *Hepatozoon* spp, observou-se principalmente mudança na anatomia e deslocamento do núcleo. Consequentemente, essas alterações afetam a capacidade de carrear oxigênio, perda de hemoglobina, e em alguns casos, pode ocorrer rompimento do eritrócito parasitado. Duas espécies com parasitemia forte apresentaram anemia, anorexia e evoluíram para o óbito. Estudos moleculares estão em andamento para identificação taxonômica das amostras positivas, pois a semelhança entre gamontes de diversas espécies de hepatozoon torna a morfologia e morfometria insuficientes para caracterização de espécie.

Caracterização morfométrica de eritrócitos de serpentes da família Boidae da Amazônia Brasileira

Isabele de Oliveira Souza | Jessica Alves Marques | Giovanna Stramandinoli Correa Esteves | Cyntia do Nascimento Costa | Moisés Barbosa de Souza | Francisco Glauco de Araújo Santos

Ponente: Isabele de Oliveira Souza, isabeleoliveeira1@gmail.com

RESUMEN: A família Boidae compreende serpentes não peçonhentas amplamente distribuídas na América do Sul, com relevante papel ecológico. Apesar de sua importância, há escassez de estudos sobre as alterações hematológicas nestas espécies, embora essa avaliação constitua uma ferramenta essencial na medicina de répteis, permitindo o monitoramento do estado fisiológico e a identificação de distúrbios patológicos. O presente estudo teve como objetivo descrever parâmetros morfométricos de eritrócitos de serpentes da família Boidae, visando contribuir para a definição de padrões hematológicos de normalidade. Foram analisadas extensões sanguíneas de cinco espécimes adultos de vida livre, clinicamente saudáveis, sem evidências externas de enfermidades, escore corporal adequado e ausência de parasitos. As amostras foram coletadas em Rio Branco, Acre, e incluíram duas *Boa constrictor*, uma *Corallus hortulanus* e duas *Eunectes murinus*. As lâminas foram coradas em panótico rápido, sendo analisadas por microscopia óptica com objetiva de imersão (100x). As imagens foram capturadas com câmera digital acoplada ao microscópio e analisadas com o software LAS EZ®. Para cada animal, foram mensurados 15 eritrócitos, totalizando 65 células. As variáveis avaliadas foram: diâmetro celular maior (DCMa), diâmetro celular menor (DCMe), diâmetro nuclear maior (DNMa) e diâmetro nuclear menor (DNMe). Os eritrócitos apresentaram morfologia elipsoidal, citoplasma eosinofílico e núcleo alinhado ao maior eixo celular. Os valores médios obtidos foram: DCMa de 17,52 µm, DCMe de 9,34 µm, DNMa de 5,87 µm e DNMe de 3,79 µm. Conclui-se que os dados hematológicos obtidos representam contribuição inicial para a definição de valores de referência em serpentes da família Boidae, auxiliando na distinção entre condições fisiológicas e patológicas. Destaca-se, contudo, a necessidade de estudos complementares com amostras mais robustas para validação dos achados e identificação de possíveis variações interespecíficas.

Análise microbiológica comparativa entre Botos-do-Araguaia (*Inia araguaiaensis*) capturados em região antropizada e área de reserva ecológica

Beatriz Rodrigues Takeda | Aricia Duarte-Benvenuto | Daniela M. D. de Melo | Vera M. F. da Silva | Waleska Gravena | Fernanda Borges Barbosa | Gabriel Gandolfi | Victoria Galdino Pavlenco Rocha | Terezinha Knobl | José Luiz Catão Dias

Ponente: Beatriz Rodrigues Takeda, biatakeda@usp.br

RESUMEN: O boto-do-araguaia (*Inia araguaiaensis*) é uma espécie de golfinho-fluvial endêmica da Bacia do Rio Tocantins-Araguaia que está sob ameaça de extinção devido a ações antropogênicas. Visto as características do habitat em que a espécie é distribuída, são necessários estudos para compreender a consequência da ação antrópica nessas populações, como o efeito microbiológico resultante dessa proximidade humana. Para realização do projeto, 24 indivíduos de *I. araguaiaensis* foram capturados e liberados no Parque Estadual do Cantão, no Tocantins (reserva ecológica, n=10) e em Luiz Alvez, em Goiás (região antropizada, n=14) para coleta swabs respiratório e anal para avaliação microbiológica. O cultivo bacteriano foi feito em Ágar MacConkey e Triptona de Soja (TSA) e as colônias foram identificadas pela espectrometria de massa (MALDI-TOF). Nas amostras coletadas no Cantão, os resultados do trato respiratório revelaram a presença de 18 isolados, sendo *Pseudomonas* sp. (05/18), *Escherichia coli* (02/18) e *Enterobacter* sp. (02/18); e nos swabs anais um total de 22 isolados, sendo *Pseudomonas* sp. (10/22), *Escherichia coli* (04/22), *Enterobacter* sp. (04/22) e *Proteus* sp. (02/22). Nos botos coletados em Luiz Alvez, foi identificada a presença de 31 isolados em trato respiratório, incluindo *Pseudomonas* sp. (08/31), *Delftia* sp. (04/31), *Bacillus* sp. (03/31), *Escherichia coli* (02/31), *Achromobacter* sp. (02/31) e *Stenotrophomonas* sp. (01/31); e em swab anal, um total de 25 isolados, incluindo *Pseudomonas* sp. (10/25), *Aeromonas* sp. (04/25), *Bacillus* sp. (05/25) e *Stenotrophomonas* sp. (01/25). A identificação bacteriana é de suma importância para compreender os desafios que as populações enfrentam, e o conhecimento da microbiota dessa espécie é extremamente limitado. Ademais, a presença de bactérias com alto potencial de resistência antimicrobiana como *Pseudomonas* sp. e *Stenotrophomonas* sp. é um alerta para a necessidade de estudos futuros, principalmente em áreas de mais antropizadas.

Ectoparasitos em mamíferos silvestres e domésticos na Terra Indígena Xakriabá: existe relação?

Yasmin Maia Peixoto | Raquel Rodrigues Moutinho | Júlia Angélica Gonçalves da Silveira | Camila Stefanie Fonseca de Oliveira | Camila Valgas Bastos | Marcelo Pires Nogueira Carvalho | Lucas Belchior Souza de Oliveira | Andressa de Oliveira Silva

Ponente: Yasmin Maia Peixoto, yasminmaia766@gmail.com

RESUMEN: A presença de ectoparasitos em animais de aldeias indígenas representa um importante foco de estudo, tanto por questões associadas à Saúde Única, quanto nos aspectos ecológicos vinculados à distribuição e interação das espécies. Desta forma, objetiva-se descrever a relação entre ectoparasitos encontrados em mamíferos domésticos e silvestres na Terra Indígena Xakriabá (TIX), Minas Gerais, Brasil. As coletas e análises foram realizadas entre 2023 e 2025, no período chuvoso, de forma simultânea em ambas as populações animais. Animais domésticos foram atendidos em quatro aldeias, e, nestes mesmos locais, roedores e marsupiais foram capturados com armadilhas Tomahawk, em duas campanhas quinzenais. Foram atendidos 124 mamíferos domésticos, com 54% infestados (80% cães, 12% equinos, 8% suínos). Observou-se 78% dos cães infestados por carrapatos (Ca) (*Rhipicephalus linnaei*), piolhos (Pi) 11% (*Heterodoxus spiniger*), e pulgas (Pu) 11% (*Ctenocephalides felis felis*), observou apenas Ca em equinos (*Dermacentor nitens*, *R. microplus*, *Amblyomma sculptum*), e, apenas Pi nos suínos (*Haematopinus suis*). Em relação a fauna silvestre, foram capturados 24 animais, sendo 79% roedores (*Thrichomys apereoides*, *Calomys* spp.), e 21% marsupiais (*Monodelphis domestica*). Dentre os roedores, 95% estavam infestados, sendo 48% por ácaros (Ac) (*Laepalus nuttali*), 36% por Pi (*Gliricola* spp., *H. spiniger*, *Polyplax spinulosa*), 10% por Ca (*Amblyomma pacae*), e, 6% por Pu (*C. felis felis*). Dentre os marsupiais, 60% estavam infestados, sendo 67% por Ac (*L. nuttali*), 17% por larva de díptero (Di) (*Dermatobia* spp.), e 17% por Pi (*C. felis felis*). Foi observado parasitismo comum por pulgas e piolhos entre animais domésticos e silvestres em duas aldeias. Carrapatos e pulgas foram mais frequentes nos domésticos, enquanto ácaros predominaram nos silvestres ($p<0,05$). Os achados reforçam a importância do monitoramento integrado entre saúde única, conservação e ecologia em comunidades tradicionais que considerem as complexidades dessas interações.

Análisis de causas de ingresos en fauna silvestre del CRFS-UdeC durante el período 2024-2025

Gabriel Ramírez Vasquez | Florencia Cerda Garrido | Fernanda Venegas Rojas | Arantza Moreno Catalan | Francisca Jiménez Alarcón | Sayen Piña Oliva | Byron Lastra | Claudia Vargas Vielma | Consuelo Villegas Campos | Matías Godoy Chávez | Maria Jesús Segovia Pereira | Angeles Pavez Sepúlveda | Bastián Albornoz Albornoz | Paula Aravena Bustos

Ponente: Gabriel Ramírez Vasquez, garamirez2023@udec.cl

RESUMEN: El Centro de Rehabilitación de Fauna Silvestre de la Universidad de Concepción Campus Chillán (CRFS-UdeC) brinda atención a cientos de pacientes cada año. Se desconocen las principales amenazas que los animales enfrentan en la zona centro sur de Chile. Este estudio describe, categoriza y analiza las causas de ingreso de fauna al CRFS-UdeC durante el periodo comprendido entre enero de 2024 a abril de 2025. A partir de la base de datos se consideraron los siguientes criterios: causal de ingreso, especie y evolución clínica. Se analizó un total de 406 casos (293 de 2024 y 113 de 2025), de los cuales: 23,65% presentó alteraciones de vuelo, 17,24% orfandad, 13,30% ingresaron por ataque de animal doméstico, 12,81% trauma de causa desconocida, 2,96% atropello, 2,46% enfermedad infecciosa, 2,22% tenencia ilegal, 0,99% incendio y 18,97% otras causas. Es relevante considerar que un 5,42% ingresaron ya fallecidos. Durante el período analizado, el 81,03% de los ingresos correspondieron a aves, principalmente del orden Strigiformes; seguido por mamíferos con un 18,47%, con predominancia en el orden Carnivora y reptiles con un 0,49%, registrándose además datos específicos por especie dentro de cada grupo. En cuanto a la evolución y/o desenlace clínico el 46,80% de los pacientes fallecieron dada la gravedad de sus afecciones, el 24,63% fueron sometidos a eutanasia clínica, el 11,33% fueron rehabilitados y liberados, 5,91% fue trasladado a tenedores de fauna silvestre autorizados por el Servicio Agrícola y Ganadero (SAG) y un 5,91% continúa en proceso de rehabilitación en el CRFS-UdeC. El análisis de los ingresos al CRFS-UdeC demuestra un alto porcentaje (32,27%) asociado a impacto antrópico directo, con un 84,73% de afectación sobre las aves. Estos resultados destacan la necesidad de mejores estrategias de conservación y educación ambiental a la población.

Caracterização histomorfológica de fungos invasivos em rins de quirópteros da Amazônia Brasileira

Jhonatan Henrique Lima da Rocha | Maquilene Lima do Nascimento | Mário de Oliveira Magalhães | Tamyres Izarelly Barbosa da Silva | Francisco Glauco de Araújo Santos

Ponente: Jhonatan Henrique Lima da Rocha, jhonatan.lug@gmail.com

RESUMEN: Os quirópteros compreendem a segunda maior ordem de mamíferos e o Brasil abriga uma das maiores biodiversidades mundo. Os morcegos exercem funções ecológicas fundamentais para o equilíbrio dos mais variados ecossistemas. No entanto, vale ressaltar que esses animais também estão envolvidos no ciclo ecoepidemiológico de diversas zoonoses e podem atuar como importantes reservatórios e amplificadores de microrganismos patogênicos, como alguns fungos. A emergência e reemergência de infecções fúngicas invasivas em humanos e animais deve ser controlada e monitorada, minimizando impactos na saúde única. Assim, objetivou-se com este estudo caracterizar histomorfologicamente fungos invasivos em rins de quirópteros do Acre, Amazônia Brasileira. Foram analisados 50 rins de morcegos pertencentes ao acervo de materiais congelados do Laboratório de Patologia e Vida Silvestre. As amostras foram submetidas a processamento histopatológico convencional e colorações histoquímicas. A identificação das estruturas fúngicas presentes no tecido renal foram baseadas em chaves de identificação e levou em consideração os aspectos histomorfológicos das leveduras no tecido, número e fixação dos brotamentos, espessura da parede, número de núcleos e presença ou ausência de pseudohifas além da presença de infiltrado inflamatório ou reações granulomatosas. Em 24% (12/50) das amostras apresentou algum tipo de estrutura fúngica e cerca de 66,67% (8/12) dos achados eram compatíveis morfologicamente com *Cryptococcus* spp., 33,33% (4/12) com *Histoplasma* spp. e 33,33% (4/12) com *Candida* spp. Os três gêneros de fungos detectados estão classificados como patógenos prioritários pela Organização Mundial da Saúde. Estudos moleculares encontram-se em andamento para a confirmação dos espécimes, uma vez que o diagnóstico histopatológico é um teste presuntivo e complementar. Assim, os achados desse estudo evidenciam a participação dos morcegos como importantes reservatórios de diferentes espécimes de fungos patogênicos e enfatiza a importância da pesquisa e vigilância epidemiológica ativa de agentes zoonóticos negligenciados em animais silvestres no bioma amazônico.

Habitat use and pathogens diversity in wild white-lipped peccary (*Tayassu pecari*) from the Osa Peninsula (Costa Rica)

Esteve Mesén-Porras | Paloma Alcázar | Jorge Rojas | Andrés Moreira-Soto | Felix Drexler | Max Chavarría | Andrea Chaves

Ponente: Andrea Chaves, direccion_cenibiot@cenat.ac.cr

RESUMEN: Interface zones between wildlife habitats and human-inhabited or utilized landscapes represent critical hotspots for the bidirectional transmission of zoonotic diseases, as they facilitate close interactions among wildlife, domestic animals, and humans. This study investigated habitat use and the presence of zoonotic pathogens in a subpopulation of white lipped peccaries (*Tayassu pecari*) on the Osa Peninsula, Costa Rica. Field observations documented frequent use of the buffer zone of Corcovado National Park, particularly in the community of Rancho Quemado, where peccaries were regularly observed sharing agroproductive landscapes with domestic animals. This spatial overlap increases the potential for cross-species transmission of infectious agents. Molecular analyses were conducted on 88 individual fecal samples, revealing that 26% tested positive for Influenza A virus using RT-PCR. Additionally, metatranscriptomic analysis identified a wide array of microorganisms with zoonotic potential, including viruses (*Alphainfluenzavirus, Rhabdovirus, Parvovirus*), bacteria (*Salmonella, Brucella, Leptospira*), and eukaryotic pathogens (*Cryptosporidium, Giardia, Candida*). This is the first report describing the gut microbiota and presence of zoonotic agents in *T. pecari* in Costa Rica. These findings suggest that the species may serve as a reservoir or sentinel for emerging infectious diseases, especially in tropical forest ecosystems undergoing land-use change. In response, and through collaborative efforts with the local community, a One Health-based action plan was co-designed and implemented. The plan emphasizes coexistence and disease risk reduction through education, improved livestock management, and sustainable practices to limit wildlife–livestock–human interactions. Community participation was central to ensuring culturally appropriate and ecologically sound interventions. It highlights the urgent need for transdisciplinary surveillance and adaptive landscape management in biodiversity-rich areas like the Osa Peninsula, where anthropogenic pressures increase the likelihood of zoonotic disease emergence and spillover.

Diversidad parasitaria de *Alouatta guariba guariba* en dos fragmentos forestales con diferentes métricas en el Centro Sur de Bahía, Brasil: un estudio preliminar

Mariana Soares da Silva | Victoria Fernandes Soares | William Padilha Lemes | Danilo Simonini Teixeira | Artur Kanadani Campos | Felipe Ennes Silva

Ponente: Mariana Soares da Silva, mssilva.mmev@uesc.br

RESUMEN: El mono aullador pardo del norte (*Alouatta guariba guariba*) es un primate endémico de la Mata Atlántica brasileña, categorizado como “En Peligro Crítico” según la evaluación global de la UICN. Las principales amenazas incluyen la caza, enfermedades emergentes y la fragmentación del hábitat, que impactan directamente en el aislamiento poblacional y aumentan la susceptibilidad a enfermedades. Esta subespecie posee una distribución geográfica restringida y no existen estudios sobre la dinámica del parasitismo en sus poblaciones. Nuestro objetivo fue comparar la diversidad parasitaria entre dos fragmentos forestales, correlacionando métricas como tamaño, aislamiento y variación de forma. Los fragmentos estudiados se encuentran en los municipios de Itapetinga (FRAG 1) y Encruzilhada (FRAG 2), ambos en el Centro-Sur de Bahía, Brasil. Las muestras fueron recolectadas frescas en pool, directamente del suelo, y almacenadas en formol al 10% para análisis coproparasitológicos cualitativos mediante técnicas de sedimentación y flotación. Para cada técnica se prepararon tres láminas por muestra. Los resultados fueron comparados y relacionados con las métricas de los fragmentos, calculadas mediante QGIS y RStudio. En el FRAG 1 se encontraron estructuras parasitarias de las clases Cestoda y Archamoeba, compatibles con las familias Anoplocephalidae y Entamoebidae, respectivamente; este fragmento presentó mayor área (224,75 ha), menor aislamiento y menor variación de forma. En el FRAG 2 se identificaron estructuras de Archamoeba, familia Entamoebidae; posee menor área (19,54 ha), mayor aislamiento, mayor variación de forma y está sometido a mayor presión ganadera. Observamos mayor diversidad en el FRAG 1 respecto al FRAG 2, donde solo se identificaron protozoarios. Las diferencias descriptivas en la diversidad parasitaria sugieren una posible influencia de las métricas de los fragmentos. Estos resultados preliminares indican la necesidad de ampliar el estudio para comprender cómo el paisaje puede influir en la dinámica del parasitismo en estos primates a largo plazo.

La asociación entre la fragmentación del paisaje y la presencia de Enterobacterales resistentes a cefalosporinas de 1° generación en roedores silvestres de las regiones de Los Rios y Los Lagos en el Sur de Chile

Nicolas Hormazabal | Danny Fuentes | Gerardo Acosta | Natalia Castro | Claudio Verdugo | Cristobal Verdugo

Ponente: Cristobal Verdugo, cristobal.verdugo@uach.cl

RESUMEN: La resistencia antimicrobiana (RAM) es un problema en salud pública y animal, debido a las fallas terapéuticas en el tratamiento de enfermedades infecciosas. A nivel ambiental, la RAM es un fenómeno multifactorial, impulsada por el uso inadecuado de antimicrobianos en la ganadería, así como por la contaminación desde centros urbanos (residuos de antimicrobianos, detergentes, desinfectantes, etc.) y otras actividades productivas. El bosque nativo del sur de Chile es uno de los paisajes más fragmentados del país, el cual ha sido principalmente reemplazado por pasturas, para sustentar la ganadería. La fragmentación fomenta la interacción entre especies silvestres y domesticas con el consecuente riesgo de transmisión de agentes patógenos entre ellos. En las lecherías, las cefalosporinas de 1ra generación (Ce1°g) se usan regularmente como tratamiento preventivo (terapia de secado). Por lo existe un riesgo de seleccionar bacterias resistentes (BR) a este antimicrobiano en estos sistemas. Simultáneamente, producto del mayor contacto entre especies existe el riesgo que bacterias resistentes sean movilizadas desde las lecherías hacia ambientes silvestre. Nuestro objetivo fue determinar la asociación entre la presencia de BR a Ce1°g y la fragmentación del hábitat en roedores silvestres de las regiones de Los Ríos y Los Lagos. Se seleccionaron aleatoriamente 98 puntos cubriendo diferentes niveles de fragmentación. En cada punto, se utilizaron 150 trampas Sherman durante dos noches. Se recolectaron heces frescas de los individuos capturados, siendo cultivadas en agar McConkey suplementado con cefazolina. Se evaluó la presencia de agrupamientos espaciales utilizando estadísticas scan y se evaluó la asociación entre la presencia de BR y variables ambientales mediante un modelo de regresión logística multivariada. Se obtuvieron 301 muestras donde el 28.6% presento Enterobacterales resistentes. Se observaron tres agrupamientos espaciales, pero no fueron estadísticamente significativos. Por otro lado, la cobertura de tierra agrícola estuvo significativamente asociada a la presencia de BR en roedores silvestres.

Viral Surveillance in Wild Bats from an Urban Forest Fragment in Minas Gerais, Brazil

Yasmin Cerqueira e Silva | Leonardo Pereira de Alcântara | Nícolas Colácio | Bruna Hermine de Campos | Thaís Larissa Lourenço Castanheira | Lucas Belchior Souza de Oliveira | Mariana Perpétuo Dias | Érica Azevedo Costa | Marcelo Pires Nogueira de Carvalho

Ponente: Nícolas Colácio, nicocolacio@gmail.com

RESUMEN: Bats are essential for ecological balance but also serve as significant reservoirs of zoonotic pathogens. Besides being primary reservoirs of *Lyssavirus rabies,* the causative agent of rabies, they can harbor distinct forms of *Alphainfluenzavirus influenzae* (IAV), responsible for Influenza A. Data on the presence of these agents in asymptomatic wild bats and their role in disease transmission remain limited. This study aimed to evaluate the prevalence of *Lyssavirus rabies* and IAV using RT-qPCR technique in bats captured on the Pampulha campus of UFMG. Bats were captured with mist nets, followed by oropharyngeal swab collection, banding, and release at the capture site. Viral detection was performed using commercial RT-qPCR kits and established protocols, with results confirmed by Sanger sequencing of the amplicons. A total of 88 bats were captured between October 2022 and December 2023. Two bats tested positive for *Lyssavirus*, with Cycle Threshold (Ct) values of 15.990 and 15.500, confirmed by Sanger sequencing, indicating a prevalence of 2.27% (2/88). These findings have not yet been verified by municipal zoonosis surveillance authorities. Additionally, IAV was detected in four bats with Ct values of 13.254, 38.650, 39.908, and 37.188. Despite the high Ct values, these were considered indicative of infection due to limited knowledge about viral behavior in asymptomatic bats. Sanger sequencing confirmed the presence of viral RNA, indicating a prevalence of 4.55% (4/88). None of the bats exhibited clinical signs of disease. This study highlights the complex relationship between the absence of clinical signs and the persistence of viral agents transmitted by bats in urban and peri-urban environments. It contributes to understanding the behavior of these viruses within similar contexts and underscores the importance of active surveillance to estimate the prevalence of rabies and IAV in asymptomatic bats at risk areas.

Achados anatomopatológicos da infecção por *Chlamydia* spp. em jararaca (*Bothrops jararaca*)

Pedro Almeida Rezende | Camila Issa Amaral | Tânia de Freitas Raso | Maria Catalina Ospina-Pinto | Rômulo Antonio Righi de Toledo | Juliana Araújo Gomes Cabral | Rafael Batista Pereira | Marcelo Pires Nogueira de Carvalho | Roselene Ecco

Ponente: Camila Issa Amaral, camila.issa12@gmail.com

RESUMEN: *Chlamydiae* são bactérias gram-negativas e intracelulares obrigatórias que infectam ampla variedade de hospedeiros. Recentemente, algumas espécies têm sido relatadas em serpentes, como *Chlamydia pneumoniae* e a *Chlamydia serpentis*. A clamidiose em serpentes pode ocorrer na ausência de sinais clínicos, o que dificulta o diagnóstico e contribui com a disseminação do patógeno. Uma jararaca (*Bothrops jararaca*), fêmea, adulta, oriunda de vida livre e direcionada à Fundação Ezequiel Dias (FUNED), foi encontrada morta em seu recinto. O animal foi encaminhado ao Setor de Patologia Veterinária da Universidade Federal de Minas Gerais para exame post mortem. Macroscopicamente, o fígado estava moderadamente aumentado, com áreas multifocais a coalescentes vermelho-pálidas subcapsulares e no parênquima. Amostras de todos os órgãos foram fixadas em formalina tamponada 10% e processadas rotineiramente para histopatologia. Microscopicamente, havia hepatite e ooforite granulomatosas e necróticas multifocais a coalescentes acentuadas. No interior de múltiplos macrófagos havia bactérias anfofílicas, granulares e cocoides, evidenciadas em azul-púrpura pela coloração de Giemsa (sugestivo de *Chlamydia* spp.). Para identificar o patógeno, o DNA foi extraído do tecido hepático parafinizado e o gene conservado 23S rRNA foi amplificado por PCR, o que confirmou a infecção por *Chlamydia* spp. *C. pneumoniae* é considerada o agente de clamidiose mais comum em répteis, o que ressalta a importância de atenção à interface entre humanos e serpentes, especialmente diante do crescimento da criação responsável desses animais como pets. Em humanos, este agente está associado a doenças respiratórias, sendo causa frequente de pneumonia adquirida na comunidade em crianças e adultos jovens. A detecção de *Chlamydia* spp. em serpentes sem sinais clínicos representa um risco à conservação, pois indivíduos infectados podem atuar como hospedeiros disseminadores do patógeno no ambiente. São necessários mais estudos para avaliar a diversidade e o impacto das infecções por Chlamydiaceae na saúde destes animais.

Histopathological Findings in Lungs of Road-Killed Opossums in Londrina and Surrounding Areas

Victor Hugo Brunaldi Marutani | Kamila Corti Mira Enande | Beatriz Caroline Turini | Ana Paula Frederico Rodrigues Loureiro Bracarense

Ponente: Victor Hugo Brunaldi Marutani, victor.marutani@uel.br

RESUMEN: Vehicle-wildlife collisions are a significant cause of mortality for species within Brazilian biodiversity, especially in urbanized areas. The genus *Didelphis* spp. is frequently impacted by this threat. Histopathological evaluation of these animals' lungs aids in identifying lesion patterns and relationships between trauma and pre-existing health conditions prior to collisions. For this study, autopsies were performed on opossums road-killed in Londrina and northern Paraná between 2017 and 2024. Lung fragments were collected, fixed in 10% formalin, routinely processed for paraffin embedding, stained with hematoxylin and eosin (H&E), and microscopically analyzed. Among 29 animals, the main findings were interstitial pneumonia (75.9%), arteriole muscular layer hypertrophy (72.4%), bronchus-associated lymphoid tissue (BALT) hyperplasia (65.5%), hemorrhage (62.1%), congestion (62.1%), peribronchiolar gland hyperplasia (62.1%), eosinophilic inflammatory infiltrate (37.9%), parasitosis (31%), interstitial bronchopneumonia (24.1%), and pulmonary edema (20.7%). Most animals exhibited chronic or subacute inflammatory processes, potentially exacerbated by secondary infections or post-collision conditions. The results suggest that, in addition to acute trauma from vehicle impact, many opossums had pre-existing respiratory diseases. Clinically compromised individuals may be more vulnerable to vehicular accidents, highlighting the need for ongoing studies to deepen knowledge of wildlife health. This aims to determine mitigation measures and support species conservation.

Investigação de microfilárias em Quatis (*Nasua nasua*) de vida livre na região de Botucatu, SP.

Ricardo Shoiti Ichikawa | Anna Luisa Pizzaia Henrique | Katia Jaggi | Jaqueline Tamara Bonavina | Ana Beatriz Portes Gonçalves | Bruno Oliani de Risso | Mylena Oliveira Miranda | João Sérgio Lima Nunes | Paolla Nicole Franco | Mayara de Melo | Gabriel Correa de Camargo | Benedito Donizete Menozzi | Sheila Canevese Rahal | Felipe Fornazari

Ponente: Ricardo Shoiti Ichikawa,ricardo.ichikawa@unesp.br

RESUMEN: Microfilárias são infecções parasitárias causadas por nematoides da superfamília Filarioidea , cujas formas larvais, chamadas microfilárias, circulam no sangue periférico ou se localizam nos hospedeiros. Em animais selvagens, essas infecções estão sendo cada vez mais relatadas, despertando interesse tanto pela sua relevância para a saúde da fauna quanto pelo potencial zoonótico de algumas espécies. Neste estudo, vários tatus de vida livre (*Nasua nasua*) foram capturados na região de Botucatu, São Paulo, utilizando seis tatus do tipo Tomahawk, durante dois dias de esforço de campo. Foram capturados novos animais, que foram retirados das armadilhas com o auxílio de puçás e submetidos à contenção química com associação de cetamina (7 mg/kg) e midazolam (0,5 mg/kg). Após a sedação, amostras de sangue total são coletadas em tubos com EDTA. Dentre as nove amostras analisadas, microfilárias foram detectadas em quatro pela técnica da gota espessa e em outras três pela coloração panótica em esfregaço sanguíneo. Além disso, também incluímos na análise dois animais encaminhados ao Centro de Medicina e Pesquisa em Animalis Selvagens (CEMPAS/Unesp Botucatu) após óbito. Uma das formas adultas do parasita estava presente na região subcutânea, evidenciada durante necropsia, ocasião em que o parasita foi dificilmente identificado como um membro da família Onchocercidae. No total, dos 11 animais testados, 73% apresentaram resultados positivos para a presença de microfilárias, indicando alta incidência de parasitas na população estudada. Esses achados estão em consonância com outros trabalhos que também relatam a presença de microfilárias em quatis em diferentes regiões do Brasil, sugerindo que a infecção pode estar amplamente distribuída entre populações desta espécie. Os resultados reforçam a necessidade de estudos complementares para identificar as espécies envolvidas.

Associated injuries of a porcupine (*Coendou spinosus*) killed by a forest fire in a periurban region of São Paulo, Brazil: case report

Ticiana Zwarg | Melissa Prosperi | Alex J. S. de Souza | Aline Hora | Lilian Rose Marques de Sá

Ponente: Lilian Rose Marques de Sá, liliansa@usp.br

RESUMEN: The intensification of neotropical forest fires associated with human actions and climate and environmental changes threatens ecosystems and biodiversity. The behavior of species and clinical recognition of injuries related to forest fires can assist in medical and rehabilitation efforts. The aim was to point out the systemic lesions in the fatal victim of a forest fire. In 2021, a fire occurred in the Juquery State Park, São Paulo, Brazil, after a balloon crashed. A porcupine (*Coendou spinosus*) was found near the fire focus and was rescued, but it died a few hours after admission. At gross, the body fur was singed, twisted, and brownish. On the skin of the face, there was slight erythema. There was 20 mL of serous fluid in the abdominal cavity. The lungs were reddish, with draining foam upon cut. Histopathological examination revealed marked acute pulmonary edema, moderate deposition of carbon pigments, mild hemorrhage, and marked congestion. There was a discrete amount of red blood cells in the tracheal lumen and discrete vacuolization in the epithelium. There was discrete vacuolar degeneration in hepatocytes of zones periportal and mild lobular, with individual hepatocyte necrosis. The kidney showed degeneration, tubular necrosis, and protein loss in glomeruli and tubules. Morphological findings were consistent with those described in other animals that died in the fire. Here, cardiorespiratory and metabolic alterations were the most significant and responsible for the death of the animal. The findings highlighted that clinicians should focus on supporting cardiorespiratory function, metabolic changes, and the visible burns. The necropsy of any animal that has been the victim of a forest fire should always be encouraged, as it can help to clarify the events that occurred and to develop intensive therapy protocols, reducing the loss of life and aiding in the rehabilitation measures.

Detection of Alphaherpesviruses in the Trigeminal Ganglia of Neotropical Primates

Lin Zhou | Fernando Vilchez-Delgado | A. Patricia Mendoza | Leticia Escobar | Renato Colan | Shannon O'Connor | Talledo Albújar Michael | Marieke H. Rosenbaum

Ponente: Lin Zhou, Lin.Zhou@tufts.edu

RESUMEN: Herpes Simplex Virus 1 (HSV-1) is an alphaherpesvirus that generally causes mild infection in humans during an initial lytic phase followed by establishment of latency in the trigeminal ganglia (TG). Neotropical primates (NP) can contract HSV-1 and clinical signs range from asymptomatic to severe disease and death. It is currently unknown if alphaherpesviruses can establish latency in the TG of NP following natural infection, though this has been observed in Cebus albifrons monkeys following experimental infection. The goal of this study was to investigate the presence of alphaherpesviruses in the TG and oral swabs collected from NP following natural infection and compare herpesvirus detection between sample types. 33 NP recovered from wildlife trafficking, an activity that facilitates frequent close contact between humans and NP, were sampled in Lima, Peru. Samples were tested for herpesvirus using a pan-herpesvirus PCR assay followed by Sanger sequencing to determine and compare their identity. We detected herpesvirus in the TG of 13 (39%) individuals, including HSV-1 in one Aotus sp. and three Sapajus macrocephalus, Saimiriine alphaherpesvirus 1 (SaHV-1) in two Saimiri sp., and beta- or gammaherpesviruses in the remaining positive TG samples. Herpesvirus was also detected in oral swabs from 13 out of 31 (42%) tested individuals, however sequencing demonstrated that the herpesviruses recovered from oral swabs were not concordant with the herpesviruses obtained from the TG of the same NP, and none of the oral swab samples contained alphaherpesviruses. These findings suggest that some alphaherpesviruses, including HSV-1, can infect the TG of some NP species while being undetectable via oral swab, supporting the hypotheses that HSV-1 can establish latency in NP. Our results highlight a need to refine protocols for accurate detection and characterization of alphaherpesviruses in NP, which is particularly relevant in the context of NP rehabilitation and release back into the wild.

Helminth infections in free-living *Callithrix penicillata*, black tufted marmoset (Geoffroy, 1812): A case report of severe parasitism by *Primasubulura* (NEMATODA: SUBULURIDAE) (Marcel, 1857) in urban park, Belo Horizonte, Brazil

Ana Maria de Oliveira Paschoal | Marcelle Alves de Oliveira | Daniel Jacob da Circuncisão | Mikaelly Frasson Testa | Lorena Ailán-Choke | Glória Maria Cardoso Lacerda | Daniel Ambrósio Rocha Vilela | Érika Procópio Tostes Teixeira | Thiago Lima Stehling | Kathryn Hanley | Nikos Vasilakis | Felipe Bisaggio Pereira | Betânia Paiva Drumond

Ponente: Ana Maria de Oliveira Paschoal, anamuzenza@gmail.com

RESUMEN: Helminth infections pose a significant threat to the health and conservation of free-living non-human primates (NHPs), potentially affecting their fitness, survival, and population dynamics, especially in fragmented or human-impacted habitats. This study reports a case of severe gastrointestinal helminthiasis in two adult female *Callithrix penicillata* members of the same social group, rescued in January 2025 from Park Mangabeiras, Belo Horizonte, Brazil. They presented with lethargy, weight loss, ataxia, and apathy, and died within eight days of rescue. Necropsy revealed massive parasite infestation throughout the small and large intestines, especially the cecum. Adult helminths were collected, preserved in 70% ethanol and formalin. Light microscopy and scanning electron microscopy indicated infection by *Primasubulura* spp. (family Subuluridae), based on morphological features, including slightly hexagonal oral opening, unornamented ventral sucker in males, and equal, fully sclerotized spicules. Molecular barcoding is ongoing for precise species identification. *Primasubulura* spp. are gastrointestinal nematodes typically found in non-human primates and some other mammals. However, a heavy parasite burden may cause significant gastrointestinal pathology and contribute to mortality. Host-related traits, as group living, omnivorous and generalist diets, and a developed cecum, may facilitate parasite transmission and colonization Although *Primasubulura* spp. may not pose a direct threat for humans as zoonotic agents, they are important from an ecological perspective since they can harm their NHP hosts. Finally, monitoring helminth infections in wild non-human primates is essential for assessing ecosystem health, understanding host-parasite dynamics, and informing conservation strategies, especially in human-impacted or urban-adjacent habitats with potential public health implications.

Perfil epidemiológico de ouriços-cacheiros (*Coendou spinosus*) encaminhados ao Centro de Triagem de Animais Silvestre de Belo Horizonte, Minas Gerais

Arthur Seixas Dias Gomes | Ana Caroline Silvestre Santana | Nikolas Costa Pinto Felizardo | Erika Procópio Tostes Teixeira | Thiago Lima Stehling | Lucas Belchior Souza de Oliveira

Ponente: Arthur Seixas Dias Gomes, arthur.sdvet@gmail.com

RESUMEN: Os ouriços-cacheiros (*Coendou spinosus*) são roedores frequentemente encontrados em ambientes urbanos, coexistindo com humanos e animais domésticos. Conhecer os principais aspectos epidemiológicos de impacto é crucial para uma vigilância em saúde eficaz. Este estudo visa caracterizar a casuística clínica da espécie atendida no CETAS de Belo Horizonte, Minas Gerais, através de uma abordagem de vigilância prospectiva em saúde. Ao longo de 15 meses, 19 indivíduos da região urbana e periurbana foram avaliados. A identificação dos animais foi realizada por microchipagem na região interescapular, e a avaliação clínica foi conduzida por meio de contenção física ou química, conforme o perfil individual. A análise das variáveis foi feita utilizando o teste de Friedman, seguido do post hoc Dunn. Dos animais avaliados, 47% foram atendidos no primeiro trimestre do período analisado, com distribuição semelhante no 3º e 4º semestres (21% cada). Em relação ao sexo, 58% eram machos e estavam mais associados a conflitos humano-fauna ($p<0.05$), enquanto 42% eram fêmeas, predominantemente demandadas por questões pediátricas ($p < 0.05$). Quanto à faixa etária, 68% dos indivíduos eram adultos, e os demais eram filhotes ou jovens. Os dados sugerem que, na amostra trabalhada, a interação entre ouriços-cacheiros e humanos está frequentemente associada a conflitos, especialmente entre machos, e, que a demanda de atendimentos pediátricos em fêmeas ressalta a vulnerabilidade dos jovens, dados importantes para programas de enfrentamento em conflitos urbanos e saúde coletiva. Os dados coletados acerca destes animais destacam a importância de intervenções em saúde animal e campanhas de sensibilização sobre a coexistência com essa espécie. Apesar da amostra limitada, a continuidade de monitoramento e a implementação de medidas preventivas são essenciais para promover a saúde da espécie e minimizar conflitos com a população urbana.

Toxoplasmose fatal em *Cerdocyon thous*: Implicações para a Saúde Única

Laura Berger Nunes | Rafaela Mallmann Bohn | Adeyldes Reis | Luiza Rodrigues Tirelli | Clara Murussi Beheregaray | Augusto Reis | Ellen Oliveira | Welden Panziera | João Fabio Soares

Ponente: Laura Berger Nunes, laurabergervet@gmail.com

RESUMEN: A toxoplasmose é uma zoonose mundial causada por um protozoário intracelular obrigatório, *Toxoplasma gondii*, que infecta todos os animais de homotérmicos. A infecção por *T. gondii* ocorre por meio da ingestão de alimentos e água contaminados com oocistos esporulados, advindos de fezes de felinos, os quais atuam como hospedeiros definitivos ou ingestão de tecidos contendo cistos. *Cerdocyon thous*, popularmente conhecido como graxaim-do-mato, é uma espécie de canídeo silvestre generalista e oportunista, com ampla distribuição geográfica. Devido à perda de habitat, esse canídeo é comumente encontrado próximo de áreas urbanas, sendo considerado reservatório de diversos patógenos e uma espécie sentinela para *T. gondii*. Em 2024, uma fêmea adulta de *C. thous*, de vida livre, oriunda de Porto Alegre, Rio Grande do Sul, foi encaminhada ao Setor de Patologia Veterinária (SPV UFRGS) para necropsia. A partir de exame macro e microscópico, visualizou-se hepatite e esplenite necrotizante acentuada de origem protozoária, sugestivo de *T. gondii.* Após, amostra tecidual de fígado foi encaminhada ao Laboratório de Protozoologia e Rickettsioses Vetoriais (ProtozooVet) e processada para extração de DNA genômico. A confirmação molecular e filogenética foi realizada através da amplificação do fragmento gene ITS1, presente em toda família Sarcocystidae, e comparação de similaridade com sequências depositadas em banco de dados genéticos. Alterações sistêmicas por *T. gondii* dificilmente são observadas em carnívoros silvestres, neste relato podem ser secundárias a alguma imunossupressão por um vírus. Por este motivo, amostra esplênica foi encaminhada para realização de viroma completo. Animais com comportamento sinantrópico têm um maior contato com animais domésticos, o que proporciona um fluxo de patógenos entre espécies e manutenção do agente no ambiente, fomentando casos humanos.

Detection of Hantavirus by immunohistochemistry in small mammals from Atlantic Forest (Rio de Janeiro-RJ) of Brazil

Juliana Araújo Nobre | Antonia Emanuella Gonçalves | Raphaela Nunes Rocha | Marina Carvalho Furtado | Maria Dulce Portugal | Ricardo Moratelli | Mayumi Duarte Wakimoto | Rodrigo Caldas Menezes

Ponente: Juliana Araújo Nobre, juliana.nobre@ini.fiocruz.br

RESUMEN: Bats (order Chiroptera), opossums (Didelphimorphia), and rodents (order Rodentia) are wild animals that depending on the species can be considered synanthropic, living at the peripheries and big city centers, such as in Rio de Janeiro (RJ) in Brazil. These animals can act as reservoirs and/or hosts of important zoonoses especially considering a One Health perspective, such as leptospirosis, leishmaniasis, and rabies; however, studies of in hantaviruses are still limited. In South America Hantaviruses can cause the Hantavirus pulmonary syndrome (HPS) in humans with high lethality. The aim of this study was to detect Hantavirus through the immunochemistry (IHC) technique in small mammals from the Atlantic Forest area of RJ, Brazil. Under authorization by the ethics committees, SISBio/ICMBio n° 19037-1 and CEUA-FIOCRUZ LM-6/18 (Bats); LW-58/19 (Marsupialia e Rodentia), the animals were captured and euthanized at the Estação Biológica Fiocruz Mata Atlântica (EFMA) in 2021 and 2022. Lung tissue samples of each animal were collected at the time of necropsies, stored in 10% buffered formalin, processed for paraffin embedding (FFPE) and stained with hematoxylin and eosin (H&E). Samples that showed histopathological changes in H&E, such as, suppurative pneumonia, pneumonitis, alveolar thickening and presence of inflammatory infiltrates, were processed for IHC for the detection of this virus infection. A total of 20 samples, 10 from bats, 7 from opossums and 3 from rodents were tested by IHC using an anti-Hantavirus sera (ANLIS recombinant N-AND) with a dilution of 1:200 and Warp Red™ chromogen. The presence of antigens of Hantavirus was detected in 15% (3/20) of the samples, in one bat (*Carollia perspicillata*) and two rodents (*Rattus rattus*). In recent years, data on the detection of hantaviruses in bats are increasing in Brazil, but their role is not yet clear, and as for rodents, they are known as the main host of this pathogen.

Multiparasitismo em *Leopardus wiedii* em área periurbana do Rio Grande do Sul

Laura Berger Nunes | Luiza Rodrigues Tirelli | Clara Murussi Beheregaray | Lay Greco Basilio | Paola Antunes Rodrigues | Marcelo Alievi | Saulo Penatti Pavarini | João Fabio Soares

Ponente: Laura Berger Nunes, laurabergervet@gmail.com

RESUMEN: O processo contínuo de alterações ambientais pode provocar mudanças nas relações patógeno-hospedeiro, atingindo populações silvestres, domésticos e o ser humano. Neste contexto, um indivíduo macho de *Leopardus wiedii* foi resgatado em uma propriedade privada no município de Encantado, Rio Grande do Sul, pela polícia ambiental. O animal que se encontrava em estado catatônico e com severa caquexia, que após o óbito, foi encaminhado para necropsia no Setor de Patologia Veterinária. A carcaça foi inspecionada para a presença de ectoparasitos e lesões macroscópicas. Fragmentos de baço, fígado, pulmão e medula espinhal foram coletados em formol 10% ou congeladas. Todo o trato gastrointestinal foi analisado para a presença de endoparasitos e coleta de fezes. Urina foi coletada por punção direta da vesícula urinária. Com exceção das amostras formolizadas, todas foram processadas pelo ProtozooVet por meio de técnicas moleculares, coproparasitológicas e morfológicas para avaliação sanitária do animal. A histologia demonstrou a presença de *Capillaria hepatica* de forma disseminada pelo parênquima hepático. Macro e microscopicamente foram visualizados diferentes estágios de nematodas em parênquima pulmonar e duramater da medula espinhal, que foi identificado molecularmente como *Gurltia paralysans*. Tanto do estômago como do intestino delgado foram coletados exemplares adultos de *Toxocara cati* e *Toxocara canis*, assim como, do cestoda *Spirometra* sp. Após processamento da urina, foram visualizados ovos e adultos de *Capillaria plica.* Através de métodos coproparasitológicos de flutuação e sedimentação, foram observados cistos flagelados compatíveis com *Balantidium* sp., além de larvas de metastrongilideos e ovos de ancilostomídeo. Amostra esplênica apresentou reagente para ensaios de PCR para micoplasma hemotrópico. A identificação de parasitos de diferentes grupos demonstra a importância ecológica de pequenos felinos para estes agentes e ocorrência de multiparasitismo no ambiente silvestre. Entretanto, os sinergismos de agentes imunosupressivos associado a distúrbios ambientais, podem agravar a patogenicidade, e resultar no adoecimento e óbito do animal.

Detecção molecular de hemopatógenos em mamíferos da Fundação de Parques e Zoo Botânica de Belo Horizonte, Minas Gerais, Brasil

Julia Penna de Andrade | Camilla Faria Soares | Leonardo Pereira de Alcântara | Daniel Reis Santos | Carlyle Mendes Coelho | Rafael Otávio Cançado Motta | Herlandes Penha Tinoco | Júlia Angélica Gonçalves da Silveira

Ponente: Camilla Faria Soares, camillafaria.vet@gmail.com

A investigação de hemopatógenos em animais silvestres e exóticos, de vida livre e cativeiro, é crucial para maior compreensão de sua epidemiologia, dinâmica e potencial zoonótico. No presente estudo, foram realizadas análises moleculares de animais da Fundação de Parques e Zoo Botânica de Belo Horizonte para identificar e caracterizar hemopatógenos, especialmente protozoários da ordem Piroplasmida e bactérias intracelulares. Amostras de sangue total foram coletadas de lobos-guarás, gorilas, tamanduás-bandeiras, onças-pardas, leão africano, rinoceronte branco, anta e elefante africano para o diagnóstico molecular de hemopatógenos entre os anos de 2023 e 2024. Os achados revelaram que 88,88% (16/18) dos indivíduos amostrados estavam infectados com algum tipo de hemopatógeno. Protozoários do gênero Piroplasmida foram detectados em 44,44% dos indivíduos, incluindo onças-pardas, lobos-guarás, gorilas e um rinoceronte branco. Bactérias da família Anaplasmataceae foram identificadas em 44,44% dos indivíduos. Leishmania spp. foi encontrada em um lobo-guará, enquanto Rickettsia sp. foi detectada em duas onças-pardas. Trypanossoma evansi não foi identificado em nenhuma amostra. A alta detecção de hemopatógenos destaca a circulação significativa desses agentes em animais de cativeiro, evidenciando a necessidade de monitoramento contínuo e estratégias de controle para evitar a transmissão zoonótica e para outros indivíduos da espécie. A positividade para agentes que podem desenvolver infecção assintomática, ressalta a importância da vigilância da saúde dos animais em cativeiro. Este estudo contribui para o entendimento da epidemiologia dos hemopatógenos em cativeiro e destaca a necessidade de estratégias de vigilância e manejo adaptadas às condições específicas dos zoológicos. A ampliação do conhecimento sobre esses patógenos é crucial para a proteção da saúde animal e humana, e para a implementação de medidas de prevenção que minimizem o risco de surtos e transmissão zoonótica.
Apoio: FAPEMIG, CNPq, UFMG

Uso do Google Forms como ferramenta de monitoramento comportamental e clínico em animais sob manejo no Centro de Conservação dos Saguis-da-Serra da Universidade Federal de Viçosa

Carla Alcon Tranin | Julia Lopes Faria Brumano | Clara Magalhães Souza | Maria Eduarda Souza Silva | Gabriel Silva Toledo | Fabiana Cristina Silveira Alves de Melo | Fabiano Rodrigues de Melo | Maria Clara Pereira Roque | Fabiana Azevedo Voorwald

Ponente: Carla Alcon Tranin, carla.tranin@ufv.br

RESUMEN: A avaliação do bem-estar animal é essencial para a identificação precoce de alterações comportamentais e fisiológicas, promovendo intervenções oportunas e melhorando a qualidade de vida dos indivíduos sob cuidados humanos. Este estudo descreve a implementação e o uso do Google Forms como ferramenta para o monitoramento comportamental e físico diário dos animais do Centro de Conservação Saguis-da-Serra (CCSS-UFV). A ferramenta, acessível por dispositivo móvel e pré-carregada pelo observador responsável, permite o registro automático de dados como identificação, dados de tempo e cronograma de observação. Ressalta-se que o preparo é realizado rotineiramente pelo mesmo observador durante um período de dois dias, promovendo a familiarização com os indivíduos da equipe e favorecendo a detecção de comportamentos específicos de cada animal. O formulário inclui múltiplas perguntas de triagem sobre comportamentos positivos (como: alerta, curioso, excitado ou relaxado), comportamentos negativos (como: apático, agressivo, esquivo, letárgico), vocalizações (positivas e negativas) e avaliação dos pelos do corpo e da cauda (como: alopecia, pelos molhados, pelos intactos). Há também campos livres para registro de observações complementares não previstas nas categorias pré-estabelecidas. As observações têm caráter clínico e preventivo, permitindo a identificação de padrões comportamentais ou alterações físicas e a promoção de ações corretivas, quando necessário. Os dados coletados são armazenados automaticamente na nuvem, funcionando como um diário clínico digital e permitindo análises longitudinais. Os resultados demonstram que o uso dessas ferramentas proporciona agilidade, precisão e rastreabilidade, além de reduzir o uso de fichas de papel. Conclui-se que o uso do Google Forms é uma estratégia eficaz, prática e de baixo custo para avaliação zootécnica e clínica da rotina em instituições de manejo animal, principalmente quando associada à observação sistemática e contínua.

Dynamics of IgM and IgG antibody responses against *Plasmodium* antigens in naturally infected neotropical primates in Brazil

Gabriela Maíra Pereira de Assis | Marina Noetzold | Gustavo Henrique Pereira Gonçalves | Ana Júlia Dutra Nunes | Anielle da Pina Costa | Silvia Bahadian Moreira | Alcides Pissinatti | Zelinda Hirano | Cláudio Tadeu Daniel-Ribeiro | Flora Satiko Kano | Luzia Helena Carvalho | Cristiana Ferreira Alves de Brito

Ponente: Marina Noetzold, mnoetzold@aluno.fiocruz.br

RESUMEN: In the Brazilian Atlantic Forest, *Plasmodium simium* infects neotropical primates (NP) and, eventually, also human which enters in the forest. The similarity between *P. simium* and *P. vivax* provides an opportunity to study the immune response in naturally infected NP as a model for human malaria. This study evaluated the dynamics of IgM and IgG antibodies against circumsporozoite protein (CSP) peptides and blood-stage proteins (AMA-1, EBP-2 and DBPII) from different *Plasmodium* species in NP (n=28) of the genera *Alouatta*, *Sapajus*, and *Aotus*, all sampled at two time points. For this, samples collected in 2015 and 2017 from free-living individuals in Joinville/SC (n=6), in 2011 and 2019 from captive individuals from the Rio de Janeiro Primate Center (CPRJ) in Guapimirim/RJ (n=9) and from captive individuals at the Indaial Biological Research Center (CEPESBI) in Indaial/SC (n=13) were analyzed by ELISA. In Indaial, the small number of responding animals at baseline showed an increase in IgM reactivity against CSP and a decrease against blood-stage proteins, over an 8-year interval. In addition, IgG reactivity against CSP and against blood-stage proteins also decreased. In the same interval, in Guapimirim/RJ, there was an increase in IgM reactivity against CSP and against blood-stage proteins. IgG reactivity against CSP also increased, but little IgG reactivity against blood-stage proteins was observed. In Joinville/SC, the vast majority of animals tested showed strong reactivity of both IgM and IgG against all proteins, with little variation between time periods (shorter interval). The data presented here suggest a large variation in malaria epidemiological conditions in each region, with emphasis on Joinville, which showed greater reactivity as a reflection of the high rates of animals positive for *Plasmodium* spp infection. These results confirm the intense circulation of *Plasmodium* species among NP, reinforcing the need for epidemiological surveillance in the Atlantic Forest regions.

Lack of Yellow Fever Virus exposure in Buffy-tufted ear Marmosets (*Callithrix aurita*) from a conservation center in Southeastern Brazil

Larissa Berdine Gomes de Jesus | Isabela Normando Mascarenhas | Meylling Mayara Linhares Magalhães | Fabiano R. de Melo | Fabiana Cristina Silveira Alves de Melo | Fabiana A. Voorwald | Alex Pauvolid-Corrêa

Ponente: Larissa Berdine Gomes de Jesus, larissa.b.jesus@ufv.br

RESUMEN: Yellow fever virus (YFV) is an enzootic arbovirus of major public and animal health concern in South America. Its sylvatic transmission cycle involves mosquitoes of the Haemagogus and Sabethes genera and several non-human primates (NHPs), especially howler monkeys, which are highly susceptible. In southeastern Brazil, recent YFV outbreaks have caused severe mortality in NHP populations, raising concern for endangered species such as the buffy-tufted ear marmoset (Callithrix aurita), which is endemic to the Atlantic Forest. This species, listed under the National Action Plan for the Conservation of Atlantic Forest Primates and the Maned Sloth (PAN-PPMA) coordinated by the Brazilian Ministry of the Environment, is threatened by habitat loss, hybridization, and emerging infectious diseases. To assess potential exposure to YFV in a controlled conservation setting, 21 C. aurita individuals of the Mountain Marmoset Conservation Center located in Viçosa, state of Minas Gerais, southeastern Brazil, were tested by plaque reduction neutralization tests (PRNT). All samples were seronegative, showing $PRNT_{90}$ titers <20. These results suggest absence of prior YFV exposure in this population and support the current health status of individuals potentially available for future translocation and conservation efforts. Ongoing health surveillance of endangered primates is essential not only for translocation planning, but also as a proactive strategy to detect cryptic and subclinical activity of enzootic and potentially fatal arboviruses. Active surveillance is a critical tool for anticipating disease emergence in wildlife and mitigating the risk of spillover to human populations. Keywords: PRNT, Atlantic Forest, primate conservation, active surveillance, Minas Gerais Financial support: Universidade Federal de Viçosa, Wildlife Conservation Network, FAPEMIG, CNPq, CAPES.

Detección y caracterización genómica de *Enterobacterales* productores de betalactamasas de espectro extendido en micromamíferos silvestres de las regiones de Los Ríos y Los Lagos, Chile

Jorge Barraza Schulmeyer | Jorge Campos Tabilo | Edhnita Inostroza Muñoz | Montserrat del Campo Parod | Valentina Aravena Ramírez | Gerardo Acosta Jamett | Cristóbal Verdugo | Claudio Verdugo | Danny Fuentes Castillo

Ponente: Jorge Barraza Schulmeyer, jbarraza2018@udec.cl

RESUMEN: La resistencia antimicrobiana es una problemática mundial debido a la escasez de tratamientos eficaces, altos costos y muertes asociadas. Entre los microorganismos más relevantes se encuentran los Enterobacterales productores de betalactamasas de espectro extendido (BLEE). Este estudio tuvo como objetivo realizar una búsqueda activa de estos patógenos en fauna silvestre de ambientes fragmentados y no fragmentados en las regiones de Los Ríos y Los Lagos. Entre septiembre de 2023 y marzo de 2024, se recolectaron 544 hisopados rectales de quirópteros y roedores. Las muestras se cultivaron en caldo cerebro-corazón y posteriormente sembradas en agar MacConkey suplementado con ceftriaxona (2 µg/ml) a 37 °C por 24 horas. Los aislados fueron identificados bioquímicamente, evaluados mediante pruebas de susceptibilidad antimicrobiana y test de sinergismo de doble disco para confirmar la producción de BLEE. Las cepas confirmadas fueron sometidas a secuenciamiento genómico completo mediante la plataforma MGI-DNBSEQ-G400 y se analizaron con herramientas bioinformáticas. Se aislaron Escherichia coli productoras de BLEE desde dos Rattus rattus (R851 y R986), un Abrothrix olivacea (R2180) y un Oligoryzomys longicaudatus (R92) provenientes de ambientes fragmentados de ambas regiones. Las cepas R92 y R851 correspondían al secuenciotipo (ST) 10, la cepa R986 al ST2077 y la cepa R2180 a un ST desconocido. Todas portaban el gen blaCTX-M-1, codificado en el plásmido IncI1-I(Alpha) en tres cepas (R851, R986, R2180). La cepa R2180 además poseía el plásmido p0111 y los genes de resistencia aph(6)-Id, aph(3")-Ib, fosA7, floR, sul2, tet(A) convirtiéndola en una cepa multirresistente. También se detectaron múltiples genes de virulencia (toxinas, adhesinas y defensinas) asociados a infecciones zoonóticas. Este estudio evidencia la circulación de clones de *E. coli* de importancia clínica portando BLEE en roedores silvestres de ambientes fragmentados del sur de Chile, destacando la presencia del linaje de alto riesgo *E. coli* ST10. ANILLO ATE220062.

Comparación epidemiológica y genómica de resistencia bacteriana de prioridad crítica en el Centro de Rehabilitación de Fauna Silvestre UDEC durante 2022 y 2024

Fernanda Venegas-Rojas | Valentina Aravena-Ramírez | Fredy Riquelme | María Jesús Segovia-Pereira | Angeles Pavez-Sepúlveda | Bastián Albornoz | Paula Aravena | Danny Fuentes-Castillo

Ponente: Fernanda Venegas-Rojas, fervenegas2021@udec.cl

RESUMEN: Enterobacterales productoras de beta-lactamasas de espectro extendido (E-BLEE) se clasifican como prioridad crítica según la OMS, requiriendo mayor investigación y desarrollo de alternativas terapéuticas. El objetivo de este trabajo es caracterizar genómicamente los linajes de E-BLEE en aves silvestres admitidas en el Centro de Rehabilitación de Fauna Silvestre UdeC. Durante un programa de vigilancia epidemiológica de E-BLEE en este centro, se obtuvieron torulados cloacales de aves al momento de admisión. Para el presente estudio se consideraron muestras de los años 2022 y 2024, pertenecientes a la Región de Ñuble. Las muestras fueron sembradas en agar MacConkey suplementado con ceftriaxona (2 ug/ml) e incubadas a 37°C por 24h. Las cepas aisladas se sometieron a pruebas de identificación bioquímica y confirmación de BLEE mediante test de sinergismo de doble disco. En el año 2022, de 66 muestras obtenidas, solo hubo un caso positivo a E-BLEE; mientras que, en 2024, de 89 aves analizadas resultaron 7 positivas. Estas 8 cepas de interés se sometieron a extracción de ADN para posterior secuenciamiento genómico completo mediante plataforma NovaSeq-X-Plus y posterior análisis de secuenciotipo (ST) y resistoma mediante herramientas bioinformáticas. Se confirmó la presencia de *Escherichia coli* secuenciotipo (ST)7840 portando CTX-M-1 en *C. atratus* el 2022. En 2024 se registraron *E. coli* portadoras de BLEE en *Larus dominicanus* (ST38, ST722, ST117 y ST5547), *Glaucidium nana* (ST131), *Cygnus melancoryphus* (ST746) y *Anas georgica* (ST1011). Las BLEE detectadas en 2024 correspondieron a CTX-M-1, CTX-M-55, CTX-M-15 y CTX-M-27. Estos hallazgos evidencian un aumento considerable en la colonización de bacterias resistentes de prioridad crítica en fauna silvestre entre estos años, resaltando la emergencia del linaje pandémico de alto riesgo ST131 de *E. coli* y la diversidad de BLEE circulantes. Esto enfatiza la relevancia de la vigilancia temprana para la detección de clones prioritarios con enfoque Una Salud. Fondecyt 11241097.

Morphological diversity and host-parasite interaction network of bat ectoparasites (Streblidae) in an urban Atlantic Forest fragment

Bruno da Silva Mathias | Vinicio Rodrigues de Lima | Gustavo Graciolli | Núbia R. M. F. Rocha | Carolina Romeiro Fernandes Chagas | Helen Regina da Silva Rossi | Cauê Monticelli | Vlamir José Rocha | Karin Kirchgatter

Ponente: Bruno da Silva Mathias, bruno.mathias@usp.br

RESUMEN: Bat flies from the family Streblidae are highly specialized dipterans, often exhibiting specific interactions with their hosts. This study aimed to characterize the morphological diversity of streblid flies collected from free-ranging bats at the Coordenadoria de Fauna Silvestre da Secretaria de Meio Ambiente, Infraestrutura e Logística do Estado de São Paulo (formerly the São Paulo Zoo), as well as to describe host-ectoparasite interaction patterns through network analysis. Morphological identification allowed the recognition of four fly species: *Megistopoda proxima* (n=25), *M. aranea* (n=28), *Aspidoptera falcata* (n=21), and *Paratrichobius longicrus* (n=62), associated with bats from the family Phyllostomidae: *Artibeus fimbriatus* (n=13), *A. lituratus* (n=18), and *Sturnira lilium* (n=18). The prevalence and relative abundance of each ectoparasite species in relation to their hosts were calculated. The construction of a bipartite network revealed specific interaction patterns, with a moderately modular structure and a frequency distribution suggesting preference or partial specificity between ectoparasites and their hosts. The analysis showed, for example, that *Aspidoptera falcata* had a higher frequency of interaction with *Sturnira lilium*, while *Paratrichobius longicrus* was largely associated with *Artibeus lituratus*. The genus *Megistopoda*, although exhibiting lower specificity regarding the bat species parasitized, still indicated a high degree of specificity at the host genus level. These results highlight the importance of investigating parasite-host association dynamics in urban environments and contribute to the ecological understanding of interactions between bats and their ectoparasites.

Lesiones externas halladas en primates neotropicales recuperados del tráfico ilegal en Lima-Perú, periodo 2022

Renato Colan Sanchez | Fernando Vilchez

Ponente: Renato Colan Sanchez, rcolans23@gmail.com

RESUMEN: En Perú, los primates representan el principal grupo de mamíferos traficados. La tenencia ilegal de primates genera riesgos para la salud de las personas, animales y el ecosistema. Aunque es común encontrar animales rescatados en mal estado de salud, hay pocos registros cuantitativos al respecto. Este estudio caracterizó las lesiones externas en 64 primates neotropicales pertenecientes a 10 géneros taxonómicos rescatados del tráfico ilegal en Lima durante 2022. Se analizaron tipo, ubicación, frecuencia y distribución de lesiones por género taxonómico, sexo y grupo etario. Los resultados revelaron que 35 primates (54.7%) presentaron algún tipo de lesión. La alopecia fue la lesión más común con 22 individuos (34.4%) afectados, seguidos por cicatrices en 9 individuos (14.1%), excoriación en 6 (9.4%), costras en 5 individuos (7.8%), entre otros (26.6%). Al categorizar la cantidad de tipo de lesiones presentes por individuo se obtuvo que 18 individuos (28.1%) presentaron al menos un tipo de lesión, 13 individuos (20.3%) presentaron dos tipos de lesiones y 4 (6.3%) presentaron tres tipos de lesiones durante la misma evaluación. Entre los géneros con mayor incidencia de lesiones tenemos *Saimiri* (67%, 10/15), *Sapajus* (64%, 7/11), *Lagothrix* (64%,7/11), *Leontocebus* (43%, 6/14) y *Cebus* (33%, 2/6). El género *Saimiri* presentó en su mayoría alopecia (53.3%, 8/15), lesión que fue la más común en los otros grupos taxonómicos con excepción de *Lagothrix* que presentó en su mayoría cicatrices (36.4%, 4/11). Por otro lado, los juveniles mostraron mayor frecuencia de lesiones (63%, 17/27) comparado con los adultos (44.8%, 13/29), sin embargo, no se encontraron diferencias significativas (p=0.19, Fisher's exact test). Además. los machos presentaron una frecuencia de lesiones (55.9%, 19/34) similar con hembras (53.3%, 16/30). El estudio subraya el impacto negativo del tráfico ilegal en la salud física de los primates y enfatiza la urgencia de fortalecer estrategias de protección y rehabilitación.

Identificación de hemoparásitos y ectoparásitos en Strigiformes de las regiones de Biobío y El Ñuble, Chile

Marcelo Hasbún-Roa | Martín Zamorano-Uribe | Javier Andrade-Hernández | Claudia Araya-Salinas | Angeles Pavez-Sepúlveda | María Jesús Segovia-Pereira | Bastián Albornoz | Paula Aravena | Lucila Moreno | Sebastián Muñoz-Leal

Ponente: Marcelo Hasbún-Roa, mhasbun2017@udec.cl

RESUMEN: Las aves actúan como hospedadores de hemoparásitos (Protista: Haemosporida), y ectoparásitos como piojos, pulgas y ácaros. Mientras que hemoparásitos pueden ser visualizados en extendidos de sangre periférica por medio microscopía, los ectoparásitos son observables adheridos al plumaje o piel. El objetivo de este estudio consistió en detectar la presencia de hemoparásitos y ectoparásitos en aves estrígidas (Strigiformes) al momento de su ingreso en el Centro de Rehabilitación de Fauna Silvestre, Universidad de Concepción. Este estudio recopilo datos de 24 aves provenientes de las Regiones del Biobío y el Ñuble que ingresaron entre el 2021 y 2025. Las muestras sanguíneas para confección de extendidos fueron colectadas de cinco ejemplares de lechuza (*Tyto furcata*) y 14 tucúqueres (*Bubo magellanicus*). Las muestras fueron fijadas en metanol, teñidos con solución de Giemsa al 10%, y observadas por microscopía óptica de campo claro. Durante el examen clínico se colectaron ectoparásitos partir de cinco individuos: una lechuza, tres tucúqueres y dos chunchos (*Glaucidium nana*). Los especímenes fueron montados y observados médiate microscopia de campo claro. En los extendidos sanguíneos se observó la presencia de estructuras coincidentes con gametocitos de Haemosporida en tres ejemplares de lechuza y estructuras compatibles con gametocito de Leucocytozoon en dos tucúqueres. En cuanto los ectoparásitos diferenciaron los piojos *Kurodaia* sp. y *Strigiphilus chilensis* en tucúquere, y *Kurodaia subpachygaster* en lechuza. Por último, en dos chucho se colectó la pulga *Nosopsyllus fasciatus* y el ácaros *Ornithonyssus bursa*. Los resultados de este estudio corresponden a la primera evidencia de Haemosporida infectando a lechuza en el territorio chileno. En cuanto a los ectoparásitos, *N. fasciatus* es una pulga común en ratas, por lo que su presencia puede ser explicada por transferencia a través de una presa o sitio de refugio. Respecto a *Ornithonyssus bursa*, este corresponde al primer hallazgo parasitando chuncho en Chile.

Nuevos registros de pulgas (Insecta: Siphonaptera) asociadas con mamíferos de Chapa de Mota, Estado de México, México

María del Carmen Villalobos-Segura | Roxana Acosta | Fahd Henrry Carmona-Torres | Angel Herrera-Mares

Ponente: María del Carmen Villalobos-Segura, macavs324@gmail.com

RESUMEN: Las pulgas son insectos hematófagos asociados con vertebrados como aves y mamíferos pequeños principalmente; son conocidos por ser potenciales vectores de patógenos de importancia en salud pública y en México se han registrado 172 especies. Durante las actividades de práctica para materias cursadas en las licenciaturas en biología y medicina veterinaria y zootecnia en el bosque que pertenece el Centro de Enseñanza, Investigación y Extensión en Producción Agrosilvopastoril (CEIEPASP) de la Facultad de Medicina Veterinaria y Zootecnia de la UNAM en Chapa de Mota, centro de México, se examinaron roedores en búsqueda de ectoparásitos. Los roedores fueron capturados con trampas Sherman; para su contención y posterior manejo se utilizó sevofluorano. Se encontraron una hembra y un macho del género *Cteophthalmus* (Ctenophthalmidae) sobre un roedor del género *Microtus* (Cricetidae); cinco hembras y dos machos del género *Orchopeas* (Ceratophyllidae) sobre la ardilla voladora *Glaucomys volans* (Sciuridae) y finalmente una hembra del género *Plusaetis* (Ceratophylidae) asociada con el roedor *Peromyscus levipes* (Cricetidae). Todas las pulgas representan los primeros registros para la localidad. Los géneros de pulgas registrados en este trabajo han sido señalados en la literatura como potenciales vectores de *Bartonella*, *Rickettsia* y *Yersinia*. Sin embargo, aún es necesario realizar estudios dirigidos para su detección. Estos hallazgos son un primer paso que resalta la importancia de continuar con el monitoreo de ectoparásitos para entender la dinámica huésped-parásito en el bosque del CEIEPASP donde existen actividades humanas como la ganadería, aprovechamiento forestal, de docencia y de recreación.

Importância de morcegos não-hematófagos na cadeia epidemiológica da raiva em zona urbana no Estado de São Paulo, Brasil

Raquel Cuba Gaspar | José Luís Menezes Varjão | Anaiá da Paixão Sevá | Benedito Donizete Menozzi | Felipe Fornazari | Helio Langoni

Ponente: Felipe Fornazari, f.fornazari@unesp.br

RESUMEN: Morcegos, mamíferos da ordem Chiroptera, apresentam resiliência às mudanças ambientais e estão cada vez mais adaptados ao ambiente urbano, facilitando o contato com humanos e animais domésticos, aumentando o risco de transmissão de agentes zoonóticos. Este trabalho avaliou dados epidemiológicos descritos em formulários que acompanhavam os quirópteros encaminhados pela Vigilância Ambiental em Saúde (VAS) de Botucatu para o diagnóstico oficial de raiva animal no Serviço de Diagnóstico de Zoonoses (SDZ) da FMVZ - UNESP - Botucatu, entre janeiro de 2019 e agosto de 2023. Dos 1342 morcegos oriundos do perímetro urbano de Botucatu que passaram pelo SDZ neste período, 28 espécies foram identificadas como não-hematófagas, pertencendo às famílias Molossidae (78,7%), Vespertilionidae (11%) e Phyllostomidae (8,2%). Destes, 29 espécimes não foram classificados taxonomicamente e 4,4% (59/1342) encontravam-se impróprios para o diagnóstico de raiva. A espécie Molossus molossus foi a mais abundante, abrangendo 53% (696/1313). Verão (44,9%) e primavera (28,2%) foram os períodos com mais intensidade amostral. Em relação ao diagnóstico de raiva, 1,17% (15/1283) foram positivos. *Myotis nigricans* foi a espécie mais frequente entre os positivos (6/15) e *Artibeus lituratus* apresentou a maior prevalência para a espécie, com 12,9% (4/31); ambas consideradas reservatório do vírus rábico com linhagem própria. Os períodos mais quentes do ano são associados ao aumento da atividade reprodutiva, fazendo com que estes animais se desloquem mais frequentemente e ampliem seus territórios, elevando o risco de sofrerem acidentes e serem recolhidos pela VAS. Conhecer a riqueza e abundância de espécies que ocorrem em áreas urbanas contribui para o melhor entendimento da ecologia dos quirópteros nas áreas do estado de São Paulo. Investigar a casuística de morcegos positivos para raiva reforça a importância da continuidade de atividades de vigilância para estes animais, e pode auxiliar no estabelecimento de ações de controle desta zoonose de grande relevância em Saúde Única.

Field laboratory: saliva as a tool to monitor microbial diversity and pathogens

Diana Netto Hernandez Blazquez | Luiz Gustavo Sparvolli | Danielle Bruna Leal Oliveira Durigon | Carla Taddei de Castro Neves | Dawn Zimmerman | Maristela Martins de Camargo

Ponente: Diana Netto Hernandez Blazquez, dianablazquez22@gmail.com

RESUMEN: The growing interface between humans, animals, and the environment increases the risk of emerging zoonoses, reinforcing the need for non-invasive tools to monitor wildlife health. This study, conducted at USP Butantã Campus (São Paulo, Brazil), aimed to develop and validate a saliva collection method for wild animals using an autonomous mechatronic device combined with olfactory attractants. We tested absorbent materials (gauze and Whatman 3 filter paper) and environmental conditions (23°C–45°C, 16–85% RH) to evaluate DNA and RNA stability over 30–60 days. Samples included human saliva (triplicates under four conditions and four timepoints), capybara (*Hydrochoerus hydrochaeris*) saliva (3 samples cut into 5 mm discs), marmoset (*Callithrix* sp.) saliva (3 samples), and laboratory mice (*Mus musculus*) saliva (7 samples). Viral RNA decay was assessed using human saliva spiked with rabies virus and HSV-1; linear models in R indicated a significant effect of storage time on RNA stability (HSV-1: $p = 0.00289$; rabies: $p = 0.02281$), with degradation accelerated by high temperature and humidity, though RNA remained detectable for up to 60 days. For DNA yield, ANOVA revealed a significant effect of time ($p = 0.0003$), while matrix type showed a non-significant trend ($p = 0.084$), with gauze and rayon differing moderately (Tukey's test: $p = 0.078$). Due to mild deviation from normality (Shapiro-Wilk: $p = 0.0496$) and lack of replicates, a Kruskal-Wallis test confirmed the effect of time ($p = 0.0035$), but not matrix differences ($p = 0.59$). Metagenomic sequencing revealed environmental influences on microbial profiles. Pan-virus PCR and sequencing on a fresh capybara sample indicated suspected herpesvirus and detectable bacterial DNA. The prototype effectively attracted animals and enabled passive, safe collection without physical restraint. These findings support saliva as a viable matrix for wildlife pathogen monitoring and DNA recovery, reinforcing its value for One Health surveillance and biodiversity conservation.

Molecular detection of *Hepatozoon* spp. in blood samples of Brazilian snakes: a nationwide investigation

Gabriella Ricomini Caetano Clemente | Isabella Cristina Alves de Lara Maciel | Felipe Gobbi Grazziotin | Karin Kirchgatter

Ponente: Gabriella Ricomini Caetano Clemente, gricomini@usp.br

RESUMEN: *Hepatozoon* spp. is an apicomplexan protozoan widely distributed among reptiles and transmitted by hematophagous vectors such as mites and ticks. Although previous studies have reported infections in snakes from specific regions of Brazil, comprehensive analyses of the diversity and prevalence of this parasite at a national scale remain scarce. Many of the snake species evaluated have an uncertain conservation status according to the IUCN Red List. This study investigated the presence of *Hepatozoon* spp. in blood samples from snakes collected across six Brazilian biomes (Amazon, Cerrado, Atlantic Forest, Caatinga, Pampa, and Pantanal) using molecular methods. A total of 594 samples (from 152 species), preserved in ethanol and frozen, were analyzed. DNA was subjected to PCR using primers specific to the Hepatozoon 18S rRNA gene. Positive PCR products were sequenced to confirm parasite identity. Preliminary results indicated an overall prevalence of 19% (113/594). The highest positivity was found in the Viperidae family (61.9%; 70/113), followed by Dipsadidae (32.7%; 37/113), and to a lesser extent in Elapidae and Colubridae (both 2.6%; 3/113). Prevalence also varied across biomes: Pantanal (50%; 19/38), Amazon (40,7%; 24/59), Caatinga (30,3%; 20/66), Pampa (17,1%; 6/35), Cerrado (14,5%; 16/110) and Atlantic Forest (9,9%; 28/283). The highest rates were observed in the most important Brazilian biomes in terms of biodiversity. This study contributes to the understanding of *Hepatozoon* epidemiology in snakes in Brazil, being the first description of this parasite in snakes in the states of Maranhão and Tocantins, highlighting the importance of investigating parasite diversity in wild hosts for a better understanding of the ecology of these pathogens.

La colección de ectosimbiontes de fauna silvestre del DEFSAL-FMVZ-UNAM y el estudio de la ecología de enfermedades

Angel Herrera-Mares | Odette López-Rosas | Iván Meneses-Alvarado | Angélica Rodríguez-Saucedo | Diego Nathael Ramos-Rentería | Eduardo Daniel Jiménez-Flores | Frida Yoalli Reyes-Jaramillo

Ponente: Angel Herrera-Mares, angelmares@ciencias.unam.mx

RESUMEN: Las colecciones científicas son el acervo que resguarda la biodiversidad de un país, estado o región en particular. Las colecciones tienen como principales objetivos la investigación, docencia y difusión del conocimiento científico. El objetivo del presente trabajo es dar a conocer la colección emergente de ectosimbiontes que se encuentra en el Departamento de Etología, Fauna Silvestre y Animales de Laboratorio de la Facultad de Medicina Veterinaria y Zootecnia de la UNAM, la cual surgió desde 2019. A partir de esa fecha, la Colección ha ido en aumento con los proyectos de tesis de licenciatura y posgrado de las carreras de biología y medicina veterinaria y zootecnia, así como los proyectos en los que el departamento participa. Hasta la fecha se encuentran depositados aproximadamente 16,358 ectosimbiontes, preservados tanto en etanol como en laminillas. Los grupos taxonómicos mejores representados son ácaros y garrapatas, seguidos de pulgas, piojos, moscas de murciélagos, chinches, pseudoscorpiones, moscas y mosquitos, (Diptera: Culicidae y Psychodidae), moscas causantes de miasis y crustáceos. Los grupos de hospederos que han sido mayormente estudiados son roedores, aves, murciélagos y reptiles; hospederos provenientes de 15 de las 32 entidades federativas de México. La colección sirve de apoyo para materias que se imparten a nivel licenciatura, charlas de difusión y divulgación y ha apoyado en la determinación taxonómica de material proveniente de instituciones nacionales e internacionales. Sin lugar a duda, el contar con una colección garantiza el respaldo de las investigaciones científicas que se hacen dentro de la línea de investigación de la Ecología de Enfermedades y Una Salud al tener material voucher o de referencia que permitan un mejor entendimiento de las dinámicas de transmisión de las enfermedades.

Análise de risco da febre amarela para o mico-leão-da-cara-preta (MLCP), *Leontopithecus caissara* Lorini & Persson, 1990

Thaís Guimarães-Luiz | Caio Filipe Motta Lima | Claudia Igayara | Guadalupe Vivekananda | Paula Beatriz Mangini | Paulo Rogerio Mangini V Rogério Loesch Zacariotti | Marina Galvão Bueno

Ponente: Thaís Guimarães-Luiz, thais@sp.gov.br | buenomg@gmail.com

RESUMEN: A análise de risco de doenças (Disease risk analysis - DRA) é um processo estruturado, baseado em evidências, que auxilia na identificação, avaliação e manejo de riscos de doenças infecciosas e não infecciosas aos ecossistemas, aos animais e aos seres humanos, além de apoiar gestão de políticas públicas e decisões diante de incertezas. O mico-leão-da-cara-preta (MLCP) é uma espécie ameaçada de extinção, com população estimada de 400 indivíduos, endêmica à Mata Atlântica do litoral norte do Paraná e litoral sul de São Paulo. Considerando o impacto do vírus da febre amarela (VFA) aos primatas e as evidências de circulação deste vírus na área de ocorrência da espécie entre 2018 e 2019, elaborou-se a DRA para avaliar o risco de possíveis impactos diretos e indiretos da doença sobre a população de MLCP e possíveis mitigações. Foram seguidas as diretrizes do método de DRA preconizado pelo Grupo Especialista em Planejamento de Conservação (CPSG/SSC/IUCN), sendo realizadas seis reuniões virtuais, totalizando 30 horas de discussão e 30 colaboradores no decorrer do processo. Questões centrais nortearam a análise: 1 “Qual o risco de circulação do VFA na área de ocorrência do MLCP?”; 2 “Quais as consequências, diretas e indiretas, que a circulação do VFA na área pode ter sobre a população de MLCP?”; 3 “O que é possível fazer para evitar os impactos negativos da circulação do vírus sobre a população de MLCP?”. Como resultado, o risco geral do perigo infeccioso da febre amarela para a população de MLCP foi considerado alto (com nível de confiança baixo), e o risco das agressões aos MLCP associada a períodos de circulação do VFA foi baixo (com nível de confiança alto). O DRA apontou seis tópicos prioritários para pesquisa e oito opções de mitigação do risco, contribuindo para o planejamento estratégico de ações para a conservação da espécie.

Transformación del paisaje en la Región de Los Ríos y Los Lagos, Chile y sus implicancias para la transmisión de agentes zoonóticos

Flores-Ferrer Alheli | Verdugo Reyes Claudio | Verdugo Vásquez Cristobal | Acosta-Jamett Gerardo

Ponente: Flores-Ferrer Alheli, alheli.flores@uach.cl

RESUMEN: El cambio en el uso de suelo es una amenaza para la biodiversidad porque altera la distribución y abundancia de especies, modifica ciclos ecológicos de patógenos y aumenta el riesgo de transmisión a humanos. En Chile, *Oligoryzomys longicaudatus*, principal reservorio del hantavirus Andes, es más común en áreas con alta densidad de vegetación baja, típica de plantaciones de Pinus radiata. Además, *Oligoryzomys l.* se asocia a paisajes fragmentados por actividades agrícolas y forestales, lo que sugiere que la expansión de zonas antrópicas favorece la persistencia de patógenos al beneficiar a roedores generalistas. La conversión de suelo a uso agrícola y ganadero también puede facilitar la dispersión de *Leptospira*, detectado en hasta el 52,1% de los establecimientos productivos en el sur de Chile, con una seroprevalencia animal del 12,2%. En este estudio analizamos la evolución del uso de suelo entre 2002 y 2022 en las regiones de Los Ríos y Los Lagos, donde circulan hantavirus y *Leptospira*. Se evaluaron los cambios diferenciando las zonas de la costa, depresión intermedia, Andes y Chiloé. La depresión intermedia presenta la mayor presión antrópica, con cambios acelerados en el uso de suelo y un aumento en la frecuencia de contacto entre agentes zoonóticos y humanos. En 2012-2022, se perdieron 78 mil hectáreas de bosque nativo, mientras que las plantaciones forestales aumentaron en 74 mil hectáreas y las áreas agrícolas y de pastoreo en 8 mil hectáreas. Además, el número de parches de bosque nativo creció, pero su tamaño disminuyó, indicando mayor fragmentación del hábitat. Dado que la transformación del paisaje impacta en la ecología de reservorios y la transmisión de patógenos, es crucial monitorear los cambios en el uso de suelo para identificar riesgos de enfermedades zoonóticas. Este trabajo forma parte del proyecto ANID ANILLO ATE220062.

Investigação dos vírus Oropouche e Mayaro em aves silvestres no Estado de São Paulo no ano de 2022

Isabella Galesi Tallach | Jéssica de Brito Ferreira Nascimento | Leonardo José Tadeu de Araújo | Fábio Schunk | Laís Sampaio de Azevedo | Mariana Sequetin Cunha | Juliana Mariotti Guerra

Ponente: Juliana Mariotti Guerra, jumariotti.vet@gmail.com

RESUMEN: A febre Oropouche e a febre Mayaro são arboviroses emergentes com alto potencial epidêmico nas Américas, sendo as aves reconhecidas como possíveis sentinelas na vigilância dessas infecções. O surto, causado pelo vírus da febre Oropouche (OROV), que teve início na Região Amazônica já atingiu 24 estados brasileiros. Por sua vez, o vírus da febre Mayaro (MAYV) circula de forma contínua no Brasil desde 2019, posicionando o país como o principal epicentro de casos na América do Sul. Este estudo teve como objetivo investigar, por meio de uma abordagem retrospectiva de conveniência, a presença do OROPV e MAYV em aves silvestres no Estado de São Paulo. Foram analisadas amostras de sangue total ou soro de 535 aves capturadas com redes de neblina em 2022 e submetidas à detecção molecular por RT-qPCR para ambos os vírus. As amostras foram obtidas em áreas com histórico de circulação de arbovírus, compreendendo o Parque Estadual Serra do Mar – Núcleo Curucutu (79,4%), Iguape (17,0%), o município de São Paulo (3,5%) e Ribeirão Preto (0,1%). As aves pertenciam a seis ordens: Passeriformes (n=500), Columbiformes (n=23), Piciformes (n=6), Strigiformes (n=4), Psittaciformes (n=1) e Galliformes (n=1), distribuídas em 32 famílias. As espécies mais frequentemente registradas foram *Tachyphonus coronatus* (3,74%), Chiroxiphia caudata (3,74%), Zonotrichia capensis (3,36%), Elaenia chilensis (3,36%) e Myiothlypis leucoblephara (3,18%). Nenhuma amostra apresentou resultado positivo para os vírus testados. Considerando a ausência de registros de infecção humana por OROV ou MAYV no Estado de São Paulo durante o período de estudo, os resultados indicam ausência de circulação desses dois vírus nestas populações de aves analisadas no ano de 2022.

Caracterización genómica de *Escherichia coli* productoras de betalactamasas de espectro extendido aisladas de mosca doméstica: ¿una amenaza emergente para la fauna insectívora?

Edhnita Inostroza Muñoz

Ponente: Edhnita Inostroza Muñoz, edhnitasoleinos@udec.cl

RESUMEN: La resistencia antimicrobiana (RAM) amenaza la salud pública y el bienestar animal. Siempre asociada a hospitales y ganadería intensiva, hoy la RAM también circula en entornos naturales. Fauna silvestre e insectos sinantrópicos, como la mosca doméstica, pueden comportarse como reservorios y transmisores mecánicos de bacterias multirresistentes, diseminando genes de resistencia en zonas periurbanas. En febrero 2025 capturaron siete moscas domésticas de un relleno sanitario de Chillan Viejo, Chile. Transportadas en bolsas estériles al laboratorio de Microbiología Veterinaria de la Universidad de Concepción, las moscas fueron maceradas e incubadas en caldo cerebro-corazón. Luego sembradas en agar MacConkey con 2µL/ml de ceftriaxona. A las colonias obtenidas se les aplicó prueba de sinergismo de doble disco para confirmar la presencia de Betalactamasa de espectro extendido (BLEE). El secuenciamiento y análisis genómico se hizo utilizando la plataforma Illumina NovaSeq-X-Plus y herramientas del Center for Genomic Epidemiology. Se identificaron dos aislamientos positivos de E. coli productora de BLEE, correspondientes a los serotipos H25:O153 (NM1) y H25:O87 (NM5), ambos linajes no descritos previamente. El aislado NM1 mostró un perfil multirresistente, incluyendo el gen blaCTX-M-1 y resistencia a aminoglucósidos, fluoroquinolonas y sulfonamidas. NM5 presentó únicamente blaCTX-M-1. El análisis del viruloma reveló factores de adhesión, evasión inmune, obtención de hierro, toxinas, bacteriocinas y elementos de movilidad genética, asociados a infecciones extraintestinales. El hallazgo de dos nuevos linajes de E. coli BLEE en moscas domésticas demuestra que estos insectos transmiten mecánicamente bacterias multirresistentes en ambientes periurbanos. Las variaciones en los perfiles de resistencia entre NM1 y NM5 evidencian diferentes niveles de presión selectiva. Igualmente, la existencia de varios factores de virulencia indica el peligro de propagación y la patogenicidad potencial hacia animales insectívoros. Estos descubrimientos resaltan la importancia de incluir insectos sinantrópicos en los programas de monitoreo de RAM. Esta investigación fue financiada por FONDECYT 11241097.

Chlamydia psittaci detection in *Amazona aestiva* nestlings recently seized from illegal wildlife trade in São Paulo, Brazil

Octávio Augusto Serra Santos | Cristina Harumi Adania | Marcelo da Silva Gomes | Tânia Freitas Raso

Ponente: Octávio Augusto Serra Santos, octavioserra@usp.br

RESUMEN: The illegal wildlife trade represents a threat to biodiversity and public health by placing animals in poor conditions and facilitating the spread of zoonotic infectious agents such as the *Chlamydia psittaci*. Among these animals, psittacine birds represent some of the most frequently trafficked species. Faced with this scenario, 164 nestlings of blue-fronted Amazon parrot (*Amazona aestiva*) were seized on a highway in São Paulo, Brazil. The animals were sent to a rehabilitation center, where they were kept in 31 boxes, with an average of five birds per box, according to their size and developmental stage of feathers. In the next 48 hours, cloacal swabs were collected from two birds per box, presenting a sample pool from each box. Just one nestling was observed with mild unilateral blepharitis, and a palpebral swab was also collected in this case. The sample pools were submitted to PCR in search of genetic material of *C. psittaci*. Samples from ten boxes were positive (10/31), including the sample from the bird with clinical sign. Free-living nestlings can be inapparent carriers of *C. psittaci*, however, stress conditions induced by trafficking may lead to increased bacterial shedding by birds, facilitating pathogen dissemination into the environment and the development of clinical signs of the disease. Nevertheless, clinical manifestation of chlamydiosis can be subtle and nonspecific, as in the case of the parrot with blepharitis, which was noticed by only one veterinarian. This situation highlights the importance of thorough physical examinations, screening laboratorial tests and isolation of birds presenting clinical signs. The introduction and management of animals from illegal trade into rehabilitation centers aiming for reintroduction into the wild must be conducted with caution. These animals, commonly immunosuppressed, may disseminate latent agents or become infected by pathogens present in the center, being a health risk to animals and professionals involved.

Predação por gatos domésticos em parque urbano: implicações para a biodiversidade e para a abordagem 'One Health'

Ana Luiza Almeida Carmo | Laryssa Henriques | Bernado Ordones | Ana Maria de O. Paschoal | Flávio Henrique G. Rodrigues | Tulaci Bhakti | Adriano P. Paglia | Vítor E. De Mendonça | Davi Vilaça Carvalho | Bruno Piotrovski Begha

Ponente: Ana Luiza Almeida Carmo, anacarmo@ecmvs.mest.ufmg.br

RESUMEN: O gato doméstico, *Felis catus* , é uma espécie exótica invasora com distribuição global que impacta negativamente a biodiversidade, especialmente em ecossistemas urbanos, onde as populações vivas não são subsidiadas por intervenções antrópicas, como alimentação suplementar, abandono e controle populacional ineficaz. Este estudo apresenta dados parciais que quantificam a pressão predatória da população de felinos residentes no Parque Municipal Américo Renné Giannetti (Belo Horizonte, Brasil). Entre novembro de 2024 e março de 2025, foram coletadas 150 amostras produzidas em latrinas, das quais 134 foram consideradas viáveis. As amostras foram analisadas segundo metodologia adaptada de Ferreira et al. (2014). Com base nas categorias morfológicas, foram identificados: pelos (n = 50), penas (10), ossos (10), dentes (5), exoesqueletos (11), unhas (4), material vegetal (32) e outros restos (4); 68 amostras não apresentam vestígios. Itens de origem animal foram registrados em 23,9% das amostras: aves (11,9%), invertebrados (8,2%) e mamíferos (3,7%), representando 23,5%, 16,2% e 7,4% das amostras, respectivamente. Também foram detectados itens de origem vegetal (23,9%) e antrópica (3,0%; ex.: plástico). A análise atual indica que o impacto na avifauna é especialmente relevante, considerando que o parque está inserido em uma densa matriz urbana e abriga uma rica diversidade de aves, com mais de 100 espécies registradas, incluindo migratórias, que contribuem para os serviços ecossistêmicos urbanos. Os mamíferos constituem o segundo grupo de vertebrados mais afetado, incluindo marsupiais, roedores domésticos e morcegos. Esses animais são desproporcionalmente importantes para a saúde por integrarem ciclos zoonóticos como o da raiva, que já foi registrado em morcegos no parque. A predação de morcegos por gatos, sugerida por dados dietéticos e estudos comportamentais adicionais, amplia a complexidade do risco desses eventos, exigindo abordagens integradas como o paradigma “Uma Só Saúde”.

First report of two close cases of poxvirus in porcupine (*Coendou spinosus*) in Caxias do Sul - Rio Grande do Sul, Brazil

Ticiana Zwarg | Gabriel Guerreiro Fiamenghi | Elaine Argenta Rodrigues | Alex J. S. de Souza | Nathana Beatriz Martins | Aline Santana da Hora | Lilian Rose Marques de Sá

Ponente: Lilian Rose Marques de Sá, liliansa@usp.br

RESUMEN: Poxvirus is an epitheliotropic virus that causes proliferative dermatitis on the skin of several classes of animals. The recently described Brazilian porcupine poxvirus (BPoPV) affects several species of porcupines, which suffer from disabling lesions on the snout, eyelids, genitals, ears, and other parts of the body. Lesions can progress to systemic poxvirus or sepsis, leading to death. Porcupine poxvirosis has been documented in Minas Gerais, Paraná, São Paulo, Santa Catarina, and Mato Grosso states in Brazil. The aim was to describe the poxvirus infection in porcupines in a new state of Brazil. In July 2023, an adult female porcupine (*Coendou spinosus*) was found in Caxias do Sul, Rio Grande do Sul, with marked skin lesions. Due to the poor prognosis, it was euthanized. Five months later, another adult porcupine, male, with similar lesions, was found close to 4 km from the first case's place. It was rescued and left at the animal health complex of the University of Caxias do Sul for clinical care, but it died shortly thereafter. Necropsies were performed on the same days as the deaths, and tissue fragments from both animals were collected and sent to pathological and molecular investigation. Microscopic analysis revealed hyperplastic dermatitis with inclusion bodies, myxedema, and fibrosis of the dermis associated with follicles and sebaceous glands necrosis. Molecular analyses confirmed BPoPV infection. Their geographic proximity pointed to a common source of infection in both cases and geographic spread. Local veterinarians should be alert and able to recognize the lesions of poxvirus infection. Epidemiological data suggest that the distribution of the virus may be reaching previously free areas, and it may be a concern for the conservation of porcupine populations.

Morfometria dos eritrócitos de elapídicos e viperídeos da fauna amazônica - estado do Acre

Giovanna Stramandinoli Correa Esteves | Jéssica Alves Marques | Isabele de Oliveira Souza | Pedro Henrique Rodrigues dos Santos | Jhonatan Henrique Lima da Rocha | Alexandro Teixeira Rodrigues | Wenderson Samuel Alves da Costa | Andesson de Souza Oliveira | Moisés Barbosa de Souza | Francisco Glauco de Araújo Santos

Ponente: Pedro Henrique Rodrigues dos Santos, pe919046@gmail.com

RESUMEN: As serpentes peçonhentas do Acre são das famílias Elapidae e Viperidae, com os gêneros *Bothrops* spp., *Lachesis* sp. e *Micrurus* spp., com importância médica pela produção do soro antiofídico e relevância ecológica. No Acre não há nenhum estudo hematológico em serpentes, por isso, o trabalho realizado possui como objetivo gerar valores morfométricos dos eritrócitos de serpentes peçonhentas desse Bioma Amazônico, identificando a média de seus tamanhos e discutindo sua importância na determinação do estado destas células, sendo possível classificar patologias hematológicas. Foram realizadas distensões sanguíneas com amostras coletadas de seis exemplares de vida livre provenientes do estado do Acre, sendo dois representantes de *Micrurus* spp., dois de *Lachesis* sp. e dois de *Bothrops* spp. As lâminas foram coradas utilizando a técnica de coloração panóptico rápido e observadas ao microscópio óptico, com objetiva 100X, em imersão. Para a morfometria, foi realizada a captura de imagens com o auxílio de uma câmera digital acoplada ao microscópio, e foi utilizado o software Las Ez®. Foi realizada a mensuração de 90 eritrócitos, e em cada espécime foram mensurados 5 eritrócitos por campo, em 3 campos, totalizando 15 eritrócitos por animal. Como resultado, verificou-se que os eritrócitos possuem uma média padrão no tamanho total de 148,05 µm² para *Micrurus* spp., 136,03 µm² para *Lachesis* sp. e 153,07 µm² para *Bothrops* spp. E a média dos núcleos foi 18,32 µm² para *Micrurus* spp., 24,05 µm² para *Lachesis* sp. e 26,83 µm² para *Bothrops* spp. Com os dados apresentados, conclui-se que a família Elapidae e Viperidae possuem medidas similares e necessitam de estudos futuros, que abordem um maior número amostral com padrões de significância.

Detecção molecular de *Leptospira* spp. em mamíferos silvestres mantidos em centro de reabilitação.

Katia Jaggi | Anna Luisa Pizzaia Henrique | Jaqueline Tamara Bonavina | Ana Beatriz Portes Gonçalves | Bruno Oliani de Risso | Mylena Oliveira Miranda | João Sérgio Lima Nunes | Mayara de Melo | Paolla Nicole Franco | Gabriel Correa de Camargo | Benedito Donizete Menozzi | Sheila Canevese Rahal | Helio Langoni | Victor Yunes Guimarães | Felipe Fornazari

Ponente: Katia Jaggi, katia.jaggi@unesp.br

RESUMEN: As bactérias do gênero Leptospira são as causadoras da leptospirose, uma zoonose de importância global. Diversas espécies de mamíferos podem atuar como reservatórios, liberando a bactéria de forma intermitente na urina, bem como apresentar quadros clínicos de gravidade variável. O presente estudo propôs investigar, por meio de provas moleculares, a ocorrência de Leptospira spp. em mamíferos silvestres de vida livre. Amostras de urina foram coletadas durante procedimentos ambulatoriais junto ao Centro de Medicina e Pesquisa em Animais Selvagens (CEMPAS) da Faculdade de Medicina Veterinária e Zootecnia (FMVZ), Universidade Estadual Paulista (UNESP), Botucatu, SP. As amostras foram inicialmente submetidas à extração de DNA e em seguida testadas pela reação em cadeia pela polimerase em tempo real (qPCR), empregando os primers Lep1 e Lep2 e utilizando o sistema SYBR®Green para detecção de fluorescência. Foram obtidas amostras de 61 animais distribuídos em 17 espécies: anta (*Tapirus terrestris*, n=1), cachorro-do-mato (*Cerdocyon thous*, n=10), capivara (*Hydrochoerus hydrochaeris*, n=1), furão (*Galictis cuja*, n=1), gato-do-mato-pequeno (*Leopardus guttulus*, n=2), irara (*Eira barbara*, n=1), lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*, n=3), macaco-prego (*Sapajus* spp., n=2), onça-parda (*Puma concolor*, n=5), ouriço-cacheiro (*Sphiggurus villosus*, n=3), quati (*Nasua nasua*, n=1), raposa-do-campo (*Lycalopex vetulus*, n=4), tapiti (*Sylvilagus brasiliensis*, n=1), tamanduá-bandeira (*Myrmecophaga tridactyla*, n=12), tamanduá-mirim (*Tamandua tetradactyla*, n=4), tatu-galinha (*Dasypus novemcinctus*, n=5) e veado-catingueiro (*Subulo gouazoubira*, n=5). Foram positivos 9 (14,7%) animais: dois tatus-galinha, dois veados-catingueiros, dois ouriços-cacheiros, um tamanduá-mirim, um macaco-prego e uma onça-parda. Os resultados indicam o estado de portador renal assintomático em nove indivíduos de seis espécies. Os resultados reforçam a importância do diagnóstico molecular deste patógeno em animais silvestres e a necessidade de monitoramento sanitário, bem como a importância do uso de equipamentos de proteção individual pelos profissionais que trabalham com animais silvestres.

A abordagem One Health em estudos com populações de capivaras (*Hydrochoerus hydrochaeris* Linnaeus, 1766) em áreas antropizadas de Mata Atlântica no Brasil

Silvia Gabriela Nunes da Silva Yang | Dênisson da Silva e Souza | Raizza Barros Sousa Silva | Pollyanne Raysa Fernandes de Oliveira | Iago José Santos da Silva | Pierre Castro Soares | Rinaldo Aparecido Mota | Márcia Almeida Melo | Severino Silvano dos Santos Higino | Marcelo Bahia Labruna | Mauricio Claudio Horta | Jaqueline Bianque de Oliveira

Ponente: Jaqueline Bianque de Oliveira, jaqueline.boliveira@ufrpe.br

RESUMEN: A degradação e perda de habitat têm resultado na presença de capivaras em áreas urbanas e rurais de várias regiões do Brasil. Por serem hospedeiros de múltiplos patógenos e utilizarem ecossistemas aquáticos e terrestres como áreas de vida, esses roedores podem fornecer informações importantes sobre a saúde desses ecossistemas e da biota associada, na perspectiva da abordagem de Saúde Única. Nesse sentido, amostras de fezes, sangue e pelos de 23 capivaras de três remanescentes de Mata Atlântica no estado de Pernambuco, foram utilizadas para a identificação de agentes infectoparasitários e determinação do perfil de minerais essenciais e tóxicos. As áreas apresentavam diferentes níveis de antropização e corpos d'água eutrofizados. Nos animais de todas as áreas: (1) foram identificados os parasitos gastrointestinais *Strongyloides chapini*, *Capillaria* sp., *Strongylida*, *Hippocrepis hippocrepis* e *Eimeria* sp. em associação com (2) infestações pelos carrapatos *Amblyomma dubitatum* e *A. sculptum*; (3) anticorpos *anti-Leptospira interrogans sorovar Icterohaemorrhagiae*, *anti-L. borgpetersenii sorovar Tarassovi* e anti-*Toxoplasma* gondii foram detectados e a (4) infecção por *Leishmania infantum* foi identificada molecularmente; (5) a infecção por *Rickettsia* spp. foi identificada nos animais (sorologia e PCR) e nos carrapatos (PCR). O perfil de nove minerais foi determinado, com destaque para elevadas concentrações de Fe, Cd e Al, que superam os limites preconizados pela legislação brasileira para esses minerais em ecossistemas límnicos, um risco não somente para a biota aquática, mas também para a saúde das pessoas que consomem pescado e a carne de capivara. Os agentes infectoparasitários identificados, zoonóticos e não zoonóticos, além das elevadas concentrações de minerais essenciais e tóxicos, denotam o comprometimento da saúde dos ecossistemas onde as capivaras habitam, além de um risco para a saúde de humanos e animais não humanos, na perspectiva da Saúde Única, o que deve ser considerado na formulação de políticas de saúde e conservação.

Avances en el Diseño y Aplicación de un Distintivo Ganadero para la Conservación de Ecosistemas y Fauna Silvestre en México

Roberto Ignacio Márquez Hernández | Francisco Galindo Maldonado | Angel Herrera Mares

Ponente:Roberto Ignacio Márquez Hernández rimarquez@fmvz.unam.mx

RESUMEN: La creación participativa de sistemas de evaluación de la sostenibilidad ganadera es clave para fomentar prácticas de producción amigables con la biodiversidad, especialmente en las regiones tropicales donde la ganadería ha ocasionado deforestación y pérdida de biodiversidad. Los sistemas silvopastoriles y otras prácticas agroforestales que combinan ganadería y manejo forestal ofrecen soluciones sostenibles, pero su éxito depende de desarrollar indicadores y criterios de sostenibilidad con la participación de productores, gobierno y academia. Estos sistemas de evaluación ayudarán a mejorar la resiliencia de los productores ante el cambio climático, restaurar el entorno ecológico y promover una ganadería más sostenible. El proyecto “Amigables con la biodiversidad”, financiado por el proyecto DGAPA PAPIIT-UNAM IG201124 busca reconocer a las familias campesinas que, mediante sus prácticas sostenibles, contribuyen a la restauración del hábitat y la conservación de la fauna y flora. En el primer año, se logró el avance en la creación de una Guía para la ganadería sostenible en la Península de Yucatán, conformando una red transdisciplinaria de 23 actores clave y consolidando un banco de 58 indicadores de sostenibilidad. A través de talleres participativos, se elaboró la primera versión de la Guía con criterios enfocados en la conservación del hábitat, el bienestar animal, la gestión de recursos naturales y la equidad social. Actualmente, se está llevando a cabo el pilotaje en 12 Unidades de Producción Bovina para evaluar la viabilidad de los indicadores. Este proyecto busca incentivar la adopción de prácticas sostenibles que contribuyan a la restauración ecológica y conservación a escala de paisaje, impactando en la biodiversidad, la prevención de enfermedades zoonóticas y pandemias, y la resiliencia al cambio climático. A largo plazo, se busca asegurar el bienestar animal, aumentar la eficiencia en la producción y generar nuevos empleos y mercados, avanzando hacia una ganadería responsable con los ecosistemas y la biodiversidad.

Landscape, Abiotic, and Host-Related Drivers of Ectoparasitism in Wild Rodents from Southern Chile

Mackarena Coronado-Leiva | Lucila Moreno | Javiera Cuevas | Camilo Salazar-Silva | Sebastián Muñoz-Leal | Claudio Verdugo | Gerardo Acosta-Jamett

Ponente: Mackarena Coronado-Leiva, mackarenacoronadoleiva@gmail.com

RESUMEN: Rodent-associated ectoparasites, such as fleas and ticks, are key vectors of zoonotic diseases and potential reservoirs of medically relevant pathogens. In the context of global change, understanding how habitat fragmentation, abiotic conditions, and host traits shape infestation patterns is critical to predict disease risks. This is particularly relevant in fragmented ecosystems, such as southern Chile, a region once dominated by temperate forests that has undergone constant land-use transformations over the past century, resulting in a mosaic of habitats with varying degrees of fragmentation. Fieldwork was conducted at 100 randomly selected and previously surveyed forested sites in the Los Ríos and Los Lagos regions, where 860 rodents were live-trapped, assessed for ectoparasites, and measured for host traits. These rodents belonged to 11 species: *Abrothrix hirta, A. manni, A. olivacea, A. sanborni, Geoxus valdivianus, Irenomys tarsalis, Loxodontomys micropus, Mus musculus, Oligoryzomys longicaudatus, Rattus norvegicus, and R. rattus*. Buffer areas were created to evaluate potential abiotic and landscape drivers retrieved from historical and satellite-derived land-use data, and Principal Component Analysis (PCA) was applied to reduce dimensionality. Generalized Linear Mixed Models (GLMMs) were applied to assess the effects of landscape, abiotic, and host factors on ectoparasite load and richness. Fleas from nine genera were recorded: *Sphinctopsylla, Ctenoparia, Tetrapsyllus, Neotyphloceras, Chiliopsylla, Plocopsylla, Nosopsyllus, Ctenocephalides*, and *Barreropsylla*; while ticks belonged to the genus Ixodes. This study, funded by the Chilean National Agency for Research and Development (ANID) through Research Ring Project ATE220062, enhances our understanding of ectoparasite dynamics in forest ecosystems and provides tools for future research on zoonotic disease risk in changing landscapes.

Infecção por *Streptococcus didelphis* em gambás de vida livre na cidade de São Paulo

Manuela Costa de Lima Borges | Eduardo Ferreira Machado | Maria Catalina Ospina-Pinto | Mayra Hespanol Frediani | Thaís Caroline Sanches | Ticiana Zwarg | Luana Rivas | José Luiz Catão Dias | Juliana Mariotti Guerra | Natália Coelho Couto de Azevedo Fernandes

Ponente: Manuela Costa de Lima Borges, manuelacosta.lima@gmail.com

RESUMEN: *Streptococcus didelphis* é uma bactéria cocoide gram-positiva identificada recentemente que foi detectada em gambás (Didelphis sp.), mamíferos marsupiais com caráter sinantrópico. Estudos sobre S. didelphis são escassos, mas relatos descrevem morte súbita e processos sépticos, com identificação de genes de resistência antimicrobiana. O objetivo deste trabalho é caracterizar, por técnicas histopatológicas e moleculares, quadros sépticos de S. didelphis em casos selecionados de um programa de vigilância passiva em gambás, conduzido pelo Instituto Adolfo Lutz. Amostras de órgãos fixados em formol e de fígado congelado de seis gambás foram coletadas por um Centro de Triagem de Animais Silvestres. Dentre os casos avaliados, houve um predomínio de machos 83% (5/6), gambás-de-orelha-preta (*D. aurita*) 83% (5/6) e filhotes ou juvenis 66% (4/6). Achados macroscópicos incluíram lesões em pele 66% (4/6), edema subcutâneo e lesões pulmonares, ambas em 50% (3/6) dos indivíduos. Análises histológicas detectaram presença de bactérias cocos gram-positivas em rim e fígado 66% (4/6), seguida por adrenal 50% (3/6), pulmão, coração e baço 33% (2/6), e pele 16% (1/6) e processo inflamatório misto associado. Identificação por PCR e sequenciamento em amostras congeladas de fígado dos indivíduos. Em dois casos, houve coinfecção com bactérias cocos gram-negativas. As doenças infecciosas têm sido associadas a declínios populacionais na fauna silvestre. O estudo epidemiológico e patológico destas enfermidades na vida selvagem é limitado, apesar da sua importância para a conservação das espécies. Bactérias do gênero *Streptococcus* têm relevância em saúde pública, listadas como patógenos prioritários pela Organização Mundial da Saúde. A gravidade e caráter sistêmico da infecção por *S. didelphis* descrita neste estudo sugerem que este é um patógeno de importância ecológica para a população de gambás.

Combatendo invasores: contribuições para um protocolo de esterilização de saguis (*Callithrix* sp.)

Larissa Vaccarini Ávila | Isabela Normando Mascarenhas | Fabiano Rodrigues de Melo | Leandro Jerusalinsky | Fabiana Voorwald

Ponente: Larissa Vaccarini Ávila, larissavaccarini@gmail.com

RESUMEN: Espécies invasoras de *Callithrix* (como *C. jacchus* e *C. penicillata*) afetam a biodiversidade nativa, exigindo estratégias de controle como esterilização cirúrgica para evitar reprodução e hibridação. Este estudo busca otimizar os protocolos de esterilização, comparando técnicas anestésicas e cirúrgicas para garantir segurança, eficiência e rápida recuperação, alinhados às diretrizes brasileiras de conservação. Três protocolos (A, B e C) foram testados em 30 saguis híbridos capturados na UFV, para comparação de técnicas de esterilização cirúrgica (deferentectomia/salpingectomia), anestésicos e manejo pós-operatório, garantindo custo, segurança e eficácia. Cada protocolo varia em pré-operatório (jejum, suplementação), anestesia (MPA/isoflurano/sevoflurano), técnica cirúrgica (tamanho da incisão, materiais de sutura) e pós-operatório (analgesia, antibióticos), com custo, segurança e tempo de recuperação garantidos. Os animais são monitorados por 7 dias (avaliação duplo-cega de complicações) e liberados fora do centro de captura após alta médica. Os resultados mostram que o protocolo C foi mais econômico (R$ 54,95/animal) com menos complicações pós-cirúrgicas, portanto com recuperação mais lenta; o B destaca o seguro pré-operatório; e todos os parâmetros fisiológicos são mantidos sem diferenças no tempo cirúrgico. Conclui-se que o protocolo C é ideal para ações de larga escala, pois uma abordagem híbrida combinando os pontos fortes de cada protocolo (C economia, B segurança e A eficiência) pode oferecer a melhor solução para o controle populacional dessas espécies invasoras, alinhada aos diretórios de conservação de espécies ameaçadas de extinção do PAN PPMA/ICMBio.

Anemia transitoria en un *Choloepus hoffmanni* en un centro de rescate en Costa Rica

Janet Sandi Carmiol

Ponente: Janet Sandi, janetsc@gmail.com

RESUMEN: En los centros de rescate en Costa Rica, una de las principales causas de ingreso de perezosos son los neonatos huérfanos por diferentes causas, algunas bien definidas, otras desconocidas. Existen programas de rehabilitación para estos animales y este periodo de crecimiento y adaptación, se ha convertido en un reto para los veterinarios a cargo por los desafíos que esto involucra. En este caso, hablamos de las anemias como una enfermedad que no ha sido diagnosticada tan frecuentemente en la especie por lo asintomática que puede llegar a ser, considerando que el comportamiento y el gasto energético en la especie es muy bajo, no es común que se reporten los síntomas clásicos de una anemia. Este caso trata de un perezoso que durante su rehabilitación presentó una anemia de origen desconocido. Se realizaron hemogramas, quimicas sanguineas, pruebas diagnósticas (*Histoplasma*, *leishmania*, distemper) y un TAC en busca de una causa para la anemia y al no encontrar ningun proceso infeccioso o inflamatorio como posible causa se hizo un tratamiento enfocado a procesos autoinmunes utilizando Prednisolona 4 mg/kg SID y suplementando hierro 5 mg/kg semanal en busca de un diagnóstico terapéutico. Se instauró el tratamiento de manera experimental, a dosis extrapoladas de otras especies y hubo una respuesta inmediata, pero una recaída también inmediata en el momento en que se daba la reducción progresiva de la dosis. La respuesta finalmente fue positiva al tratamiento en un periodo de 38 dias, y el animal logró mantener parámetros hematológicos dentro de los rangos normales. No se tiene claro cuál fue el factor desencadenante, sin embargo, han habido muchos casos más de anemias después de este en el sitio de manejo, por lo que es una patología que ahora consideramos común y nos mantenemos en constante vigilancia en busca de posibles causas.

Diagnóstico molecular de *Leptospira* spp. em roedores de um canil municipal e de um centro de triagem de animais silvestres

Anna Luisa Pizzaia Henrique | Fernanda Alves Fiorani | Juliano Nóbrega | Isabela Rodrigues da Silva | Mariana Sampaio Pinto | Amanda Thaís Palombarini de Oliveira | Anelise Salina | Benedito Donizete Menozzi | Melissa Hanzen Pinna | Lucas Nogueira Paz | Helio Langoni | Luiz Gustavo Bentim Góes | Fábio Sossai Possebon | Felipe Fornazari

Ponente: Anna Luisa Pizzaia Henrique, anna.pizzaia@unesp.br

RESUMEN: A leptospirose é uma doença zoonótica bacteriana, que se faz presente em regiões tropicais, principalmente em áreas de pouco saneamento básico e baixas condições sanitárias. O presente estudo, aprovado pelo comitê de ética da instituição sede (Protocolo CEUA 0294/2023), teve como objetivo realizar o diagnóstico molecular de *Leptospira* spp. em roedores sinantrópicos – os principais responsáveis pela manutenção da Leptospira spp. no ambiente – em instituições que abrigam animais domésticos e selvagens. Foi realizado um esforço amostral de 185 armadilhas-noite em um centro de triagem de animais selvagens e 106 armadilhas-noite em um canil do município de Botucatu, SP. Os roedores capturados foram submetidos à eutanásia e à necropsia. Amostras de rim foram coletadas e submetidas à reação em cadeia pela polimerase em tempo real (qPCR). Não foram capturados roedores no canil, enquanto que no centro de triagem foram capturados 18 indivíduos (15 *Rattus rattus* e três *Mus musculus*). Foram positivos 9 (50%) animais, sendo 8 *R. rattus* e um *M. musculus*. Os resultados indicam uma elevada prevalência de roedores infectados por *Leptospira* spp. em uma das instituições investigadas. O Rattus rattus é a segunda espécie de maior importância como carreadora de leptospiras, sendo o Rattus norvegicus o reservatório de maior relevância no mundo. Os roedores capturados em nosso estudo certamente são atraídos pela grande oferta de alimento encontrada no centro de triagem, uma vez que os animais selvagens – principalmente as aves – espalham diariamente restos alimentares no solo. Os resultados indicam uma situação de alerta para leptospirose, ressaltando a importância do monitoramento desta zoonose em centros de reabilitação e de manejo de animais silvestres, visando prevenir a disseminação do patógeno em populações de vida livre.

Meningite em filhote de Lobo-Guará (*Chrysocyon brachyurus*) vitimado por atividade agrícola

Nelson Dias Lucas | Gabriel Holtz Leme de Almeida | Isabella Paixão Neia Teixeira | Domitila Ataide do Nascimento | Alessandra da Cruz | Anderson Luiz de Carvalho

Ponente: Cristiane Maria Montilho, cristianemontilho.mv@gmail.com

RESUMEN: O lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) é o maior canídeo da América do Sul, apesar de sua ampla distribuição geográfica, a espécie está listada entre as ameaçadas de extinção no Brasil e classificada como quase ameaçada pela IUCN. O presente trabalho tem como objetivo relatar um caso de meningite em um filhote de lobo-guará, vítima de atividade agrícola, e discutir as políticas de proteção e conservação da espécie no estado do Paraná, Brasil. O animal em questão foi encaminhado para atendimento em uma universidade localizada na região oeste do Paraná, após ser atingido por uma colheitadeira de arroz, junto a outros quatro filhotes, na região noroeste do estado. Sendo o único sobrevivente da ninhada, apresentava sinais clínicos de onfalite e pneumonia. Apesar dos cuidados veterinários, o filhote não apresentou evolução clínica favorável e foi a óbito após duas semanas. O exame anatomopatológico revelou um quadro de meningite supurativa, possivelmente secundária à infecção pulmonar. Em julho de 2024, estimava-se uma população de aproximadamente 14 mil lobos-guarás no Brasil, o principal fator de ameaça à sua conservação é a redução drástica dos habitats naturais adequados à manutenção de populações viáveis. Esse impacto é agravado pela intensa conversão dessas áreas em campos agrícolas e pastagens. O Plano de Ação Nacional para a Conservação do Lobo-Guará foi instituído em 2006 com o objetivo de reverter o declínio populacional da espécie em sua área de ocorrência, sendo encerrado em 2016. Atualmente, as ações voltadas à conservação do lobo-guará integram o Plano de Ação Nacional para a Conservação dos Canídeos Silvestres. O presente relato de caso evidencia o impacto da atividade agrícola sobre a fauna silvestre, ao documentar um acidente que vitimou cinco filhotes de lobo-guará. A situação ressalta a urgência de políticas públicas eficazes e contínuas para a conservação da espécie.

Linfoma em *Callithrix kuhlii* e a Potencial Ligação com o Uso de Agrotóxicos no sul da Bahia

Ana Vitória Dias do Nascimento | Danilo Simonini Teixeira | Victor Ângelo Folgosi | Jorge Casseb | Antonio Victor Veloso Ramos | André Santos | Marcelo Soares | Júlia Viana

Ponente: Ana Vitória Dias do Nascimento, avdnascimento.ppgca@uesc.br

RESUMEN: A expansão da agricultura intensiva impõe desafios aos ecossistemas, expondo a fauna silvestre a diversos contaminantes. Nesse contexto, este trabalho relata o diagnóstico de linfoma em uma fêmea adulta de *Callithrix kuhli*i (Sagui-de-Wied) encontrada em Una, Bahia. A necropsia revelou linfonodos inguinais aumentados e congestão pulmonar, confirmado por histopatologia como linfoma, embora devido à autólise avançada, não foi possível determinar o tipo de linfoma (de células T ou B). Adicionalmente, observaram-se infiltrado inflamatório em fígado, pulmão, rins e áreas de gliose no encéfalo. A relevância deste achado reside na crescente observação de alteração sanguínea atípica em *Leontopithecus chrysomelas* (Mico-leão-da-cara-dourada) e *C. kuhlii*, as chamadas "*flower cell*s", associadas a distúrbios linfoproliferativos. Para investigar a etiologia dessas células, foram realizadas análises toxicológicas em amostras de pelo de L. chrysomelas que coabitam o mesmo ambiente que os saguis, sugerindo que estes podem apresentar exposições semelhantes. Os resultados revelaram níveis preocupantes de chumbo (52.72 ± 9.90) e alumínio (94.9 ± 8.76), sendo que qualquer nível desses elementos é considerado tóxico. Em seres humanos, as *flower cells* são classicamente encontradas em casos de linfoma/leucemia de células T, frequentemente associados ao vírus linfotrópico de células T humanas (HTLV). Para testar uma possível correlação viral em primatas, amostras de soro dos micos foram submetidas a testes de ELISA, *Western blot* e PCR para detecção do vírus, todavia os resultados foram negativos. Diante desses achados, a hipótese levantada é que a exposição crônica a contaminantes ambientais, provenientes da agricultura intensiva local, pode estar ligada ao desenvolvimento dessas alterações e do linfoma no espécime de *C. kuhlii*. Este estudo enfatiza a hipótese ambiental como uma possibilidade a ser explorada em futuras investigações sobre a saúde da fauna e a degradação ambiental.

Detecção imuno-histoquímica de mioglobinúria renal em primatas de vida livre: estudo preliminar sobre os impactos das ações antrópicas

Guilherme Martins de Sousa | Jamile Macedo Garcia | Eduardo Ferreira Machado | Marina Frota de Albuquerque Landi | Rodrigo Albergaria Ressio | Cinthya Cirqueira Borges | Juliana Mariotti Guerra | Natália Coelho Couto de Azevedo Fernandes

Ponente: Guilherme Martins de Sousa, g.03.martins@gmail.com

RESUMEN: Mortes por trauma em animais silvestres podem ser causadas por diferentes tipos de energia, incluindo a energia mecânica e elétrica, seja ela de origem natural ou antrópica. Este estudo preliminar tem como objetivo relatar nove casos de primatas de vida livre no estado de São Paulo que foram necropsiados, com os órgãos encaminhados ao Centro de Patologia do Instituto Adolfo Lutz, sob suspeita de eletroplessão e atropelamento. Foram incluídos seis *Alouatta* sp., um macho filhote, um macho juvenil, dois machos adultos, uma fêmea adulta e uma fêmea senil; dois *Callithrix* sp., um macho adulto e uma fêmea adulta; e um *Sapajus* sp. adulto. A microscopia revelou, nos rins, glomerulonefrite membrano-proliferativa (33,3%), nefrite túbulo-intersticial (44,4%), necrose tubular aguda (55,5%), e proteinose tubular (77,7%) e glomerular (33,3%). Em todos os casos foi identificada mioglobinúria renal por meio de exame imuno-histoquímico, com marcação, em células tubulares ou intratubulares, em material proteináceo. Foi utilizado tecido muscular esquelético para controle positivo, e lâminas dos casos com omissão da etapa de aplicação do anticorpo para controle negativo. Traumas contundentes e choques elétricos estão entre as principais ameaças à fauna de primatas silvestres no Brasil . Lesões ao tecido muscular liberam grandes quantidades de mioglobina na corrente sanguínea, a qual é filtrada pelos glomérulos e se deposita nos túbulos renais, promovendo toxicidade significativa. Todos os animais analisados apresentaram evidências de mioglobinúria renal associada a traumas de distintas naturezas e intensidades, resultantes de ações antrópicas indiretas que levaram à lesão muscular ante mortem. Futuramente, pretende-se expandir a casuística para avaliar a frequência da mioglobinúria, que pode influenciar no prognóstico e terapêutica dos sobreviventes, contribuindo para estratégias de conservação da fauna silvestre em um contexto cada vez mais impactado pelo antropoceno.

Lesions Found in the Northern White-Breasted Hedgehog (*Erinaceus roumanicus*): A Comprehensive Pathological Study

Elvira Gagniuc | Alexandru-Ioan Antone | Oana Cristiana Vasiliu | George Nicolae | Mariana Ioniță

Ponente:Alexandru-Ioan Antone, su24353w@st.omu.ac.jp

RESUMEN: The Northern White-Breasted hedgehog (*Erinaceus roumanicus*) is a nocturnal mammal found in Eurasia, including Romania. While studies on the Western European hedgehog (*Erinaceus europaeus*) are abundant, there is limited information on the pathological changes in *E. roumanicus*. Here we describe the macroscopic and microscopic lesions observed during post-mortem examinations of *E. roumanicus*, contributing to our understanding of hedgehog diseases. Materials and Methods: Nine adult specimens, originating from different regions of Romania, were examined. Post-mortem examinations were performed. Following gross examination of each organ, samples from representative areas were collected, fixed in 10% formalin, routinely paraffin embedded, sectioned and stained with hematoxylin-eosin. Parasite identification was made based on morphological features during necropsy. Results: On gross examination, ectoparasites (*Ixodidae* Family) were identified in two individuals. Neither individual showed lesions characteristic of tick-borne diseases. All animals had pulmonary congestion, pulmonary oedema and massive parasitic infestation with nematodes (*Capillaria erinacei*, *Crenosoma striatum*). In the intestine, catarrhal and haemorrhagic enteritis and massive cestode infestation (*Hymenolepis erinacei*) were observed. Histologically, all individuals displayed pulmonary edema, vasculitis, and diffuse bronchointerstitial pneumonia attributed to parasitic activity. Severe inflammatory changes were noted in the intestine, characterized by eosinophilic infiltrates and, at times, with numerous epithelioid and foreign body multinucleated giant cells (granulomatous inflammation). Inflammatory infiltrates were identified in the heart, kidney, and liver, alongside lymph node lymphocyte depletion. Conclusions: All examined individuals of *E. roumanicus* species showed, both macroscopically and microscopically, severe pulmonary and digestive inflammatory lesions, primarily caused by endoparasite infestation. As it secondarily caused dysfunction and multisystem failure, parasitism plays a significant part in patient prognosis. Moreover, the presence of inflammatory cells in other systems and lymphocytic depletion may suggest a concomitant bacterial or viral infection. Understanding hedgehog diseases and their pathological manifestations is crucial for their conservation and management.

Saúde e biodiversidade: análise das interações em parques urbanos de Belo Horizonte, Minas Gerais

Sarah Cristiano da Silva | Patrícia Rodrigues Dias | Anderson Gomes Costa | Maria Eduarda Souza Campos | Ana Luiza Dias de Oliveira | Lucas Belchior Souza de Oliveira

Ponente:Sarah Cristiano da Silva, sarahcristiano30@gmail.com

RESUMEN:A rápida urbanização de Belo Horizonte tem causado impactos significativos nos ecossistemas locais, resultando na redução do habitat da fauna silvestre, gerando impactos nas relações humano-animal. Este resumo visa identificar os conflitos nesta interação em parques urbanos de Belo Horizonte, Minas Gerais. Foram aplicados questionários aos visitantes de três parques, em diferentes extratos urbanos, com foco em zoonoses, interações com a fauna e relações com o parque. Todos os respondentes assinaram um Termo de Consentimento. A análise da relação entre variáveis foi realizada por meio de testes de Regressão Logística, com 296 participantes, sendo 61% do sexo feminino. Em todos os parques, mais mulheres observaram répteis ($p < 0.05$). Os répteis foram mais comuns em áreas periféricas, enquanto mamíferos foram frequentemente observados em bairros nobres ($p < 0.05$). Observou-se que 80,9% dos participantes desconheciam a fauna sinantrópica. Apesar de 61% afirmarem conhecer zoonoses, apenas 31% conseguiram exemplificar corretamente. Além disso, 15% dos visitantes relataram que tentariam manejar animais feridos, o que representa um risco à saúde. Quanto à leitura de placas informativas, 49,5% dos participantes afirmaram lê-las, e 33% quase sempre. No entanto, todas as idades opinaram que os parques têm pouco impacto na proteção dos animais ($p < 0.001$). As idades de 18 a 24 anos e de 45 a 64 anos mostraram interesse significativo em compreender os resultados da pesquisa ($p < 0.05$). Os resultados da pesquisa evidenciam a necessidade de estratégias efetivas de sensibilização sobre a fauna silvestre, especialmente em um contexto de urbanização acelerada, zoonoses e a biodiversidade local para minimizar os conflitos observados. Além disso, iniciativas que promovam a interação segura e responsável com a fauna podem contribuir para a saúde única e a conservação dos ecossistemas urbanos.

Banco de referência tricológica para monitoramento de patógenos

Bernardo Ordones Neto Martins Da Costa

Ponente: Bernardo Ordones Neto Martins Da Costa, bernardo.ordones@hotmail.com

RESUMEN: A análise tricológica de vestígios presentes em amostras fecais de predadores é uma ferramenta valiosa para identificar presas, compreender interações tróficas e monitorar a circulação de patógenos na cadeia alimentar. Este estudo integra um projeto mais amplo que avalia a dieta de gatos domésticos (*Felis catus*) no Parque Municipal Américo Renné Giannetti (Belo Horizonte, Brasil), considerando os desafios da coexistência fauna-homem em paisagens urbanas do Antropoceno, onde espécies invasoras alteram dinâmicas ecológicas e epidemiológicas. Esta etapa visa estabelecer um banco de referência fotográfica e descritiva da morfologia cuticular e medular de pelos de mamíferos de importância ecológica e sanitária registrados no parque. Foram obtidas amostras da coleção científica do Laboratório de Evolução de Mamíferos da Universidade Federal de Minas Gerais. As lâminas foram preparadas conforme metodologia adaptada de Quadros & Monteiro-Filho (2006) e Miranda et al. (2014), utilizando esmalte transparente para impressão cuticular e água oxigenada como descolorante da medula, visualizando ambos em microscopia óptica. Como resultado, descrevemos os padrões cuticulares e medulares de nove espécies: *Felis catus*, *Didelphis albiventris*, *Artibeus lituratus*, *Lasiurus sp*., *Eptesicus sp*., *Mus musculus*, *Rattus rattus, Rattus norvegicus* e a descrição inédita de Callithrix penicillata (cutícula: mosaico; medula: uniseriada literacea). A partir desses dados a próxima etapa será a comparação com as descrições feitas dos pelos encontrados nas fezes e publicação das correlações. A aplicação desta metodologia é especialmente relevante no contexto do parque, onde foram registrados casos positivos de raiva em morcegos e há uma colônia populosa de gatos domésticos, potenciais predadores desses quirópteros. Assim, os padrões observados fornecem subsídios para a formulação de um banco de dados gratuito para identificação de pelos obtidos em amostras fecais e assim fortalecer estratégias integradas de vigilância epidemiológica e conservação da biodiversidade urbana, alinhadas ao paradigma “Uma Só Saúde”.

Reporte de diversos estudios de caso que revelan elevada incidencia de mutaciones en *Choloepus hoffmanni* en Costa Rica

Andrés Sáenz Bräutigam

Ponente: Andrés Sáenz Bräutigam, vet@toucanrescueranch.org

RESUMEN: La población de perezosos del género *Choloepus* en Costa Rica parece presentar características demográficas que lo diferencian de otras poblaciones de la misma especie en el resto de su rango. En Costa Rica la especie parece presentarse en altas concentraciones y muy frecuentemente asociada a ambientes urbanos. Al carecer de depredadores naturales en estas zonas y al fomentarse su supervivencia mediante el uso de flora invasivas se genera la hipotesis de que estas situaciones demográficas inusuales pueden potencialmente contribuir a la mayor incidencia de reproducción entre animales relacionados y por tanto mutaciones. En el presente trabajo se presentan tres reportes de caso sobre animales que llegan a un centro de rescate en condición de abandono parental, sus diversas teratosis, incluyendo alteraciones observadas in vivo y postmortem como leucismo, la presencia de bullas pulmonares congénitas y persistencia de 4to arco aórtico y el potencial efecto que pueden llegar a tener las mismas en la población al incluir estos animales en programas de liberación a la naturaleza, por la alta incidencia de recepcion de esta especie en centros de rescate en Costa Rica, frecuentemente de animales que fueron abandonados por sus madres, y las potenciales consecuencias al introducir mutaciones negativas de vuelta a las poblaciones silvestres. El trabajo se centra en estas teratosis debido a su reconocido estado como mutaciones congenitas en otras especies, pero se hace incapie en las avenidas de investigacion que podrian mostrar otras causas como exposicion a agroquimicos o incluso estudios que reflejan la capacidad elevada de los perezosos de sobrevevir con mutaciones.

Perspectivas educativas y éticas en torno a la tenencia de animales Silvestres: Un Estudio de Percepción y Análisis de la formación académica de Estudiantes Mexicanos de Veterinaria

Jazmín Rocío Hernández Hernández | Daniela Regina Torres García | Ángel Eduardo Herrera Mares | Roberto Ignacio Márquez Hernández

Ponente:Jazmín Rocío Hernández Hernández, jazminrocio25@gmail.com | rimarquez@fmvz.unam.mx

RESUMEN: Prácticas humanas, como tráfico ilegal de fauna y destrucción de hábitats, tienen un impacto ecológico y consecuencias en la salud de los animales silvestres, incrementando su vulnerabilidad a enfermedades y la propagación de zoonosis. El médico veterinario se involucra en el diagnóstico de enfermedades pero también en la investigación de ecología de enfermedades, para establecer protocolos de vigilancia epidemiológica, así como en la educación sobre conservación de especies, y en generación de evidencia para la toma de decisiones en políticas públicas. Es por eso que su formación en la carrera es esencial para mitigar problemas en salud animal, ambiental y humana . En años recientes, ha aumentado la tenencia de estos animales como mascotas. Este estudio analizó percepciones de estudiantes mexicanos de Medicina Veterinaria sobre esta práctica, así como identificar fortalezas y áreas de mejora en su formación académica. En 2025 se aplicó una encuesta de 38 preguntas a 123 estudiantes de veterinaria de la UNAM en Ciudad de México. La mayoría mujeres (77.2%), entre 18 y 37 años, residentes de zonas urbanas. El 71 % reportó haber tenido un animal no convencional, principalmente reptiles, gran porcentaje provenientes de mercados. El 35% consideró ética su tenencia en condiciones legales y de bienestar, el 48 % no la recomendaría por riesgos sanitarios y de bienestar. El 78 % señaló las redes sociales como principal incentivo para adquirir fauna silvestre. Respecto a su formación, el 44 % identificó deficiencias en contenidos relacionados con fauna silvestre.El 43 % expresó interés profesional en este campo. Actualmente, solo 4 de las 139 asignaturas del plan de estudios abordan esta temática de forma obligatoria. Concluimos que la escasa formación en dicho campo representa una oportunidad crítica para rediseñar el currículo, considerando los riesgos ecosistémicos y de salud animal y humana donde los veterinarios tienen injerencia.

Tracking Wildlife Health through Roadkill: Pathogen Surveillance in Wild Canids and Felids along Fragmented Landscapes in São Paulo, Brazil

Arthur Campoi Peluco | Nathana Beatriz Martins | Camylla Silva Pereira | Herbert Sousa Soares | Paulo Victor Gonçalves Sousa | Fernanda Delborgo Abra | Paula Ribeiro Prist | Aline Santana da Hora

Ponente: Aline Santana da Hora, alinedahora@ufu.br

RESUMEN: Pathogen surveillance in road-killed wildlife can provide valuable insights into the health status of free-ranging populations, particularly in fragmented habitats near highways. This study investigated the molecular occurrence of selected viral and bacterial pathogens in wild canids and felids collected along three highways under the Auto Raposo Tavares Concessionaire (CART) management, covering 384 km in São Paulo State, Brazil. Sampling occurred between November 2021 and September 2024 along SP-225 (km 235–318), SP-327 (km 01–32), and SP-270 (km 383–653), in the stretch connecting the cities of Bauru and Presidente Epitácio. A total of 22 canids (*Cerdocyon thous*, n=15; *Chrysocyon brachyurus*, n=2; *Lycalopex vetulus*, n=4; *Lycalopex* sp., n=1) and seven felids (*Puma concolor*, n=2; *Leopardus guttulus*, n=2; *Leopardus pardalis*, n=2; *Herpailurus yagouaroundi*, n=1) were analyzed. Spleen, liver, lung, or whole blood samples were tested by qPCR and RT-qPCR for canine distemper virus (CDV), carnivore *parvovirus*, *Bartonella* spp., and hemotropic mycoplasmas. Canids were also tested for canine adenovirus, and felids for feline immunodeficiency virus (FIV) and feline leukemia virus (FeLV). Among viral pathogens, CDV was detected in 26.7% (n=4/15) of the *C. thous* individuals, with two cases confirmed by partial sequencing of the L gene of paramyxoviruses. CDV is a multihost pathogen capable of causing high mortality in species from different taxonomic families and has been associated with neurological impairment and increased risk of road mortality in wild carnivores. *Mycoplasma haemofelis*—a known agent of hemolytic anemia in domestic cats—was detected in one *L. guttulus*, underscoring the need for further investigation in wild felids. These findings highlight the importance of incorporating roadkill-based sampling into wildlife health monitoring. These findings support the use of road-killed animals as sentinels for infectious disease surveillance and highlight the importance of incorporating passive sampling into wildlife health monitoring programs in fragmented landscapes.

Antibiotic resistance genes of public health relevance in wild ungulates of Andalusia, southern Spain.

Ana Carolina Ewbank | Carlos Sacristán | Irene Sacristán | Sandra López | Pablo Ibañez-Porras | Leonor N. Camacho Sillero | Félix Gómez-Guillamón Manrique | Ventura Talavera Navarrete | Ana de la Torre

Ponente: Ana Carolina Ewbank, ewbank@inia.csic.es

RESUMEN: The World Health Organization classified antimicrobial resistance (AMR) as one of the top three priority health threats. Wild ungulates share habitats with extensive livestock, humans, and crop fields – scenarios under antibiotic pressure. We hypothesized that wild ungulates could be AMR ecosystem pollution indicators. Our goal was to identify resistance genes against antibiotics (ARG), heavy metals and biocides, and mobile genetic elements (MGEs), previously described in local livestock and environmental samples. Fecal samples from wild boar (*Sus scrofa*, n=24), red deer (*Cervus elaphus*, n=9) and fallow deer (*Dama dama*, n=6) of Andalusia, Spain, were analyzed using SmartChip PCR for 23 genes against: beta-lactams, macrolide-lincosamide-streptogramin B, phenicol, quinolone, sulfonamide, tetracycline, vancomycin, and polymyxins, heavy metals (*copA*, *czcA*, *merA*), biocide (*qac*), and MGEs (IncF-FIC and IncI1 plasmids, class 1 integron). The 16S rRNA gene was quantified for quality control. ARGs and multidrug-resistance were detected in all individuals (100%, 39/39). The most relevant results were the detection of: (I) ARGs against vancomycin (*vanA*) and beta-lactams (*blaCTX*) in all red and fallow deer, and in wild boar (95.83%, [23/24] and 91.67% [22/24]), and to polymyxin (*mcr-1*) in red (88.89%, 8/9) and fallow deer (83.33%, 5/6); (II) *copA* in all red and fallow deer, and wild boar (95.83%; 23/24); and (III) *IncI1_repl1* in all red and fallow deer, and wild boar (91.67%; 22/24). All samples were biocide-negative. Beta-lactams, vancomycin, and polymyxins are last-resort hospital treatments against multidrug-resistant bacterial infections. Copper resistance (*copA*) can co-select ARGs, and *IncI1* are known to carry resistance genes. Next, we will perform spatial analysis to assess potential exposure to anthropogenic sources within these species' home ranges. We highlight the potential of ungulates as local indicators of AMR environmental contamination, and suggest target genes to monitor AMR environmental pollution in public health programs within the human-animal-environment interface.

Presença de riquétsia do Grupo Febre Maculosa e diferenças no parasitismo por carrapatos em aves de Floresta Atlântica e restinga do Estado do Rio de Janeiro

Mariah O. M. Vecchi | Gilberto S. Gazeta | Ingrid B. Machado | Karla Bitencourth | Maria Alice S. Alves

Ponente: Mariah O. M. Vecchi, mariahvec@yahoo.com.br

RESUMEN: A febre maculosa é uma zoonose causada por bactérias do gênero *Rickettsia*. Seu ciclo epidêmico está relacionado aos carrapatos que podem atuar como vetores e reservatórios, enquanto aves destacam-se no cenário ecoepidemiológico por seu potencial envolvimento no ciclo enzoótico e formação de novos focos. Examinamos aves de 40 espécies (de 13 famílias e quatro ordens), sendo vinte espécies capturadas em área florestal e 26 em restinga. As aves de floresta apresentaram 29,4% de prevalência parasitária (PP) total, variando a PP do período seco (41,6%) e chuvoso (14,4%). As aves amostradas em restinga apresentaram PP total de 8,5%, com prevalência menor no período seco (6,1%) em relação ao chuvoso (12,1%). As espécies das famílias Thraupidae e Thamnophilidae tiveram maiores prevalências em ambos os ambientes amostrados. Na floresta houve maior diversidade de carrapatos parasitando aves: *Amblyomma longirostre* (56: 39 larvas e 17 ninfas), *Amblyomma nodosum* (47: 46 ninfas e uma larva), *Amblyomma parkeri* (oito larvas) e *Amblyomma aureolatum* (uma larva), além de 26 espécimes identificados como *Amblyomma* sp. (22 ninfas e quatro larvas). Na restinga, *A. longirostre* (23: 16 larvas e sete ninfas) foi a espécie dominante, além de duas ninfas de *Amblyomma* sp. *Rickettsia amblyommatis* foi detectada em 55% (22/40) amostras analisadas (19 *A. longirostre* e três *A. parkeri*). A infecção foi de 50% no período seco (15/30) e 70% (7/10) no chuvoso. Nossos resultados evidenciam diferenças na dinâmica parasito-hospedeiro nos dois ambientes estudados. *Rickettsia amblyommatis* é considerada uma espécie com potencial patogênico e nossos resultados alertam para o provável envolvimento de *A. longirostre* no seu ciclo enzoótico. Destacamos também a elevada prevalência (100%) de *A. parkeri* infectado, ixodídeo que já foi detectado associado a rickettsia do Grupo Febre Maculosa.

Risk factors associated with *Toxoplasma gondii* infection in Neotropical Primates of Brazil

Marina Pellegrino da Silva | Juliana Mariotti Guerra | Natália C. C. A. Fernandes | Ana Carolina Ewbank | Carlos Sacristán | José Luiz Catão-Dias | Irene Iglesias

Ponente: Marina Pellegrino da Silva, marinapellegrinosilva@gmail.com

RESUMEN: Toxoplasmosis is a zoonosis of relevant public health concern. Some genera of Neotropical primates (NTPs), as *Alouatta* and *Callithrix,* are highly susceptible to infection by the protozoan *Toxoplasma gondii*, with varied morbidity and mortality rates between species. Diagnosing toxoplasmosis in these animals and identifying key environmental factors linked to their susceptibility facilitates the detection of risk areas for disease transmission, allowing more efficient allocation of resources to disease prevention. This study aimed to identify risk factors for toxoplasmosis in NTPs in São Paulo state, Brazil. A retrospective study was carried out using the database of NTPs samples for yellow fever surveillance at the Pathology Center of Adolfo Lutz Institute, Brazil, between 2014 and 2022. Spatial and spatiotemporal analyses, including the Getis Ord test, Kernel density, and Bernoulli models were conducted. Environmental factors (humidity, temperature, rainfall, altitude and seasonality) and anthropogenic factors (human population size and density) were assessed at both city and coordinate levels. A total of 86 NTPs (1.8%; 86/4777) were diagnosed with toxoplasmosis through histopathology and immunohistochemistry. Cases and controls were concentrated in southeastern Sao Paulo state. No space-time clusters were detected. At the city level, human population size, population density, and seasonality were significant risk factors ($p<0.05$). Geolocation data was available for 26.6% (1,275/4,777) of NTPs, with 5.1% (66/1,275) testing positive. Toxoplasmosis was more prevalent in captive NTPs (28%; 21/75) compared to wild NTPs (3.7%; 45/1,200) ($p<0.05$). For wild NTPs, human population size, altitude, and seasonality were significant ($p<0.05$). The findings suggest that captivity, higher human population size, higher human density, lower altitudes, and spring season are risk factors for a higher prevalence of toxoplasmosis in NTPs. Thus, surveillance and conservation efforts are recommended in regions with these characteristics. Furthermore, these results highlight the potential role of NTPs as environmental sentinels under a One Health approach.

Doce años de importación de aves exóticas en Chile: Implicancias para las invasiones biológicas y la transmisión de patógenos

Magdalena Cordero | Catalina Acevedo | María José Tolsá-García | Tomás A. Altamirano | Cristóbal Briceño | André Rubio

Ponente: Magdalena Cordero, magdalena.cordero@ug.uchile.cl

RESUMEN: Las aves son una de las clases de vertebrados más comercializadas a nivel mundial. En las últimas décadas este comercio ha crecido exponencialmente, facilitando invasiones biológicas e introducción de patógenos emergentes en diversas regiones del mundo. En este estudio se examinaron 12 años (2013–2024) de registros del Servicio Agrícola y Ganadero sobre importaciones legales de aves exóticas a Chile. Se analizaron las tendencias temporales de abundancia y diversidad de aves ingresadas, orígenes geográficos y fines de importación. Además, se identificaron las especies con mayor potencial de invasión biológica, así como las especies con mayor similitud filogenética con la avifauna chilena. 14.412 aves correspondientes a 37 familias y 258 especies fueron importadas legalmente a Chile. Las importaciones provinieron de 17 países, principalmente de España y otros países de Europa. Los principales fines de importación fueron para criaderos, comercialización y exhibición. Hubo una disminución de especies importadas desde 2014 hasta 2024. Asimismo, hubo un cambio en la composición y diversidad de las especies importadas a lo largo del periodo analizado. 52 especies de aves importadas a Chile también han sido reportadas como invasoras en otros países. Entre estas, *Serinus canaria* (Canario silvestre), *Platycercus elegans* (Rosella roja) y *Psittacula krameri* (Cotorra de Kramer) destacan por sus altos volúmenes de importación. Loros nativos como *Cyanoliseus patagonus*, *Enicognathus ferrugineus* y *Enicognathus leptorhynchus* muestran una fuerte similitud filogenética con psitácidos exóticos que han ingresado a Chile. Varias especies ingresadas también presentan reportes de parásitos y patógenos en otras partes del mundo. Debido a la gran cantidad de aves ingresadas, al alto número de especies potencialmente invasoras y su similitud filogenética a las aves nativas, se subraya la importancia de fortalecer las regulaciones y sistemas de monitoreo para disminuir riesgos de invasiones y entrada de parásitos y patógenos que puedan afectar a las aves nativas.

Análise epidemiológica e clínica de casos de Poxvírus aviário recebidos pelo Instituto Adolfo Lutz de 2018 a 2024

Beatriz Rosa Cravo | Ticiana Zwarg | Thaís Caroline Sanches | Eduardo Ferreira Machado | Jamile Macedo Garcia | Mariana Sequetin Cunha | Natália Coelho Couto de Azevedo Fernandes | Giliane de Souza Trindade | Erna Geessien Kroon | Juliana Mariotti Guerra

Ponente: Juliana Mariotti Guerra, jumariotti.vet@gmail.com

RESUMEN: Infecções causadas por vírus do gênero *Avipoxvirus* (AVP) foram relatadas em aproximadamente 370 espécies de aves domésticas e selvagens, representando um importante desafio para a conservação das aves. O objetivo deste estudo foi caracterizar as principais características epidemiológicas e clínicas associadas às infecções por AVP. Para isto, foi realizada uma análise retrospectiva (2018-2024) de 29 casos confirmados por exame histopatológico e/ou PCR, diagnosticados pelo Centro de Patologia do Instituto Adolfo Lutz. Dois casos, 26 eram do município de São Paulo, enquanto os demais casos foram registrados em Barueri, Praia Grande e Ribeirão Preto. A ordem Passeriformes foi a mais representativa (79,3%; n=23), seguida pelos Columbiformes (10,3%; n=3), Suliformes (6,9%, n=2) e, Psittaciformes e Piciformes, com um caso cada (3,4%). As aves afetadas eram predominantemente nativas da fauna brasileira, com exceção de dois indivíduos pertencentes às espécies Columba livia e Serinus canaria . Doze animais foram classificados como adultos, e em 16 casos a faixa etária não foi informada. Apenas um indivíduo foi identificado como sendo de vida livre e outro mantido sob cuidados humanos, não havendo especificação sobre a procedência dos demais. A manifestação clínica mais comum foi de dermatite proliferativa, com acometimento da pele, principalmente em áreas de apteria. A análise de dois dados contribui para o aprofundamento do conhecimento sobre a distribuição do Avipoxvirus entre diferentes espécies de aves silvestres e seus potenciais impactos na saúde e conservação das populações, com perspectivas futuras para a caracterização molecular dos vírus.

Gastrointestinal Parasitism in Endangered Black Lion Tamarins (Leontopithecus chrysopygus) Across Anthropized Atlantic Forest Fragments

Olga Szczodry

Ponente: Olga Szczodry, olga.szczodry@unesp.br

RESUMEN: Despite conservation efforts, deforestation continues to fragment forest habitats, progressively bringing humans into closer contact with wildlife. These close human-wildlife interfaces pose several problems, including increased human disturbances to wildlife that may negatively affect their survival, or heightened risks of bidirectional disease transmission. Such 'One Health' contexts are particularly present in the State of São Paulo, Brazil, where the landscape is constituted of a patchwork of pastures, crops, urban areas and small forest fragments of the Atlantic Forest. These remnant forest fragments are home to numerous endangered species, including the endemic Black Lion Tamarin (BLT, *Leontopithecus chrysopygus*). This species being endangered, gaining insight in its health status in such 'One Health contexts' is paramount, yet remains largely unexplored. This study presents the first investigation of gastrointestinal parasitic infections in four wild BLT groups across three sites with varying degrees of human disturbance. A total of 83 fecal samples were collected non-invasively from the soil and analysed fresh using three complementary coproparasitological techniques (Willis, Faust, and Hoffmann) to detect eggs, oocysts, and larvae. Parasites were detected in 43% of samples, with 29% exhibiting multi-infections. Identified taxa included members of the class Cestoda and the phylum Acanthocephala, along with eight helminth superfamilies such as *Oxyuroidea*. Although preliminary analysis did not reveal statistically significant differences in infection rates among study sites ($p = 0.49$), these pioneering results provide valuable baseline data on gastrointestinal parasitism in this endangered primate living within anthropized habitats. While taxonomic limitations preclude definitive conclusions about zoonotic transmission pathways, the study highlights the need for future research to better assess parasite diversity and potential cross-species transmission.

Parasitismo como achado post mortem em Quati (Nasua nasua) na região Oeste do Paraná, Brasil

Heloisa Patricia Besson Morgan | Cristiane Montilho | Crisan Smaniotto | Anderson Luiz de Carvalho | Nelson Dias Lucas

Ponente: Heloisa Patricia Besson Morgan, heloisa.besson.morgan@gmail.com

RESUMEN: Compreender as causas de mortalidade em animais silvestres é essencial para estratégias de manejo e conservação, especialmente em contextos de resgate e reabilitação. Este relato descreve o caso de um Quati (*Nasua nasua*), encontrado em decúbito em uma rodovia periurbana, que foi a óbito um minuto antes do início dos procedimentos emergenciais, mesmo após a realização do protocolo de reanimação cardiopulmonar. Os achados da necropsia indicaram como causa mortis um choque de origem cardiorrespiratória, devido ao enfisema e hemorragia pulmonar, associado a politraumatismo. Durante o exame necroscópico, além das múltiplas lesões traumáticas, foram identificadas infecções parasitárias. A metodologia consistiu na avaliação macroscópica e exame histopatológico dos principais órgãos. Macroscopicamente, foi observada laceração e fratura exposta do rádio no membro torácico direito, e fratura completa das tíbias bilateralmente. Hematomas foram encontrados na região abdominal ventral, no membro pélvico direito e na região retroperitoneal direita. Foi constatada a presença de um *Dioctophyma renale* cavitário, e ainda que incomum, foram encontrados cistos parasitários no omento. Observou-se esplenomegalia com hiperplasia linfoide confirmada no histopatológico. O rim direito apresentava ruptura com ausência de parênquima e dilatação acentuada da pelve renal. Os pulmões exibiam hiperemia difusa, enfisema e, microscopicamente, hemorragia multifocal moderada no lúmen alveolar e sob a pleura. Em ambos exames, foi evidenciada traqueíte parasitária, possivelmente por *Oslerus osleri*. Histopatologicamente, as alterações corroboram o trauma como causa primária da morte, com enfisema e hemorragia pulmonar. O achado de *Dioctophyma renale*, embora não relacionado diretamente ao óbito, é relevante, considerando a raridade de cistos parasitários no omento, que podem causar inflamação local e comprometimento de órgãos adjacentes. Este caso reforça a importância de necropsias em animais silvestres, para elucidar causas de morte e identificar infecções de relevância epidemiológica.

Parasitos e alterações teciduais em quirópteros neotropicais da grande São Paulo

Liura Sanchez Lauri | Vitor Kendi Okada da Silva | Alex Júnior Souza e Souza | Lilian Rose Marques de Sá

Ponente: Lilian Rose Marques de Sá, liliansa@usp.br

RESUMEN: Os quirópteros ocupam diversos nichos ecológicos, apresentam ampla distribuição geográfica e são responsáveis por diversas funções ecológicas essenciais, contudo, pouco se conhece sobre seus parasitos e as possíveis alterações teciduais em quirópteros neotropicais. O objetivo foi identificar os parasitos e as alterações teciduais de quirópteros capturados na grande São Paulo, Mata Atlântica, entre 2014-15 utilizando histopatologia, com registro na CEUAx Nº 5519220922. De 137 morcegos, recebidos por demanda do Instituto Pasteur, responsável pela necrópsia dos indivíduos para pesquisa de raiva e posterior envio da carcaça à FMVZ/USP, 18 (13,14%) foram diagnosticados com parasitos, provenientes de 11 municípios paulistas; os mais frequentes Ribeirão Preto (n=6) e Campinas (n=3), seguidos por Jarinu, Penápolis, Sertãozinho, Garça, Altinópolis, Catanduva, Jacareí, Itapevi e Rio Claro, com um animal (n=1) cada. As famílias representadas foram Molossidae (n=14) e Phyllostomidae (n=4), a maioria machos (n=10), adultos (n=14) e capturados vivos (n=15). Cada município de origem utilizou uma forma de eutanásia, sem unificação, quanto aos animais capturados mortos, todos apresentaram autólise dos órgãos, mas isso não impediu a visualização dos parasitos, observados nos sistemas digestório (n=15), respiratório (n=2), urinário (n=1) e tegumentar (n=1). Foram identificados nematoides (n=14), cestoides (n=3), trematódeo (n=1), coccídeos (n=3) e ácaro (n=1). Um morcego foi diagnosticado com colecistite hiperplásica e trematódeo intralesional e outro exibiu infiltrado linfoplasmocítico ao redor das larvas de nematoides em parede gástrica. O sistema digestório foi o mais acometido: seis nematoides gástricos, oito intestinais, três cestoides intestinais, dois protozoários coccídeos e um trematódeo biliar, seguido pelo pulmão com dois casos de larvas de nematoides, rim com um coccídeo, e ácaro em folículo piloso. Os resultados estão em consonância com a literatura. Contudo, há necessidade de estudos complementares, especialmente moleculares, visando a identificação precisa dos parasitas e melhor compreensão das implicações ecológicas e sanitárias dessas infecções em populações de quirópteros.

Circulação de *Leishmania* sp. em cães domésticos no Parque Nacional do Caparaó: Um Alerta para a Conservação e Saúde Pública.

Vinicius Henrique Barbosa Amaral | Leonardo Pereira de Alcântara | Mariane da Cruz Kaizer | Pedro Fonseca Costa | Lucas dos Reis de Souza | Janaína Ribeiro Duarte | Nayara Ferreira de Paula | Tadeu Gomes de Oliveira | Waldomiro de Paula Lopes | Marcelo Pires nogueira de Carvalho | Ayisa Rodrigues de Oliveira | Renato de Lima Santos | Lilian Bonjorne de Almeida | Júlia Angélica Gonçalves da Silveira

Ponente: Vinicius Henrique Barbosa Amaral, vinicius.hb.amaral@gmail.com

RESUMEN: A invasão de cães domésticos (*Canis familiaris*) em ambientes florestais é um problema crescente no Brasil e no mundo, ameaçando a fauna silvestre por meio da predação, competição e transmissão de agentes zoonóticos. Este estudo avaliou a sorologia desses animais para leishmaniose com potencial impacto na fauna selvagem no Parque Nacional do Caparaó (PNC) entre 2023 e 2025, objetivando entender a epidemiologia de patógenos em circulação, relevantes para a conservação e saúde pública. Foram colhidas amostras de soro de 58 cães com acesso ao parque, provenientes de comunidades limítrofes. Paralelamente, foram instaladas 23 armadilhas fotográficas dentro do PNC para avaliar a sobreposição de área de uso entre os cães domésticos e carnívoros silvestres. Das amostras colhidas, 30 foram submetidas à ELISA com antígeno KDDR para *Leishmania sp.*, sendo 80% (N=24) sororreativas. Nas armadilhas fotográficas, foi evidenciada a sobreposição espacial entre cães e mamíferos silvestres como *Puma concolor, Eira barbara, Leopardu guttulus, L. pardalis, Nasua nasua* e *Cuniculus paca*. A presença de cães domésticos em ambientes naturais compromete a conservação da fauna silvestre e a saúde pública. Sua circulação entre áreas urbanas, rurais e florestais estabelece uma "ponte" epidemiológica entre diferentes ambientes, favorecendo a entrada de agentes patogênicos nos ecossistemas. Em contrapartida, a espécie também pode ser usada como sentinela, uma vez que o seu monitoramento é facilitado pela íntima ligação com as comunidades humanas. Acerca da leishmaniose, há relatos de silvestres com certo grau de debilidade por consequência da zoonose, sendo apontado o cão doméstico como reservatório da espécie *L. infantum*, principalmente onde há o compartilhamento de recursos e em regiões com alta prevalência do agente. Futuramente serão realizadas análises moleculares em amostras desses animais para a identificação das espécies de *Leishmania* circulantes. Assim, é essencial adotar estratégias de controle populacional dos cães para mitigar seus impactos.

Bird death after collision with mirrored building in São Paulo: warning of invisible Enemy

Ticiana Zwarg | Mayra Frediani | Thaís C. Sanches | Esther Pace | Vanessa Olivares | Melissa Prosperi Peixoto | Felipe Almeida Lucato | Giovanna Silva Alves de Lima | Mariana Morgado Hereny | Alex J. S. de Souza | Lilian Rose Marques de Sá

Ponente: Lilian Rose Marques de Sá, liliansa@usp.br

RESUMEN: Urbanization dynamically changes the wildlife habitats. Buildings with glass facades have been observed since the beginning of the 20th century, and bird collisions are considered one of the most significant causes of mortality in the world, with estimates of 365 to 988 million deaths of birds per year in the United States. In Brazil, these data are still scarce. The objective was to describe cases of bird collisions as a factor of threats to birds in urban and peri-urban environments, and their possible mitigation actions. In March 2024, on different days (5, 20, 21, and 26), four dead birds (two Thraupis palmarum; and two Chrysuronia versicolor) were rescued by a student near a mirrored building in São Paulo city. The animals' bodies were taken to the pathological investigation. At gross, there were hematomas, ecchymosis, cranioencephalic trauma, intracelomic hemorrhage, pulmonary hemorrhage, aortic rupture, liver rupture, and pale organs. The deaths were associated with hypovolemic shock or cranioencephalic trauma resulting from the collision. The student involved reported the cases to the University's ombudsman, which resulted in the installation of the matte film that prevented reflection from mirrors on the front façade eight months later. Suggestions for mitigating actions include the installation of screens and barriers, such as stickers, on windows and modifications to the surroundings of buildings. We highlighted the importance of surveillance of the causes of death of birds close to mirrored buildings in urban centers in Brazil. This data can contribute to interventions, reducing cases and improving conservation actions of bird species in cities.

Comparação entre dois protocolos de eutanásia realizados em roselas (*Platycercus eximius*) e periquitos-de-colar (*Psittacula krameri*)

Higor Douglas Pardinho dos Santos | Ludmilla de Matos Nonato | Gustavo Duarte Cardoso Sampaio | Mariana da Fonseca de Paula | Luana Pereira da Silva1 | Allan Gabriel Lauvers Correa | Yasmin Maia Peixoto | Lucas Belchior Souza de Oliveira

Ponente: Higor Douglas Pardinho dos Santos, douglashigor2723@gmail.com

RESUMEN: A medicina veterinária enfrenta desafios devido à falta de protocolos adequados às diferenças fisiológicas entre as espécies, o que torna a realização de diversos procedimentos clínicos uma tarefa desafiadora. Diante disso, este resumo tem a finalidade de relatar a abordagem de dois protocolos de eutanásia utilizados em psittaciformes ilegais positivos para circovírus. Realizou-se o procedimento em 15 aves das espécies periquito-de-colar (*Psittacula krameri*) e rosela (*Platycercus eximius*). Protocolo 1 (P1): Midazolam 0,5% (4 mg/kg) IN, Lidocaína 2% (2 mg/kg) por infiltração, Cetamina 10% (40 mg/kg) + Fentanil 50mcg/ml (20 mcg/kg) e Cloreto de Potássio (KCl) 19,1% (5 mmol/Kg) por via IO. Protocolo 2 (P2): Isoflurano 100% (3 ml/ litro de oxigênio), Lidocaína 2% (2 mg/kg) por infiltração, Tiopental 2,5% (20mg/kg) e KCl 19,1% (5 mmol/Kg) por via IO. Todos os animais foram avaliados quanto aos parâmetros vitais, reflexo corneal e cloacal, e, tônus mandibular e de asa. Os custos foram avaliados considerando o preço dos medicamentos por unidade ou R$/ml. Em P1, foram submetidas sete aves, com tempo médio por eutanásia de 15 minutos (±06 min), custo médio real de R$0,31 (±R$0,03), e, R$15,25 (±R$0,01) considerando ampolas abertas. No P2, foram submetidas oito aves, com tempo médio de oito minutos (±03 min), custo médio real de R$8,67 (±R$0,48), e, R$9,27 (±R$0,44) considerando ampolas abertas. Apesar do baixo preço por indivíduo considerando a reutilização de ampolas em P1, o amplo tempo médio de eutanásia e a eficácia limitada, indica a necessidade de ajustamento de dosagem. A eficiência superior de P2 quanto ao tempo, embora o maior custo por indivíduo, sugere melhor adequação. Esses achados enfatizam a importância de desenvolver protocolos que não apenas atendam às necessidades clínicas, mas também considerem o bem-estar dos animais, especialmente em casos que envolvem espécies em risco ou em situações de vulnerabilidade.

Murciélagos urbanos y trampas ecológicas: consecuencias fisiológicas de la urbanización en Artibeus jamaicensis

Carlos N. Ibarra-Cerdeña | Román Espinal-Palomino | Cesar Rodriguez-Luna | Xitlali de la Rosa

Ponente: Carlos N. Ibarra-Cerdeña, cibarra@cinvestav.mx

RESUMEN: Las ciudades representan paisajes transformados que ofrecen recursos abundantes pero también riesgos para la fauna silvestre. Por tanto, las ciudades pueden ser trampas ecológicas, atrayendo organismos hacia ambientes de baja calidad que reducen su condición física o éxito reproductivo. Aunque algunos murciélagos tropicales toleran la urbanización, se sugiere que especies tolerantes pueden ser afectadas por estos entornos. Analizamos los efectos de la urbanización sobre la salud de Artibeus jamaicensis, un murciélago frugívoro común del neotropico, mediante un gradiente selva-ciudad en Mérida, México. Para esto, muestreamos 23 sitios intraurbanos en 4 transectos de 18 kms (esfuerzo= 13059 hrs/red; 76 noches). Evaluamos indicadores de condición corporal, estrés, inmunocompetencia y lesiones dérmicas en poblaciones urbanas y suburbanas. Capturamos 1056 murciélagos de 16 especies, pero la dominante fue A. jamaicensis (n= 782). Encontramos que, aunque esta especie ocupa activamente entornos urbanos, los individuos presentan reducción en su índice de masa corporal, mayor frecuencia de heridas, alopecia y deformaciones celulares compatibles con estrés oxidativo crónico. Además, se observaron menos linfocitos, especialmente en hembras lactantes y juveniles, lo que sugiere inmunosupresión en etapas vitales críticas. Estos hallazgos refuerzan la hipótesis de que la urbanización puede inducir trampas ecológicas en murciélagos tropicales, afectando su salud incluso en ausencia de efectos demográficos inmediatos. A. jamaicensis emerge como un modelo útil para detectar respuestas fisiológicas subletales a cambios ambientales acelerados. Abogamos por una integración de la salud de la fauna en el diseño urbano, considerando a los murciélagos como centinelas ecológicos de los paisajes urbanos.

Primer aislamiento de *Bartonella* spp. en roedores y pulgas de Chile: un primer paso hacia la caracterización de una nueva especie

Paulina Sepúlveda-García | Pablo Oyarzún-Ruiz | Lucila Moreno | María Carolina Silva | Matias Goddard | Armin Mella

Ponente: Paulina Sepúlveda García, paulina.sepulveda.garcia@gmail.com

RESUMEN: El género *Bartonella* engloba un grupo genéticamente diverso de bacterias hemotrópicas transmitidas por vectores que infectan a mamíferos. Los roedores son el principal reservorio, presentando tasas elevadas de infección por diversas especies de *Bartonella* a nivel mundial (algunas con potencial zoonótico). Las pulgas desempeñan un rol fundamental en la ecología de *Bartonella* asociadas a roedores, actuando como vectores y manteniéndola en fauna silvestre. La proximidad de roedores a asentamientos humanos aumenta el riesgo de transmisión de *Bartonella*. En Chile existen pocos estudios en roedores y pulgas asociadas, en los cuales se ha detectado DNA de *Bartonella* spp., sin embargo, la identificación a nivel de especie no ha sido concluyente. El objetivo de este estudio fue identificar las especies de *Bartonella* que circulan en roedores silvestres y sinantrópicos en Chile. Se colectó sangre entera de tres *Rattus rattus*, un *Rattus norvegicus*, cuatro *Abrothrix olivacea* y tres pulgas de un *A. olivacea*, capturados en Laguna Verde, Hualpén, región del Biobío, Chile. Se sembraron muestras de sangre y pulgas en agar chocolate, las cuales fueron incubadas durante 4-6 semanas a 37°C y 5% CO2. Las colonias con morfología sospechosa de *Bartonella* se confirmaron mediante qPCR. Los aislados positivos se sometieron a PCR de los genes *gltA* y *rpoB* para su posterior secuenciación y análisis filogenético (BI). Se obtuvieron 6 aislados, dos de *R. rattus*, dos de *A. olivacea* y dos de pulga. Los aislados de roedores se identificaron como *B. coopersplainsensis*, mientras que los de pulga se relacionan a *Bartonella* spp. no caracterizadas de Saint Kitts and Nevis y Chile, agrupándose en un clado cercano a *B. machadoe*. Es el primer aislamiento de *Bartonella* spp. de muestras de roedores y pulgas en Chile. Son necesarios trabajos adicionales que incluyan el análisis de genoma completo para postular la descripción de una nueva especie.

Diversidade de Hemoparasitos em *Gonatodes humeralis* (Guichenot, 1855) da Amazônia Maranhense

Pedro Pereira | Amanda Maria Picelli | Amanda Lorena Marques Rosa | Luiz Gustavo Magalhães Alves1 | Fabiano Paschoal | Felipe Bisaggio Pereira | Erika Martins Braga

Ponente: Pedro Pereira, phop2573@gmail.com

RESUMEN: O Lagartinho-Bicudo, *Gonatodes humeralis* (Guichenot, 1855) (Squamata, Sphaerodactylidae), possui distribuição na Amazônia, habitando diferentes ambientes ecológicos. Embora estudos comportamentais, ecológicos e filogenéticos já tenham sido realizados, pouco se sabe sobre aspectos parasitológicos dessa espécie, principalmente sobre seus hemoparasitos. Este estudo teve como objetivo identificar os hemoparasitos presentes em *G. humeralis* e investigar fatores associados à sua ocorrência. Lagartos foram capturados por busca ativa em duas áreas de preservação da Floresta Amazônica no Maranhão, durante período diurno dos meses de outubro e novembro de 2023. Os indivíduos foram contidos em sacos plásticos para serem sexados, pesados e medidos (comprimento total e rostro-cloacal). Amostras de sangue foram coletadas por punção cardíaca em papel-filtro para análises moleculares, e esfregaços sanguíneos foram preparados, fixados com metanol e corados com Giemsa para observação microscópica. No total, foram analisados esfregaços de 69 indivíduos, dos quais 21 (30%) apresentaram hemoparasitos: 19 positivos para *Trypanosoma* (27%), 5 para *Hepatozoon* (7%) e 2 para hemosporídeos (3%). Coinfecções foram registradas em cinco lagartos. A análise molecular baseada no fragmento *cytb* aumentou a detecção de hemosporídeos para oito indivíduos (12%). Cinco dessas amostras, já sequenciadas por Sanger, correspondem a uma linhagem previamente registrada na Colômbia, ainda não descrita pela ausência de caracterização morfológica completa. Neste estudo, conseguimos identificar morfologicamente os diferentes estágios parasitários necessários para a descrição formal da espécie. Como próximos passos, realizaremos a descrição morfológica e molecular do hemosporídeo, além de análises moleculares para *Trypanosoma* e *Hepatozoon*, comparando os métodos diagnósticos. Também testaremos a influência de características dos hospedeiros (sexo, tamanho e peso) na ocorrência parasitária. Este trabalho amplia o conhecimento sobre a diversidade parasitária de répteis amazônicos, contribuindo para a taxonomia dos hemoparasitos e a compreensão das relações entre *G. humeralis* e sua comunidade parasitária por apresentar, novos registros dos hemoparasitos para Amazônia Maranhense.

Análise molecular de agentes etiológicos potencialmente zoonóticos em Tamanduás-bandeira e Tamanduás-mirins no estado de São Paulo

Mateus Oliveira Machado | Catharina Eulasya Viana Resende | Larissa Pereira Rodrigues | João Otávio Mochiuti | Lígia Souza Lima Silveira da Mota

Ponente: Catharina Eulasya Viana Resende, catharina.eulasya@unesp.br

RESUMEN: O surgimento de zoonoses está relacionado aos desequilíbrios causados pelas atividades humanas sobre o meio ambiente. Alterações climáticas, ambientais e ecológicas impactam os ciclos de microrganismos naturalmente estabelecidos. Nesse contexto, o presente estudo tem por objetivo investigar, por meio de técnicas moleculares, a presença de DNA de *Trypanosomatidae*, *Babesia* spp. e *Chlamydia* spp. em amostras de sangue e fezes de tamanduás-bandeira (*Myrmecophaga tridactyla*) e tamanduás-mirins (*Tamandua tetradactyla*), provenientes do Centro de Medicina e Pesquisa em Animais Selvagens (CEMPAS), localizado em Botucatu, São Paulo, pertencente à Faculdade de Medicina Veterinária e Zootecnia – UNESP. Os procedimentos relacionados ao manejo dos animais foram previamente autorizados pelos órgãos competentes: Comissão de Ética no Uso de Animais (CEUA 0562/2023) e Sistema de Autorização e Informação em Biodiversidade (SISBIO 86964-1). As extrações de DNA das fezes foram realizadas pela técnica de fenol/clorofórmio e, das amostras de sangue, com o kit DNeasy Blood & Tissue (QIAGEN), totalizando 30 amostras. Posteriormente, foram realizadas Reações em Cadeia da Polimerase (PCR), com *primers* específicos para amplificar uma sequência de 260 pb do gene MOMP para *Chlamydiaceae*. Para *Babesia*, utilizou-se *primers* do gene RNAr 18S, que amplifica fragmento de 700 pb. Em relação aos tripanossomatídeos, foi aplicada a técnica de Nested PCR com *primers* que amplificam fragmentos de 816 pb e 650 pb do gene 18S (SSU) rRNA. Das 26 amostras de sangue analisadas, 11 (42,3%) foram positivas para tripanossomatídeos, sendo 8 tamanduás-bandeira (72,7%) e 3 tamanduás-mirins (27,2%). As análises para *Babesia* foram negativas, assim como o diagnóstico para *Chlamydia*, que contou com mais 5 amostras de fezes. A próxima etapa será o sequenciamento nucleotídico, visando a identificação específica dos agentes etiológicos e contribuindo com estratégias de conservação, vigilância epidemiológica e saúde dessas espécies silvestres, buscando sempre integrar o conceito de saúde única.

Investigação molecular de leishmanioses em roedores da Amazônia paraense

Laura Meiken Morelli | Larissa Pereira Rodrigues | Marcella Katheryne Marques Bernal | Lígia Souza Lima Silveira da Mota

Ponente: Lígia Souza Lima Silveira da Mota, ligia.mota@unesp.br

RESUMEN: As leishmanioses são zoonoses causadas por protozoários do gênero Leishmania e todas as regiões do Brasil possuem casos destas doenças, com destaque para ambientes florestais antropizados associados ao desmatamento. Estas doenças apresentam uma heterogeneidade epidemiológica e clínica atribuída à diversidade de espécies de parasitas, vetores e hospedeiros envolvidos. Os roedores silvestres já foram descritos como reservatórios de *Leishmania* spp. O presente trabalho teve como objetivo investigar a presença de DNA de Leishmania spp. em roedores da Amazônia. O estudo contou com 152 amostras de fígados de roedores cedidas pelo Instituto Evandro Chagas (IEC), coletadas no Estado do Pará. Os procedimentos aqui descritos foram aprovados pelo Comitê de Ética no Uso de Animais da Unesp sob o n.º 0143/2024. Os animais foram capturados com armadilhas em trilhas, contidos fisicamente, anestesiados e eutanasiados por injeção intracardíaca de cloreto de potássio. Foram capturados indivíduos das seguintes espécies: *Oxymycterus* sp., *Necromys lasiurus*, *Proechimys roberti*, *Proechimys cuvieri*, *Proechimys* sp., *Oligoryzomys* sp., *Oligoryzomys* spp., *Oxymycterus amazonicus*, *Metachirus nudicaudatus*, *Mus musculus*, *Akodon* sp., *Oryzomys* sp., e *Euryoryzomys* sp. Foi realizada a extração de DNA total das amostras e para investigar a presença de fragmentos de DNA de *Leishmania* spp., foram realizadas Reações em Cadeia da Polimerase (PCRs) utilizando os primers HSP70F e HSP70R, que amplificam um fragmento de aproximadamente 330 pb do gene codificador de proteínas de choque térmico de *Leishmania*. A identificação dos produtos amplificados foi realizada por eletroforese. Após processamento das amostras, os resultados foram negativos para a presença de DNA de *Leishmania* spp. Embora não tenha havido detecção de DNA, pesquisas realizadas na região Norte e identificaram roedores silvestres das espécies aqui analisadas infectados por espécies de Leishmania spp., o que ressalta a importância de manter a vigilância destes animais ativa e incentivar pesquisas para a identificação e monitoramento de zoonoses.

Investigação molecular de tripanossomatídeos em roedores silvestres do interior de São Paulo

Larissa Pereira Rodrigues | Catharina Eulasya Viana Resende | Mateus Oliveira Machado | João Otávio Mochiuti | Eduardo Augusto Terra Rossi de Barros | Lígia Souza Lima Silveira da Mota Mota

Ponente: Larissa Pereira Rodrigues, pereira.rodrigues@unesp.br

RESUMEN: Trypanosomatidae é uma família que reúne espécies de protozoários flagelados de vários gêneros de interesse médico, veterinário e agrícola. Esses microrganismos são capazes de infectar um grande número de vertebrados e invertebrados (que atuam como vetores). Espécies da ordem Rodentia foram reconhecidas como potenciais reservatórios de protozoários desta família. O objetivo deste estudo é investigar a presença de DNA tripanossomatídeo em pequenos roedores, utilizando técnicas moleculares. A pesquisa foi realizada em Botucatu, São Paulo, em fragmentos de vegetação natural das Fazendas Experimentais Edgárdia e Lageado. Para capturar os animais de vida livre, foram utilizadas armadilhas de interceptação e queda (pitfalls), Shermans e Tomahawks. No total, foram capturados 47 indivíduos de seis gêneros: *Akodon* sp., *Juliomys ossitensis*, *Juliomys pictipes*, *Necromys lasiurus*, *Oecomys catherinae* e *Oligoryzomys nigripes*. Os animais foram identificados, amostras de sangue foram coletadas e, após os procedimentos, foram soltos em locais apropriados. A partir do material coletado, foi realizada extração de DNA e nested PCR, utilizando os primers TRY927F/TRY927R (externo) e SSU561F/SSU561R (interno) para detecção de tripanossomatídeos. A identificação dos produtos amplificados foi realizada por eletroforese em gel de agarose. Das 47 amostras processadas, 25 (53%) apresentaram amplicons na região esperada, correspondendo às seguintes espécies: *Necromys lasiurus* (4), *Oligoryzomys nigripes* (11), *Juliomys pictipes* (5), *Oecomys catherinae* (2) e *Akodon* sp. (1). Estes produtos serão purificados e sequenciados para identificação ao nível da(s) espécie(s) patogénica(s).

Investigação Molecular de *Ehrlichia spp.* em *Myrmecophaga tridactyla* e *Tamandua tetradactyla*

João Otávio Mochiuti | Mateus Oliveira Machado | Ligia Souza Lima Silveira da Mota

Ponente: João Otávio Mochiuti, j.mochiuti@unesp.br

RESUMEN: O presente estudo buscou investigar a ocorrência de *Ehrlichia* spp. em tamanduás-bandeira (*Myrmecophaga tridactyla*) e tamanduás-mirim (*Tamandua tetradactyla*) de vida livre oriundos do Centro de Medicina e Pesquisa em Animais Selvagens (CEMPAS) da Faculdade de Medicina Veterinária e Zootecnia (FMVZ) da Unesp, campus de Botucatu, São Paulo, utilizando técnicas de biologia molecular. As bactérias da família Anaplasmataceae são reconhecidas como patógenos relevantes em doenças infecciosas de interesse médico e veterinário, especialmente diante do aumento das zoonoses ,que é impulsionada pela interferência humana nos ecossistemas. Essas zoonoses, que envolvem a transmissão de agentes infecciosos entre animais vertebrados e seres humanos, representam um importante desafio de saúde pública. Foram realizadas as metodologias de: extração de DNA de amostras de sangue utilizando *kit* comercial, quantificação em espectrofotômetro, na PCR para *Ehrlichia* spp. foram usados *primers* específicos de um fragmento de 350 pares de bases do gene da proteína de formação de ligação dissulfeto (*dsb*), visualização em gel de agarose, analise de sequenciamento S*anger* e utilizando bancos de dados genéticos públicos permitindo a avaliação da espécie presente das amostras positivas. Das 26 amostras analisadas (5 de *T. tetradactyla* e 21 de *M. tridactyla*), uma de cada espécie apresentou resultado positivo para *Ehrlichia chaffeensis*, evidenciando a presença desse patógeno na fauna silvestre da região. Os resultados contribuem para a ampliação do conhecimento a respeito da circulação de patógenos zoonóticos em animais silvestres, auxiliando ações de vigilância epidemiológica e prevenção de surtos que possam afetar humanos e a fauna local. Conclui-se que a detecção de *E. chaffeensis* em tamanduás destaca a importância do monitoramento contínuo da biodiversidade local, sendo essa bactéria o agente etiológico da ehrlichiose monocítica humana, reforçando o papel da fauna silvestre na interface com a saúde pública.

Principais achados patológicos em Saguis-da-serra-escuro (*Callithrix aurita*) em manejo *ex-situ* para fins de conservação

Isabela Normando Mascarenhas | Ana Yasha Ferreira de La Salles | Fabiana C. A. Melo | Fabiano R. Melo | Carlos Eduardo R. Pereira | Fabiana A. Voorwald

Ponente: Isabela Normando Mascarenhas, isabelanormando@gmail.com

RESUMEN: O Centro de Conservação dos Saguis-da-Serra da Universidade Federal de Viçosa (CCSS-UFV) tem o objetivo de proteger o ameaçado sagui-da-serra-escuro (*Callithrix aurita)*, animal endêmico da Mata Atlântica do sudeste brasileiro, visando estabelecer uma população viável em manejo *ex-situ*. As publicações acerca das principais causas de morbidade e mortalidade nessa espécie ainda são limitadas. O presente estudo apresenta os principais processos patológicos observadas na instituição desde a sua consolidação, com o objetivo de auxiliar o desenvolvimento de estratégias que favoreçam a saúde, os índices reprodutivos e sobrevivência dos animais destinados à soltura em ações de translocação. Entre os anos de 2021 e 2025, sete indivíduos vieram à óbito, dentre eles dois subadultos e cinco adultos. Nos exames post-mortem, foram observadas inflamações do trato gastrointestinal (7/7) – enterites, enterocolites, gastroenterite e tiflocolite, com presença de necrose (6/7), infiltrado linfohistiocitário (4/7), neutrofílico (1/7), histiocitário (1/7) e misto (1/7), associadas à lesões hepáticas (7/7) e broncopneumonia neutrofílica (1/7). As lesões hepáticas foram caracterizadas por hepatite peri-portal linfohistiocitária multifocal discreta (2/7); hepatite neutrofílica e necrótica focal moderada (3/7); hiperemia difusa moderada (1/7) e inlfitrado inflamatório com presença de ovos de *Platynossomum* sp. (1/7), sugestivas de etiologia parasitária. Ainda, o resultado da cultura de bactérias aeróbias de swab retal evidenciou *Escherichia coli e Citrobacter freundii* (2/3) - microorganismos que fazem parte da microbiota habitual do material analisado, e *Pseudomonas* sp. (1/3) – bactérias associadas às infecções secundárias. Esses achados podem estar relacionados a processos inflamatórios crônicos, infecções bacterianas, sejam elas primárias ou secundárias, e até mesmo infecções virais. O estresse, agudo ou crônico, pode induzir quadro clínico diarreico associado à imunossupressão em calitriquídeos, o que os tornam predispostos às infecções do trato gastrointestinal. Portanto, além da implementação de medidas diagnósticas, preventivas e terapêuticas eficazes, a minimização do estresse nas práticas de manejo deve ser priorizada.

La fiebre de los Capibaras: dinámica de la infección del virus de la Hepatitis E y la salud del ecosistema en contextos de invasiones biológicas

María Belén Crampet | Alexandra Cravino | Agustina Martinez | Belen Pérez | Silvina Rossi | Romina Icasuriaga | Florencia Cancela | Santiago Mirazo

Ponente: María Belén Crampet, belucrampet05@gmail.com

RESUMEN: La infección por el virus de la Hepatitis E (HEV) es una de las principales causas emergentes de hepatitis aguda en regiones no endémicas. De los ocho genotipos descritos, el HEV-3 es el más prevalente, y su principal vía de transmisión al humano es la zoonótica. Si bien los principales reservorios conocidos son el cerdo doméstico y el jabalí, otras especies nativas y exóticas susceptibles podrían desempeñar un rol clave en la epidemiología viral, ya sea como amplificadores de ciclos de infección o como reservorios ecológicos. Así, dado su amplio rango de hospederos, HEV representa un modelo ideal para estudiar la dinámica de enfermedades infecciosas en la naturaleza. Desde una perspectiva ecosistémica, las invasiones biológicas promueven la pérdida de biodiversidad acelerando la ruptura de equilibrios y promoviendo la emergencia de patógenos zoonóticos y epizoóticos. En Uruguay, el ciervo axis (*Axis axis*) es una especie exótica invasora identificada como potencial reservorio de HEV, que interactúa con especies nativas en diversos ambientes.El objetivo de este trabajo fue investigar la presencia, frecuencia y variabilidad de HEV en capibaras (*Hydrochoerus hydrochaeris*) en tres regiones con diferente grado de invasión del ciervo axis. Se analizaron datos de fototrampeo para caracterizar el ensamble de mamíferos y las interfases de interacción entre ambas especies. La detección viral se realizó mediante biología molecular a partir de fecas recolectadas en sitios monitoreados por cámaras trampa. Los resultados muestran que, en áreas con mayor grado de invasión hay menor equitatividad en la comunidad (números de Hill: 0,35) y mayor frecuencia de detección de HEV en capibaras (50%) respecto a ecosistemas más diversos y sanos (números de Hill: 0,89 y 0% de detección). Además, el análisis filogenético reveló en capibaras la presencia de un nuevo tipo de HEV-like, emparentado con HEV-4 y con alta divergencia respecto a los genotipos conocidos.

Descrição morfométrica e radiográfica cardíaca de *Leontopithecus chrysomelas*

Geovana Porto de Oliveira | Danilo Simonini Teixeira | Clarissa Oliveira Rocha

Ponente: Geovana Porto de Oliveira, porttogeovana@gmail.com

RESUMEN: O mico-leão-de-cara-dourada (*Leontopithecus chrysomelas*) é uma espécie ameaçada de extinção que ocorre na Mata Atlântica do Sul da Bahia. Existem poucos estudos sobre as características anatômicas do coração desses primatas, o que dificulta o diagnóstico de doenças cardíacas. O coração é responsável por bombear sangue rico em oxigênio e nutrientes para o corpo, sendo essencial entender sua fisiologia para identificar distúrbios. Este estudo tem como objetivo avaliar morfometricamente o coração de *L. chrysomelas* por meio de exames radiográficos e necroscópicos. Analisamos cinco indivíduos adultos que viviam livremente e morreram por razões não relacionadas a doenças cardíacas. Os exames radiográficos seguirão a fórmula de Waddell, com quilovoltagem (kv) média de 45 e miliamperagem por segundo padronizada em 3,6. Foram feitos dois cortes do tórax de cada animal: um laterolateral esquerdo e um ventrodorsal. A avaliação cardíaca utiliza o método VHS de Buchanan e Bücheler. Posteriormente, foram realizadas necropsias pela técnica de Letulle, permitindo avaliação macroscópica do coração. Utilizando dados morfométricos, os resultados indicam uma altura média do coração de 2,34 cm, comprimento médio de 2,02 cm, espessura da parede do ventrículo direito de 0,88 cm e espessura da parede do ventrículo esquerdo de 1,06 cm. Na radiografia, observamos que o coração está entre a quarta e a sétima vértebra torácica, em formato globoso. Notou-se que há uma diferença entre machos e fêmeas: os machos têm seus corações localizados completamente à esquerda, enquanto os das fêmeas se apresentam mais centralizados e com o ápice mais para esquerda. Dessa forma, dados específicos da espécie permitem uma abordagem diagnóstica melhor e mais precisa para esses animais, auxiliando no cuidado desses primatas em casos de infarto.

Factores ecológicos y geográficos en la composición de helmintos asociados a primates del género Alouatta

Lorena González Arvizu | Andrea Chaves | Luis García-Prieto | Oscar Rico-Chávez

Ponente: Osca Rico Chávez, orichvet@gmail.xom

RESUMEN: La variación espacial en la composición de parásitos y los factores que la determinan son temas clave en la ecología de enfermedades. Los primates del género Alouatta, ampliamente distribuidos en América Latina, ofrecen un modelo ideal para explorar la diversidad de helmintos gastrointestinales y su relación con factores ecológicos, filogenéticos y geográficos. A partir de bases de datos globales y literatura especializada, se construyó una base de datos con 154 registros de helmintos asociados a ocho especies del género *Alouatta*. Usando el índice de Sorensen, se calculó la diversidad beta entre ensamblajes parasitarios, descomponiendo sus componentes de recambio y anidamiento. Posteriormente, se aplicó un modelo de disimilitud generalizada (GDM) para identificar la contribución relativa de 17 variables predictoras: distancia geográfica, distancia filogenética y rasgos morfológicos, ecológicos y de historia de vida de los hospederos. Los resultados mostraron un alto recambio de especies de helmintos entre hospederos (βSIM = 0.66), con una baja contribución del componente de anidamiento. El GDM explicó hasta el 93.8% de la variación total. Las variables más influyentes fueron la longitud corporal, la densidad poblacional, la diversidad de la dieta y la distancia geográfica. Al separar los datos según el ciclo de vida de los helmintos (directo vs. indirecto), se detectaron diferencias en los predictores relevantes para cada grupo. Estos hallazgos evidencian que la composición parasitaria en *Alouatta* spp. es altamente variable y moldeada por factores ecológicos específicos del hospedero y de su entorno, más que por su historia evolutiva.

Dermatofitosis causada por *Trichophyton tonsurans* en monos aulladores de manto (*Alouatta paliatta*) en Mexico

Andrés M. López Pérez | Edith A. Fernández-Figueroa | Tania Fonseca Leal | Blanca E. Millán-Chiu | José Ramírez Lezama | Larisa A. Chávez Soriano | Juan Carlos Silva-Serio

Ponente: Andrés M. López Pérez, andres.lopez@inecol.mx

RESUMEN: La dermatofitosis es una infección cosmopolita causada por hongos que afectan la piel, el pelo y las uñas y es causada mayormente por especies de los géneros *Microsporum* y *Trichophyton*. Estas micosis infectan a un amplio rango de mamíferos, incluyendo humanos y en menor medida a primates no humanos. Se describe el primer reporte de infección por dermatofitos en un grupo de monos aulladores de manto (*Alouatta palliata)* en el sur de México. El grupo de estudio estuvo conformado por 35 individuos y todos presentaron signos de la infección, con severidadades que variarion de una a siete lesiones. Las lesiones fueron no pruríticas, con áreas alopécicas circunscritas, hiperqueratosis, descamación y costras. Se contuvieron física y químicamente a cinco individuos y se colectaron muestras de pelo, raspados profundos y superficiales, y biopsias de piel. Los raspados cutáneos fueron negativos a ectoparásitos, mientras que el cultivo de pelos y raspado superficial fue positivo al crecimiento de especímenes fúngicos asociados a *Trichophyton spp.* Para confirmar el diagnóstico se extrajó el ADN de tejido, raspado y cultivo, y se realizó la prueba de la Reacción en Cadena de la Polimerasa (PCR) para amplificar la región ITS del ADN ribosomal. Finalmente, se realizó la secuenciación de las muestras y estas mostraron una identidad del 100% con *Trichophyton tonsurans*. La histopatología de las biopsias de piel mostraron estructuras fúngicas, que incluyeron hifas alargadas septadas de 2-3 mm de ancho, fueron observadas entre el estrato espinoso y el estrato lúcido. También se observó una dermatitis crónica con focos de necrosis y células que contenían esporas fúngicas. Dado que este dermatofito es considerado antropofílico, y que la interfaz humano-silvestre es elevada en el área donde viven los monos, resulta probable que la transmisión de este hongo esté asociada al contacto con humanos o mascotas.

Artrópodos parásitos y helmintos de Asio flammeus, Athene cunicularia y Bubo magellanicus (Strigiformes: Strigidae) en las regiones del Ñuble, Biobío y Los Ríos, Chile

Martín Zamorano Uribe | Javier Andrade-Hernández | Javiera Bastías-Lavados | María Carolina Silva de la Fuente | Sergey Mironov | Lucila Moreno | Pablo Oyarzún-Ruiz | Sebastián Muñoz-Leal

Ponente: Martín Zamorano Uribe, Mzamorano2017@udec.cl

RESUMEN: Los parásitos de búhos han sido poco estudiados en Chile y en el Neotrópico. En el caso de los géneros *Asio*, *Athene* y *Bubo* en Chile, solo existe la descripción de tres piojos, tres ácaros y cuatro helmintos. El objetivo de este estudio fue contribuir al conocimiento de parásitos metazoos en *Asio flammeus* (Nuco), *Athene cunicularia* (Pequén) y *Bubo magellanicus* (Tucúquere). Con este fin se realizó la disección de 50 carcasas provenientes de las regiones de Ñuble, Biobío y Los Ríos entre los años 2018-2024. El 74% (37/50) de los individuos diseccionados resultó parasitado, el 68% (34/50) con endoparásitos, y el 72% (36/50) con ectoparásitos. Entre los endoparásitos se colectaron los acantocéfalos *Centrorhynchus nahuelhuapensis*, *Centrorhynchus* sp. y *Plagiorhynchus* sp, así como los nematodos *Procyrnea spinosa*, *Eucoleus contortus*, *Tetrameres* sp., *Capillaria* sp., Capillarinae gen. sp., *Hamatospiculum* sp. y *Cyathostoma americana*, también los trematodos *Lyperosomum* sp., *Neodiplostomum travassosi*, *Neodiplostomum* sp. 1, *Neodiplostomum* sp. 2, *Echinostoma* sp., *Echinoparyphium speotyto* y *Echinoparyphium* sp., los ácaros nasales *Rhinoecius bisetosus*, *Rhinoecius* sp., Rhinonyssidae gen. sp. y el ácaro subdérmico *Tytodectes speotyto*. Entre los ectoparásitos se colectaron ácaros *Glaucalges attenuates*, *Pandalura cirrata*, *Kramerella* sp., *Ornithonyssus bursa* y la garrapata *Amblyomma tigrinum*. Por último, se aislaron cinco especies de piojos: *Strigiphilus chilensis*, *Strigiphilus* sp. 1, *Strigiphilus* sp. 2, *Colpocephalum pectinatum* y *Kurodaia flammei*. La mayoría de las asociaciones hospedero-parásito (31/38) registradas en este estudio son nuevos registros para Chile, de estas asociaciones, se encontraron ocho en *A. flammeus* (8/38), 10 en *A. cunicularia* (10/38) y 13 en *B. magellanicus* (13/38). Además, los parásitos que no coinciden con las especies descritas en las claves taxonómicas de los géneros *Plagiorhynchus*, *Centrorhynchus*, *Lyperosomum*, *Neodiplostomum*, *Hamatospiculum*, *Capillaria*, *Strigiphilus*, *Kramerella* y *Rhinoecius* constituirían nuevas especies.

Saúde Única em ecossistemas aquáticos: Parasitologia Ambiental, Patologia e Ecotoxicologia em populações de cágado-de-barbicha (*Phrynops geoffroanus*) (Schweigger, 1812) em um rio hipereutrófico

Cristina Farias da Fonseca | Iago José Santos da Silva | Maria Edna Gomes de Barros | Valdemiro Amaro da Silva Júnior | Pierre Castro Soares | Geraldo Jorge Barbosa de Moura | Jaqueline Bianque de Oliveira

Ponente: Jaqueline Bianque de Oliveira, jaqueline.boliveira@ufrpe.br

RESUMEN: A degradação ambiental, resultante de atividades antrópicas, ocorre de forma mais acelerada em ecossistemas continentais, afetando a sociobiodiversidade associada. O cágado *P. geoffoanus* é um bioindicador da saúde desses ecossistemas, mas são escassos os estudos sobre o impacto antrópico nesses vertebrados, considerados tolerantes à poluição/contaminação, mas sem conhecimento aprofundado sobre seu status sanitário em ambientes eutrofizados. Um estudo multidisciplinar, envolvendo a Parasitologia Ambiental, Patologia Clínica, Patologia e a Ecotoxicologia, foi realizado com quatro populações de *P. geoffoanus* do Capibaribe, um rio hipereutrófico que banha 43 municípios pernambucanos (em áreas de Mata Atlântica e Caatinga), incluindo a capital Recife. Os animais (63) foram necropsiados (Licença Comissão de Ética no Uso de Animais #074–2016) para coleta de sangue, parasitos e fragmentos de órgãos. Como alterações hematológicas e bioquímicas destacaram-se: índice de estresse (heterófilos tóxicos/linfócitos), hipoproteinemia, AST e ALT elevadas (associadas com hepatomegalia e parênquima friável). Os nematoides (*Serpinema monospiculatus*, *Spiroxys figueiredoi*) estiveram presentes nos animais de todas as áreas, enquanto o monogenético (*Polistomoides brasiliensis*) e os digenéticos (*Nematophila grandis*, *Cheloniodiplostomum testudinis*, *Telorchis birabeni* e *Prionosomoides scalaris*) não foram encontrados na área mais impactada, demonstrando sua sensibilidade às alterações ambientais. Além de mais prevalentes, os nematoides mostraram-se mais patogênicos, associados com nódulos no estômago e intestino delgado, além de granulomas parasitários (fígado e pulmão) causados pela migração larval. Onze minerais foram detectados, com concentrações elevadas no fígado (Cu, Fe, Pb e Zn) e rim (Al, Cd, Co, Cr, Mn, Mo e Ni), indicando, na perspectiva da Saúde Única, a contaminação ambiental e o consequente risco no uso do rio e no consumo de pescados e mariscos, além da carne dos cágados. Os resultados destacam a importância do estudo multidisciplinar, que indicou que os animais da área mais impactada, que recebe, principalmente, efluentes da indústria têxtil, apresentaram um comprometimento do status sanitário.

Pesquisa e quantificação de metais em quatis (*Nasua nasua*) e gambás (*Didelphis* sp.) de vida livre que coabitam parques urbanos de Belo Horizonte - Minas Gerais

Jéssica de Souza Joaquim | Bruna Hermine de Campos | Nadja Simbera Hemetrio | Renato de Lima Santos | Daniel Oliveira dos Santos | Janaina Ribeiro Duarte | Vinícius Henrique Barbosa Amaral | Clésia Cristina Nascentes | Marcelo Pires Nogueira de Carvalho

Ponente: Jéssica de Souza Joaquim, jessicasouzim@gmail.com

RESUMEN: Minas Gerais lidera a produção mineral no Brasil, e a Serra do Curral, importante área de mineração em BH, abriga quatis (*Nasua nasua*) e gambás (*Didelphis* sp.). Objetivou-se pesquisar e quantificar, pela primeira vez, metais nessas espécies em quatro parques urbanos entre 2022 e 2024. Mediante licenças SISBio, CEUA/UFMG, FPMZBH e SISGEN, capturas ocorreram com armadilhas Tomahawk®, com anestesia, identificação e avaliação clínica dos animais. Amostras de pelo (148 quatis e 90 gambás) e sangue (148 quatis e 13 gambás) foram coletadas e analisadas por ICP-MS. Quatis adultos apresentaram maiores concentrações de manganês e níquel no sangue, indicando exposição contínua e recente, associada à presença de fontes ativas de contaminação, e maiores níveis de chumbo, selênio e molibdênio no pelo, sugerindo bioacumulação com a idade. Nos gambás, jovens apresentaram maiores concentrações de cobre, provavelmente devido às altas demandas metabólicas do crescimento. Em ambas espécies, observou-se correlação positiva entre peso e concentração de metais no pelo, sugerindo maior exposição em animais mais velhos e com maior consumo alimentar, sugerindo processo de bioacumulação. Quatis capturados no Parque da Serra do Curral (PSC) e Parque Municipal das Mangabeiras (PqM) apresentaram maiores concentrações de ferro, selênio e manganês nos pelos, possivelmente devido à proximidade com áreas de mineração. Gambás capturados no PqM e Parque Aggeo Pio Sobrinho também apresentaram maiores concentrações desses metais nos pelos, sugerindo a influência de áreas de mineração. Análises sanguíneas mostraram padrões distintos dos pelos, com selênio mais alto em quatis no PSC e alumínio em gambás no PqM, podendo refletir a liberação natural desses elementos no ambiente. A variação nas concentrações reforça a influência de fatores ambientais, biológicos e geográficos, com quatis e gambás demostrando potencial como bioindicadores, refletindo exposição aos metais sem sinais clínicos de intoxicação.

La multifuncionalidad ecosistémica en paisajes ganaderos, una visión a través de los murciélagos

Luisa Sofia Mendez Aguilera | Roberto Ignacio Márquez Hernández | Angel Eduardo Herrera Mares | Francisco Galindo Maldonado | Gerardo Suzán Aspirí

Ponente: Roberto Ignacio Márquez Hernández, mvz.robertomarquez@gmail.com

RESUMEN: Los paisajes ganaderos dominan grandes extensiones del sureste mexicano, por lo que su estudio resulta clave para comprender su papel en la conservación de la biodiversidad, la provisión de servicios ecosistémicos y su relación con la salud ecosistémica. Este estudio tuvo como objetivo evaluar la multifuncionalidad ecosistémica de paisajes ganaderos en tres municipios del estado de Yucatán (Tizimín, Tzucacab y Mérida), utilizando la diversidad de murciélagos como indicador. Se trabajó con una base de datos compuesta por 1337 registros de captura de murciélagos recolectados durante las temporadas de lluvias (junio-septiembre 2015) y secas (marzo-abril 2016) en sistemas de producción bovina clasificados como monocultivo y silvopastoril. El muestreo se realizó mediante redes de niebla instaladas en cuatro puntos de captura por sitio, operadas durante cinco horas tras el atardecer durante tres noches consecutivas por temporada. Las especies capturadas fueron identificadas y clasificadas en gremios tróficos con el fin de evaluar su aporte a la multifuncionalidad ecosistémica. Los resultados muestran que los sistemas silvopastoriles albergan una mayor diversidad de murciélagos en comparación con los monocultivos, incluyendo especies frugívoras, nectarívoras e insectívoras, lo que sugiere un mayor potencial de provisión de servicios ecosistémicos como control biológico, polinización y dispersión de semillas. Además, la presencia de especies con distintos roles ecológicos puede contribuir a una mayor estabilidad ecosistémica, reduciendo la probabilidad de eventos de disbiosis o disrupción ecológica que favorezcan el salto de patógenos entre fauna silvestre, ganado y humanos. Se concluye que el manejo silvopastoril no solo favorece la biodiversidad y el funcionamiento ecosistémico, sino que también podría contribuir a reducir riesgos asociados a enfermedades zoonóticas, reforzando así la importancia de integrar criterios de conservación y salud ecosistémica en la planificación ganadera del trópico mexicano.

Parasitos de Peixes de Água Doce Amazônicos Ornamentais

Liura Sanchez Lauri | Fábio Okutani Kozu | Lilian Rose Marques de Sá

Ponente: Lilian Rose Marques de Sá, liliansa@usp.br

Pouco se conhece sobre os parasitos de peixes de água doce ornamentais brasileiros e quais os possíveis impactos destes na conservação, comercialização e consumo de espécimes amazônicos. O objetivo foi identificar os parasitos encontrados nos peixes de água doce amazônicos ornamentais. Foram analisados 293 peixes amazônicos capturados na natureza entre janeiro de 2021 e março de 2024. Utilizamos método a fresco (n=66/293, 22,5%) de muco cutâneo, brânquias e trato gastrointestinal e histopatologia (n=293) de pele, brânquias, musculatura esquelética, cavidade abdominal e sistema digestório (SD). Os peixes pertenceram a sete famílias (Anostomidae, Callichthyidae, Chalceidae, Characidae, Cichlidae, Loricariidae e Serrasalmidae), 25 gêneros e 83 espécies. Os gêneros com maior abundância foram *Corydoras* (n=73)*, Hyphessobrycon* (n=65) e *Moenkhausia* (n=52) com seis tipos de parasitos dos 11 diagnosticados. Os ectoparasitos foram *Ichthyophthirius multifiliis* (n=9) na pele e brânquias, Trematoda (n=15), mixozoários (n=10), Cestoda (n=5), microsporídeo (n=1) e Nematoda (n=1) no subcutâneo, *Dactylogyrus* spp. (n=9) nas brânquias, *Argulus* spp. (n=2), *Livoneca* spp. (n=1) e *Ichthyobodo* sp. (n=1) na pele. Os endoparasitos foram Nematoda, Cestoda, Trematoda, mixosporídeos (n=26) e microsporídios (n=11) acometendo diferentes tecidos em um mesmo peixe. A diversidade de peixes analisada não nos traz uma diversidade similar de parasitos, apontando para uma não especificidade parasito-hospedeiro. Os helmintos foram os parasitos mais prevalentes, sendo encontrados em todos os tecidos analisados, seguidos do *I. multifiliis* como ectoparasito e dos microsporídios e mixozoários como endoparasitos. A maioria das parasitoses não estava acompanhada por resposta inflamatória, demonstrando uma relação parasitária típica. Estudos posteriores são necessários para caracterização da relação parasito-peixe-ambiente e possíveis consequências para conservação dos peixes amazônicos ornamentais.

Monitoramento do vírus da raiva em morcegos capturados em fragmentos florestais urbanos na Amazônia Ocidental brasileira

Marcos José de Oliveira | Jhonatan Henrique Lima da Rocha | Pedro Henrique Rodrigues dos Santos | Rair de Sousa Verde | Liliane de Souza Anadão | Tamyres Izarelly Barbosa da Silva | Bruno Rafael Fermino | Francisco Glauco de Araújo Santos

Ponente: Pedro Henrique Rodrigues dos Santos, pe919046@gmail.com

A raiva é uma zoonose extremamente importante para a saúde pública global, devido à sua letalidade próxima a 100%. O vírus da raiva (Rabies virus - RABV), pertencente ao gênero Lyssavirus, família Rhabdoviridae, apresenta neurotropismo, resultando em uma encefalite aguda progressiva nos mamíferos. Nesse contexto, os morcegos desempenham papel fundamental no ciclo epidemiológico da raiva, pois são reservatórios naturais do RABV e colaboram ativamente com sua manutenção e disseminação. Embora os morcegos hematófagos sejam os principais responsáveis pelos casos de raiva, devido ao contato com a saliva durante a mordedura e espoliação sanguínea, os dados sobre morcegos não hematófagos ainda são pouco explorados. Este estudo teve como objetivo investigar a presença do RABV em amostras de encéfalo de morcegos não hematófagos do estado do Acre, Amazônia Brasileira. As capturas foram realizadas em fragmentos florestais urbanos e periurbanos no município de Rio Branco. Os animais foram eutanasiados, e a coleta do sistema nervoso central foi realizada com pipeta de Pasteur estéril, após a secção da articulação atlanto-occipital. Foram processadas 96 amostras pelas técnicas de Imunofluorescência Direta e Prova Biológica em camundongos, métodos recomendados pelo Ministério da Saúde como padrão-ouro para o diagnóstico da raiva animal. Todas as amostras foram negativas, sugerindo uma baixa ocorrência de RABV em morcegos dessa área de estudo. Entretanto, a ausência de detecção direta não exclui a circulação viral, especialmente considerando que o Acre enfrentou uma epidemia com casos humanos e animais em 1996 e, desde 2007, mantém ações de vigilância. A proximidade com a Bolívia, que registrou um caso humano em 2022, reforça a necessidade do monitoramento contínuo, associado à adoção de técnicas moleculares, como a RT-qPCR, que oferecem maior sensibilidade, especificidade e permitem a detecção precoce de possíveis focos virais.

Raiva em cachorro-do-mato (*Cerdocyon thous*) na área urbana do município de Tietê, São Paulo

Benedito Donizete Menozzi | Anna Luisa Pizzaia Henrique | Jaqueline Tamara Bonavina | Mayara de Melo | Ana Beatriz Portes Gonçalves | João Sérgio Lima Nunes | Sheila Canevese Rahal | Cristielin Alves de Paula | Gabriela de Lima Rodrigues Pinto | Larissa Sá Teles Bertunes | Vitória Maximiana Soares dos Santos | Enio Mori | Adriana Maria Lopes Vieira | Juliana Maria de Almeida | João Paulo Mariano Godinho | Gabriela Godinho de Almeida | Sttefany Nicolosi Moraes da Silva | Felipe Fornazari

Ponente: Felipe Fornazari, f.fornazari@unesp.br

A raiva é uma zoonose de importância mundial. No Brasil, os quirópteros são os reservatórios de maior importância, enquanto animais silvestres terrestres possuem importância secundária em regiões específicas. O cachorro-do-mato (*Cerdocyon thous*) é uma espécie de ampla distribuição geográfica no território brasileiro e atua como reservatório do vírus rábico (variante canídeo silvestre) na região nordeste, onde foram registrados dois óbitos humanos nos últimos anos. O presente trabalho tem como objetivo descrever o caso de um cachorro-do-mato de vida livre com raiva no município de Tietê, estado de São Paulo. O animal foi capturado na área urbana pelo Centro de Controle de Zoonoses após ter mordido uma mulher em uma via pública. O canídeo apresentava alterações clínicas de ordem neurológica e foi encaminhado para o Centro de Medicina e Pesquisa em Animais Selvagens (CEMPAS, Unesp, Botucatu). Após três dias, o animal veio a óbito e o encéfalo foi encaminhado para o diagnóstico de raiva. Foram realizadas as técnicas de reação de imunofluorescência direta, prova biológica e reação em cadeia pela polimerase (PCR). Os três testes apresentaram resultado positivo. Foi realizado o sequenciamento genético do produto da PCR, que confirmou tratar-se de uma linhagem viral pertence aos morcegos insetívoros *Eptesicus furinalis*. A mulher agredida foi submetida ao protocolo pós-exposição com vacina e soro anti-rábico poucas horas após o ataque do animal. Este é o segundo relato de infecção pelo vírus rábico em um cachorro-do-mato fora da região nordeste do Brasil. Os resultados indicam a necessidade de ações de vigilância, controle e prevenção da raiva transmitida por animais silvestres em áreas urbanas.

Avaliação da glicemia em *Callithrix kuhlii* de vida livre: comparando métodos

Júlia Souza Viana | Ana Vitória Dias Nascimento | Amanda Alves Sobrinho | Andreza Araújo da Hora | Danilo Simonini Teixeira | Clarissa Oliveira Rocha

Ponente: Júlia Souza Viana, juliaviana2302@gmail.com

O Sagui-de-Wied (*Callithrix kuhlii*) é um primata endêmico da Mata Atlântica do sul da Bahia e noroeste de Minas Gerais, classificado como “vulnerável” pela Lista Vermelha da IUCN. A glicemia é um importante indicador do estado de saúde e homeostasia dos animais. O método laboratorial enzimático colorimétrico é o padrão ouro para quantificação da glicose, mas enfrenta desafios logísticos em regiões remotas. Assim, este estudo teve como objetivo comparar os resultados glicêmicos obtidos pelo método laboratorial de bancada e o glicosímetro portátil On Call® Plus II em uma população de *C. kuhlii* de vida livre, já que o glicosímetro permite a aferição imediata com mínima invasão da glicemia, sendo logisticamente mais viável. Dez animais (5 machos e 5 fêmeas) foram capturados com armadilhas automáticas do tipo Tomahawk. Os animais foram contidos física e químicamente (VetBag, Isoflurano 1mL/mL) para realização do exame físico e coleta de material biológico, incluindo 1ml de sangue para análise laboratorial. A glicemia foi medida com o glicosímetro portátil durante o procedimento. Oito amostras foram analisadas, com cinco delas apresentando resultados glicêmicos semelhantes entre os métodos. Três amostras divergiram mais de 20%, sendo que estes animais apresentaram outras alterações hematológicas, como policitemia e leucopenia. Assim, sugere-se a continuidade do estudo para validar a eficácia do glicosímetro portátil em uma amostragem maior de animais. Além disso, levanta-se um alerta para o estado de saúde dos indivíduos que apresentaram outras alterações hematológicas, o que evidencia a necessidade de constante avaliação de primatas de vida livre e desenvolvimento de metodologias menos invasivas e mais eficazes para diagnóstico e monitoramento a campo.

Bridging ecology and governance: mammal host richness and adaptive capacity reduce leptospirosis vulnerability

Natan Diego Alves de Freitas | Ayrton Sena Gouveia | Gabriella Lima Tabet Cruz | Cláudia Torres Codeço | Cecilia Siliansky de Andreazzi

Ponente: Natan Diego Alves de Freitas, natan.freitas@academico.ufpb.br

Leptospirosis, caused by pathogenic members of the *Leptospira* genus (notably *L. interrogans*), especially in tropical regions where environmental and social vulnerabilities amplify transmission risk. Human infection typically results from contact with contaminated water or soil, often exacerbated by inadequate sanitation, extreme hydrometeorological events, and proximity to animal reservoirs. This study investigates the ecological, climatic, and socio-environmental drivers of human leptospirosis incidence across Brazilian municipalities, with special attention to the role of municipal adaptive capacity for hydrometeorological disasters, which reflects infrastructure quality, institutional readiness, and public service resilience. We integrated data based on the pathogen's ecological cycle—including citizen science-based species observations, mammal occurrence records, host-parasite associations, total annual precipitation, and an index of municipal adaptive capacity for hydrometeorological disasters resulting from climate change. A structural equation model was applied to assess direct and indirect predictors of disease incidence and mammal host groups (both total and focal), incorporating linear mixed-effects models, with biome as a random effect. Our results demonstrate that greater municipal adaptive capacity is significantly associated with lower disease incidence, acting as a key factor in mitigating environmental exposure risks. While rodent host richness and annual precipitation were positively associated with incidence, overall mammal host richness and adaptive capacity had protective effects. Notably, mammal richness indirectly influenced disease incidence by shaping host community structure. Biome-level variability accounted for 7–14% of model variance, reflecting regional ecological signatures. These findings reinforce the interconnectedness of biodiversity, climate, and especially local infrastructure and governance capacity in shaping zoonotic risk. We advocate for One Health surveillance systems that simultaneously monitor ecological indicators and strengthen municipal resilience, particularly in climate-vulnerable regions undergoing environmental change.

Número de Aves de Rapina ameaçadas admitidas em Centros de Animais Selvagens na América do Norte e América do Sul: Um Estudo Retrospectivo

Heloísa Coppini de Lima | Sheila C. Rahal | Alessandra Melchert | Tamires G. W. Teodoro | Krystal M.T. Woo | Peter J. Flowers | Joanne R. Paul-Murphy | Anneke Moresco

Ponente: Heloísa Coppini de Lima, heloisacoppini@hotmail.com

RESUMEN: As aves de rapina desempenham funções ecológicas críticas e são altamente vulneráveis à pressão antrópica sobre suas populações, figurando entre as aves mais ameaçadas globalmente. Este estudo avaliou casos de rapinantes admitidos no Centro de Medicina e Pesquisa em Animais Selvagens (CEMPAS, Brasil) e no Lindsay Wildlife Experience (LWE, EUA) entre 2013 e 2020, sendo 619 e 3454 indivíduos, respectivamente. Embora todas as espécies atendidas tenham sido classificadas como "Pouco Preocupantes" na Lista Vermelha da IUCN (2023), no Brasil algumas constam na Lista Nacional de Espécies da Fauna Ameaçadas (Portaria MMA n° 148/2022), como *Asio clamator* (Vulnerável) e *Athene cunicularia* (Quase Ameaçada), refletindo cenários regionais de maior preocupação. As tendências populacionais foram baseadas na IUCN, complementados com a literatura científica, embora se reconheça a escassez de dados para algumas espécies no Brasil. As principais causas de admissão foram traumatismos (colisões com veículos, vidros e ataques), tráfico e conflitos urbanos, sendo que o estado clínico variava conforme a gravidade das lesões. No LWE, 48,08% eram de populações em crescimento, 44% estáveis e 7,88% em declínio; no CEMPAS, 42,32% em crescimento, 22,29% estáveis e 35,22% em declínio. As taxas de soltura foram de 34,66% no LWE e 22,45% no CEMPAS. Já a taxa de eutanásia e óbito foi elevada em ambas as instituições (acima de 58%), especialmente para espécies de tendência populacional decrescente, refletindo, em parte, diferenças no estado clínico inicial dos pacientes, gravidade das lesões e limitações estruturais locais. Os resultados reforçam a vulnerabilidade dos rapinantes sul-americanos e a necessidade de ações integradas de conservação, considerando que mais de um terço das espécies brasileiras atendidas já apresenta redução populacional. O estudo evidencia a urgência de investimentos em reabilitação, pesquisa epidemiológica e conservação habitat-dependente para mitigar o declínio das espécies e preservar os serviços ecossistêmicos essenciais proporcionados por essas aves.

Evaluation of Muscle Mass Score (MMS) in Crab-Eating-Fox (*Cerdocyon thous*) Using Ultrasonography

Barbara Sardela Ferro | Maria Fernanda Hussni | Heloísa Coppini de Lima | Mayara Ferreira Vieira | Isabelle Ferreira Mascarenhas | Jeana Pereira da Silva | Maria Jaqueline Mamprim de Arruda Monteiro | Sheila Canevese Rahal | Priscylla Tatiana Chalfun Guimarães-Okamoto | Alessandra Melchert

Ponente: Heloísa Coppini de Lima, heloisacoppini@hotmail.com

RESUMEN: Muscle mass score (MMS) assessment is commonly used in the nutritional evaluation of domestic dogs, yet studies involving crab-eating foxes (*Cerdocyon thous*) remain scarce. While weight loss is typically linked to adipose tissue reduction, lean body mass is the main compartment affected in disease-related weight loss. Ultrasonography may offers a more accurate method for such assessments. This study evaluated seven clinically healthy crab eating foxes at the Center for Medicine and Research in Wild Animals (CEMPAS), UNESP, Botucatu, Brazil. MMS was assessed by examining specific bones, using a scale from 0 (severe muscle loss) to 3 (good muscle condition). The left lateral aspect at the level of the thirteenth thoracic vertebra (T13) served as the acoustic window for ultrasonographic evaluation. Longitudinal and transverse images of the epaxial muscle were obtained, with measurements taken on transverse images from the T13 lamina-transverse process junction to the subcutaneous muscle region. The vertebral epaxial muscle score (VEMS) was calculated as the epaxial muscle height at T13 divided by the radiographic length of the T4 vertebral body. One animal showed muscle loss (MMS = 1), while the others had normal or near-normal scores (MMS = 2 or 3). The mean VEMS was 1.30 ± 0.16, with a 95% confidence interval of 1.15–1.44. Given the animals' healthy condition and the narrow confidence interval, these values may serve as a reference for muscle mass evaluation in *C. thous*.

POSTER PRESENTATION

Beyond life and death: Dogs' demography and management through the lens of human wildlife coexistence

Caio Filipe da Motta Lima | Isis Zanini das Candeias | Fernanda Cavalcanti Azevedo | Fabiana Lopes Rocha | Frederico Gemesio Lemos | Ricardo Augusto Dias

Ponente: Caio Filipe da Motta Lima, caio.lima@usp.br

RESUMEN: The continuous expansion of the agricultural frontier, associated with limited coverage of the planet by fully protected parks, raises an important question: how can we preserve the biodiversity in environments with strong anthropic influence? The presence of free-ranging dogs stands out as a major wildlife threat in these areas due to predation, competition, and transmission of infectious diseases. On the other hand, dogs play critical roles in rural communities, and guardian dogs represent an important conservation tool to mitigate human-wildlife conflicts. To deepen our understanding of this trade-off, we conducted a five year annual survey in rural areas of Central Brazil, an agroecosystem of the endangered Brazilian Cerrado. Long-term dog population diagnoses are rare; studies tend to ignore the demographic temporal variation, which is crucial for population and disease control. We described a dog population stable in size, but with a highly dynamic structure, due to the annual turnover rates (38.25%). These turnovers were driven by immigration (94.9%) and emigration (71.4%), rather than by births (5.1%) and deaths (28.6%). These dog population movements were related to the annual turnover of families living in the area (24.8%), and the low recruitment rate by birth was a consequence of human management focused on controlling the number and reproductive status of females and the destination of the offsprings. The primary dog roles were protecting houses and livestock; they had no movement restrictions (89%) and tended to attack wildlife (82%). The most common chased species were the endangered giant anteater (*Myrmecophaga tridactyla*) and hoary fox (*Lycalopex vetulus*). Our results question the traditional management approaches that focus on the dog population size and neglect the human factors and the underlying demographic process. We propose strategies that could, simultaneously, reduce the dog impacts on wildlife and improve the fulfillment of their social functions in the community.

POSTER PRESENTATION

Reverse Zoonosis of Human Herpesvirus 1 Causing a Mortality Outbreak in *Callithrix penicillata*, Minas Gerais, Brazil

Aline Santana da Hora | Sueli Akemi Taniwaki | Karen Miyuki Asano | Nathana Beatriz Martins | José Luiz Catão Dias | Matias Pablo Juan Szabó | Paulo Eduardo Brandão

Ponente: In the Anthropocene, ongoing human encroachment into wildlife habitats increases the risk of reverse zoonoses, particularly in non-human primates. This study investigated the occurrence of rabies virus (*Lyssavirus rabies*) and human herpes simplex virus type 1 [*Simplexvirus humanalpha1*] (HSV-1) in black-tufted marmosets (*Callithrix penicillata*) showing neurological signs. Between May and June 2019, an outbreak resulted in the death of approximately 20 individuals in an urban park in Uberlândia, Minas Gerais, Brazil. Affected animals displayed apathy, ataxia, seizures, and ulcerative lesions on the tongue, oral mucosa, and facial skin, with mucosal ulcers covered by a grayish-white fibrinous material. Brain samples from four deceased individuals were collected and tested by direct fluorescent antibody test and rabies tissue culture infection test for rabies diagnosis and by PCR targeting the DNA polymerase gene of the Herpesviridae family. All animals tested negative for the rabies virus and positive for herpesviruses. Amplicons from three individuals were sequenced, confirming HSV-1 infection. The animals inhabited a 41,000 m² urban green area with high human presence, including restaurants and visitors who frequently fed the primates with leftover food, supporting a likely human-to-animal transmission route, as HSV-1 is naturally hosted by humans. The high mortality observed may reflect the virulence of HSV-1 in *Callithrix* spp. These findings highlight the potential impact of anthropogenic environments on the transmission of human pathogens to wildlife and reinforce the importance of surveillance, public awareness, and environmental education. In this case, informative signs were placed throughout the park to discourage visitors from feeding wild animals and to promote responsible coexistence in shared urban spaces.

Educação ambiental e conservação por meio da observação comportamental e enriquecimento de fauna silvestre no contexto escolar

Heloísa Coppini de Lima | Ricardo Shoiti Ichikawa | Erick Yuji Tokashiki | Maria Fernanda Hussni | Ana Carolina Monteirinho Lobo | Sheila Canevese Rahal | Maria Jaqueline Mamprim de Arruda Monteiro | Cláudia Valéria Seullner Brandão | Alessandra Melchert | Gabriel Correa de Camargo

Ponente: Heloísa Coppini de Lima, heloisacoppini@hotmail.com

RESUMEN: A aplicação do Enriquecimento Ambiental e a construção de etogramas são ferramentas fundamentais para a avaliação comportamental de animais silvestres sob cuidados humanos, promovendo bem-estar e despertando o pensamento crítico de estudantes sobre a interação entre humanos e fauna nativa. Este estudo apresenta resultados de atividades de extensão realizadas no Curso de Férias (Edital PROPG/PROPE 20/2024), em parceria com o Programa de Pós-graduação em Animais Selvagens e alunos do Ensino Médio de escolas públicas de Botucatu-SP. Foram observados *Puma concolor, Nasua nasua, Alouatta* sp., *Cerdocyon thous, Sapajus* sp., *Amazona aestiva* e *Psittacara leucophthalmus*, após a oferta de enriquecimentos alimentares e sensoriais confeccionados com alimentos diversos e materiais não tóxicos. Os métodos utilizados incluíram Focal Sampling, Scan Sampling e Ad libitum, realizados por 15 minutos, com apoio de pós-graduandos. Os resultados indicaram variabilidade nas respostas comportamentais: a onça-parda evitou o enriquecimento em presença humana, mas interagiu após quatro horas; os quatis e bugios demonstraram curiosidade imediata e interação ativa; os macacos-prego só interagiram após vocalização social de um indivíduo; os cachorros-do-mato apresentaram comportamentos individuais distintos frente ao enriquecimento, com variação na interação de acordo com a presença humana; os papagaios demonstraram vocalização e voo exploratório, enquanto as maritacas interagiram apenas horas depois. As observações foram registradas em relatórios técnicos pelos alunos. Este tipo de intervenção não apenas melhora o bem-estar físico e mental dos animais, reduzindo estresse e comportamentos estereotipados, como também contribui indiretamente para a saúde geral da fauna sob cuidados humanos, uma vez que o bem-estar está diretamente associado à redução de distúrbios comportamentais relacionados ao estresse. Conclui-se que o Enriquecimento Ambiental é uma ferramenta didática eficaz para o ensino de comportamento animal e conservação, promovendo a integração entre a comunidade acadêmica, escolares e a fauna silvestre.

POSTER PRESENTATION

A coexistência entre cão, humano e fauna: Saúde Única no Cerrado brasileiro

Cláudia Rodrigues Barcelli | Isis Zanini das Candeias | Andréia Nasser Figueiredo | Mariana Labão Catapani | Frederico Gemesio Lemos | Fernanda Cavalcanti de Azevedo | Caio Filipe da Motta Lima

Ponente: Caio Filipe da Motta Lima, caio.lima@usp.br

Apesar de serem valorizados por seu papel social, cães domésticos (*Canis lupus familiaris*) apresentam riscos à biodiversidade (perturbação, predação, hibridização e transmissão de doenças) e à saúde humana (zoonoses). Considerados espécie invasora prioritária para controle nacional, podem superar densidades de mamíferos carnívoros nativos em áreas protegidas, tornando-se um desafio à promoção da coexistência. Entre 2023 e 2024, investigamos densidade, dinâmica e estruturas populacionais; formas de manejo, e saúde de cães domésticos no entorno do Parque Estadual da Serra de Caldas Novas, Goiás, e suas relações com moradores e fauna silvestre. Com amostragem representativa (margem de erro 5%; IC 95%), aplicamos questionários estruturados com a população, subdividida em zonas rural (R) e periurbana (P). Baseado na média de cães por casa (3,45 R e 2 P), estimou-se por *Bootstrap* a população de cães domiciliados na região em 1.150 indivíduos (IC 1.041 - 1.267), evidenciando grande pressão de invasão da UC. Nesta população, cães geralmente não têm restrição de movimento (71% R; 41% P), possuem baixa cobertura vacinal (anti-rábica: 68% R e 64% P; ao menos uma dose de polivalente: 42% R e 52% P). Cães machos em sua maioria (83% R; 79% P) não são castrados, e fêmeas recebem algum tipo de controle reprodutivo (60% R; 50% P). Doenças não diagnosticadas foram a principal causa de morte de cães (50% R; 52% P), havendo também casos diagnosticados de cinomose e leishmaniose, destacando potencial zoonótico. A saída de cães supera a entrada em 8,6%, indicando estabilidade populacional. Nosso diagnóstico evidencia a urgência em tratar a problemática de cães em áreas protegidas, com enfoque em Saúde Única e no impacto sobre a biodiversidade, principalmente grupos mais expostos, como canídeos e felídeos. Além da importância de diagnósticos bem delineados e estratificados para orientar a tomada de decisão para gestão efetiva.

Research on transmissible agents in free-ranging pumas (*Puma concolor*) and jaguars (*Panthera onca*) in the Caatinga, Cerrado, and Atlantic Forest biomes.

Camylla Silva Pereira | Aline Santana da Hora | Jaciara de Oliveira Jorge Costa | Arlei Marcili | Valeria Castilho Onofrio | Lívia Mendes Miranda Altwegg | Julio Cesar de Souza Junior | Fernanda Mara Aragão Macedo Pereira | Lauro Leite Soares Neto | Beatriz de Mello Beisiegel | Claudia Bueno de Campos | Carolina Franco Esteves | Daiana Polli | Herbert Sousa Soares

Ponente: Camylla Silva Pereira, camylla.spereira@gmail.com

Wild carnivores play a key role in ecosystem balance and may act as sentinels of emerging infectious diseases. This study aimed to assess the occurrence of viral agents (feline immunodeficiency virus, feline leukemia virus, canine and feline parvovirus, feline herpesvirus, feline bocavirus, feline calicivirus, *Orthohepadnavirus* spp., and viruses from the families *Paramyxoviridae*, *Poxviridae*, and *Coronaviridae*), bacterial agents (*Rickettsia* spp., *Anaplasma* spp., and *Ehrlichia* spp.), and parasitic agents (*Trypanosoma* spp., *Leishmania* spp., *Hepatozoon* spp., and protozoa of the order Piroplasmida) in free-ranging pumas and jaguars from the Caatinga, Cerrado, and Atlantic Forest biomes in Brazil. Biological samples were obtained through partnerships with conservation projects, research centers, and zoos, involving animals that were satellite-monitored, clinically treated, or rescued for rehabilitation. Whole blood and serum samples from 21 individuals (17 pumas and four jaguars) were frozen at -20 °C until processing. Molecular (PCR and qPCR) and serological techniques were applied. Among pumas, PCR results were positive for canine/feline parvovirus (29,41%; n=5/17), *Coronaviridae* family viruses (11,76%; n=2/17), and *Hepatozoon* spp. (41,17%; n=7/17). Protozoa of the order Piroplasmida were detected in all individuals. This is the first study to describe the health profile of free-ranging pumas and jaguars in the Caatinga biome and the first to detect *Coronaviridae* family viruses in pumas in the wild. Further studies will focus on sequencing the positive samples to determine the pathogen species involved. These findings expand current knowledge about the sanitary status of these threatened felids and underscore the need for continued monitoring and integration of health data into conservation and management strategies.
Keywords: infectious diseases; parasitic diseases; wild felids; wildlife; diagnostics.

Tratamento de ferida com associação de terapias convencionais e integrativas e avaliação sanitária de lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) de vida livre recebido no Centro de Triagem de Animais Silvestres (CETAS) de Belo Horizonte

Camilla Faria Soares | Julia Penna de Andrade | Daniel Reis Santos | Leonardo Pereira de Alcântara | Érika Procópio Tostes Teixeira | Thiago Lima Stehling | Daniel Ambrózio da Rocha Vilela | Júlia Angélica Gonçalves da Silveira

Ponente: Camilla Faria Soares, camillafaria.vet@gmail.com

A degradação do ambiente, atropelamentos, agressões e patógenos transmitidos por cães são ameaças constantes à população de lobos-guará (*Chrysocyon brachyurus*), que vem se tornando cada vez menor. Terapias integrativas, como a fototerapia, podem ser de grande auxílio no tratamento de animais silvestres, já que a diminuição do tempo em que esses animais são mantidos sob cuidados humanos é crucial para o sucesso da reabilitação e da soltura dos indivíduos. Um lobo-guará macho, adulto, pesando 22,1kg, oriundo da cidade de Cajuri, Minas Gerais, foi recebido no CETAS BH apresentando lesões em ambos os lados da região cervical. Após a limpeza da ferida e aplicação de óleo ozonizado de girassol, o paciente foi submetido a fototerapia com LED azul e laser com luz visível e invisível. Juntamente foi estabelecido o tratamento medicamentoso com antibiótico, anti-inflamatório e analgésico, além do uso de curativos recobrindo a ferida. Devido a importância que doenças normalmente encontradas em cães tem para os lobos-guará, foi realizada triagem através de PCR para os hemopatógenos *Leishmania* spp., *Rickettsia* spp., *Mycoplasma* spp., *Trypanossoma evansi, Hepatozoon* spp., agentes da ordem Piroplasmida e Família Anaplasmataceae. As amostras foram processadas no Laboratório de Protozoologia Veterinária (PROTOVET) da Universidade Federal de Minas Gerais, obtendo um resultado positivo para *Hepatozoon* spp. Também foram realizados exames de sorologia em laboratório externo que indicaram a presença de anticorpos para cinomose, parvovirose e hepatite infecciosa canina. Após a completa cicatrização e melhora do quadro clínico o animal foi encaminhado para reabilitação e posteriormente foi devolvido ao seu habitat natural.
Palavras-chave: reabilitação; cicatrização de feridas; fauna brasileira; hemopatógenos; terapias integrativas.

POSTER PRESENTATION

Coinfecção por sarna sarcóptica (*Sarcoptes scabiei*) e dermatofitose em lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) de vida livre: Relato de Caso

Maria Atalla Belloti | Cláudia Rodrigues Barceli | Isis Zanini das Candeias | Caio Filipe da Motta Lima

Ponente: Maria Atalla Belloti, maria.belloti@usp.br

O lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) é uma espécie ameaçada de extinção (VU – ICMBio; NT – IUCN) sendo a transmissão de doenças uma das principais ameaças à sua conservação. Dentre estas doenças destaca-se a sarna sarcóptica, causada pelo *Sarcoptes scabiei*, considerada uma panzootia emergente em fauna silvestre globalmente, e apresenta aumento de casos em lobos-guará no Brasil, desde 2018. Entretanto, fontes de transmissão e fatores predisponentes não são plenamente compreendidos. Neste contexto, uma fêmea adulta de *C. brachyurus* foi encontrada debilitada no Campus da Universidade de São Paulo, Pirassununga, SP. O animal foi capturado e encaminhado ao Laboratório de Medicina e Conservação de Animais Silvestres apresentando prostração, alopecia, crostas espessas distribuídas pelo dorso, patas dianteiras, face e orelhas, além de escore corporal ⅖. Foi realizada anestesia para exame físico, avaliação clínica e coletas de amostras para análises laboratoriais. O raspado cutâneo confirmou a presença de *Sarcoptes scabiei* e a cultura de pelos identificou dermatófitos, caracterizando uma coinfecção. O hemograma indicou hipoproteinemia, anemia regenerativa moderada (macrocítica, hipocrômica) e leucograma característico de estresse crônico (Leucocitose por neutrofilia, linfopenia, eosinopenia e monocitose). O tratamento instituído incluiu fluralaner tópico (1000mg) para sarna e itraconazol (200mg/dia por 4 semanas) para dermatofitose, além de dieta balanceada e suplementada para promover ganho de peso e recuperação da anemia e hipoproteinemia. Até o momento, após 22 dias de tratamento, observa-se melhora clínica progressiva e significativa, com animal ativo, queda de crostas, crescimento de pelos e aumento do escore corporal. Este é o primeiro relato de coinfecção por sarna sarcóptica e dermatofitose em lobo-guará, condição já observada em cachorro-do-mato (*Cerdocyon thous*) no Brasil. O relato ressalta a importância da realização de exames diagnósticos abrangentes, incluindo pesquisa de ácaros e fungos, para uma maior compreensão dos fatores etiológicos possivelmente envolvidos na epidemia de alopecia em lobos-guará de vida livre.

POSTER PRESENTATION

Use of Computed Tomography to Estimate Visceral Fat and Body Condition Score in Crab-Eating Foxes (*Cerdocyon thous*)

Barbara Sardela Ferro | Maria Fernanda Hussni | Heloísa Coppini de Lima | Isabelle Ferreira Mascarenhas | Mayara Ferreira Vieira | Jeana Pereira da Silva | Maria Jaqueline Mamprim de Arruda Monteiro | Priscylla Tatiana Chalfun Guimarães-Okamoto | Alessandra Melchert

Ponente: Heloísa Coppini de Lima, heloisacoppini@hotmail.com

The Body Condition Score (BCS) is a practical and indirect method for estimating body fat, widely used in animal nutritional assessment, although it is more sensitive to subcutaneous fat and subject to evaluator variability. This study evaluated the use of computed tomography (CT) as a complementary tool for estimating body fat in eight captive crab-eating foxes (*Cerdocyon thous*) at CEMPAS, UNESP. CT scans were performed at the third (L3) and sixth (L6) lumbar vertebrae levels (TCL3 and TCL6, respectively) to quantify total volume (TV), visceral volume (VV), visceral fat volume (VFV), and subcutaneous fat volume (SFV). Volume ratios and visceral fat mass (VFM) were also calculated. Correlations between these variables and BCS were analyzed. Results showed strong correlations between BCS and the ratios VFV/L6, SFV/L6, and total fat volume (TFV)/L6 at TCL3, while at TCL6, only SFV/L6 showed strong correlation. However, at TCL6, BCS correlated with TFV/TV, SFV/subcutaneous body volume (SBV), and VFM, which was not observed at TCL3. These findings suggest that L3 better represents fat accumulation relative to body size, while L6 reflects fat distribution and mass. CT proved to be an effective method for fat estimation, and the 9-point BCS scale was appropriate for the species, as observed in domestic dogs. This supports CT's potential in the nutritional evaluation of wild species.

POSTER PRESENTATION

Contaminación por Plaguicidas: Un Estudio en Parques Nacionales Argentinos y su fauna.

Paula Blanco | Iara Figini | Diana Arnica | Damián José Marino | Tomás Mac Loughlin | Marcela Orozco

Ponente: Paula Blanco, paupaurule@gmail.com

La presencia de plaguicidas en ambientes naturales y antropizados constituye una problemática ambiental de escala global, que degrada los ecosistemas y amenaza la salud de una amplia variedad de organismos vivos. Entre 2021 y 2023 se llevó a cabo un estudio sistemático enfocado en la detección de plaguicidas y sus metabolitos de degradación en dos áreas protegidas de Argentina: el Parque Nacional Iberá (PNIB) y el Parque Nacional Ciervo de los Pantanos (PNCP), incluyendo sus respectivas zonas de interfaz. En total se analizaron 263 muestras ambientales (agua, sedimentos, suelos y vegetación) y 63 tejidos de ciervos de los pantanos (*Blastocerus dichotomus*), obtenidos en el marco del programa de vigilancia de salud en fauna silvestre. Los análisis se realizaron mediante técnicas de extracción tipo *QuEChERS* o en fase sólida (SPE), seguidos de detección por HPLC-MS/MS, confirmando la presencia de una amplia variedad de plaguicidas. En el PNCP y su zona de interfaz, los compuestos más frecuentes fueron el herbicida glifosato (y su metabolito AMPA), el insecticida clorpirifós (y su metabolito TCP) y el fungicida tebuconazol. En el PNIB y su periferia, se detectaron los herbicidas metolaclor y 2,4 D, el insecticida imidacloprid y nuevamente el fungicida tebuconazol. Al menos un plaguicida fue detectado en 56 de los 63 ciervos analizados (89%), siendo los más comunes el clorpirifós + TCP (67%), el metolaclor (30%) y el tebuconazol (21%). Las concentraciones máximas registradas fueron de 101 µg/kg de TCP en riñón, 6,26 µg/kg de metolaclor en músculo y 2,07 µg/kg de tebuconazol en hígado. El presente trabajo representa el primer estudio sistemático de exposición a plaguicidas en grandes mamíferos silvestres de Argentina, y resalta la necesidad de fortalecer el monitoreo de contaminantes en áreas protegidas, considerando su potencial impacto sobre la fauna y los ecosistemas.

POSTER PRESENTATION

Molecular screening of selected RNA viruses in Neotropical Wild Felids of Brazil

Michelle Colpani | Aricia Duarte-Benvenuto | Carlos Sacristán | Marina Galvão Bueno | Bárbara Sophia Codeas | Pedro Enrique Navas-Suárez | María Alejandra Arias-Lugo | Ronaldo Gonçalves Morato | Rose Lilian Gasparini Morato | Rodrigo Hidalgo Friciello Teixeira | Sheila Canevese Rahal | José Luiz Catão Dias

Ponente: Michelle Colpani, michelle.colpani@unesp.br

Emerging infectious diseases have become increasingly common in recent years, especially those caused by RNA viruses, such as astrovirus, cardiovirus and rotavirus, as they are highly resistant to environmental conditions and have been associated with fatal outbreaks in both humans and animals. The aim of this study was to investigate the presence of astrovirus, cardiovirus and rotavirus in non-domestic felids, representing multiple Brazilian biomes, such as Amazon Forest, Atlantic Forest, Caatinga, Cerrado and its transition zones. Biological samples (i.e., blood, oral swabs, rectal swabs, and frozen tissues) were collected during health assessments or from roadkill animals. Samples were submitted to reverse transcriptase polymerase chain reaction (RT-PCR) for astrovirus detection and real time RT-PCR for rotavirus and cardiovirus, followed by genetic sequencing. Fifty wild felids were analyzed comprising 40 free-ranging and 10 captive animals of six different species: 19 ocelots (*Leopardus pardalis*), 12 pumas (*Puma concolor*), seven jaguarundis (*Herpailurus yagouaroundi*), six southern tiger-cats (*Leopardus guttulus*), three margays (*Leopardus wiedii*), and three jaguars (*Panthera onca*). An astrovirus was detected in rectal swab of a captive *L. guttulus* from São Paulo, while *Rotavirus A* (RVA) was detected in both intestine and trachea of a roadkill *P. concolor* from the same state. All felids were negative for cardiovirs. Phylogenetic analysis suggests that the retrieved astrovirus sequence (150bp) is more closely related to an astrovirus sequence detected in poultry (EU668998), within *Avastrovirus* group. This may represent an interspecific infection event or the ingestion of infected prey. Ongoing phylogenetic analysis will clarify its genotype. Microscopic evaluation of the rotavirus-positive tissues was impaired due to autolysis. To the authors' knowledge, these findings characterize the first worldwide detection of astrovirus and RVA in American felids, expanding the limited knowledge of zoonotic viruses circulating in this group. Further research is necessary to better understand their pathogenicity and zoonotic potential.

POSTER PRESENTATION

Ectoparasitas em Lobo-Guará no Brasil: Vetores de Doenças e Riscos em Áreas de Conflito Antrópico

Clara Murussi Beheregaray | Laura Berger Nunes | Luiza Rodrigues Tirelli | Vinícius Baggio de Souza | Rafaela Mallmann Bohn | Joares Adenilson May Junior | Adeydes Oliveira Reis | Renata Fagundes-Moreira | Bernardo Nassau de Souza | Valquíria Cabral Araújo | Giulia Nigro | Marcelo Bahia Labruna | Thiago Fernandes Martins | Rodrigo Hidalgo Friciello Teixeira | Mario Haberfeld | João Fábio Soares

Ponente: Clara Murussi Beheregaray, clara.berega@gmail.com

A análise de ectoparasitos de lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) é crucial para compreensão do papel ecológico deste carnívoro no ciclo biológico de espécies identificadas e da suscetibilidade a doenças vetoriais, devido à perda de habitat natural e aumento do contato com humanos e animais domésticos, que facilita o contato com vetores. Neste contexto, foram enviados à ProtozooVet da UFRGS para identificação ectoparasitos coletados em lobos-guarás capturados em áreas privadas de conservação de fauna em Cocos, Bahia, durante os anos de 2018 a 2022, e também amostras da CNC da Faculdade de Medicina Veterinária da USP, de indivíduos do Mato Grosso do Sul. Algumas ninfas de carrapato foram encaminhadas ao Laboratório de Doenças Parasitárias da UNESP para identificação morfológica. Foram identificadas carrapatos do gênero *Amblyomma* (*A. tigrinum*, *A. sculptum*, *A. triste*, *A. auricularium* e *A. parvum)* e *Rhipicephalus microplus*, pulgas *Pulex irritans* e *Tunga penetrans,* e piolho *Linognathus taeniotriccus*. *A. sculptum* é um dos vetores da febre maculosa, causada pela *Rickettsia rickettsii*, embora não seja endêmica da área de coleta. A identificação de *X. cheopis* é preocupante por ser vetor da bactéria zoonótica *Yersinia pestis*, causadora da peste bubônica, mas esta foi negativa no PCR. Ainda assim, o lobo-guará tem alto potencial disseminador devido ao grande espaço territorial percorrido pela espécie, diferente dos roedores que são hospedeiros mais comumente associados às *X. cheopis*.

POSTER PRESENTATION

The novel '*Candidatus* Mycoplasma haemosphiggurus' in free-ranging porcupines: host range and geographic distribution expansion

Nathana Beatriz Martins | Arthur Campoi Peluco | Isabela Silva Rodrigues de Sá | Delcio Almeida Magalhães | Laura Castro Silva | Marcio de Barros Bandarra | Aline Santana da Hora

Ponente: Aline Santana da Hora, alinedahora@ufu.br

A novel hemoplasma (hemotropic mycoplasma), designated *'Candidatus* Mycoplasma haemosphiggurus', was previously detected in *Coendou (Sphiggurus) spinosus* from Paraná State, Brazil. This study aimed to investigate the occurrence of hemoplasmas in free-ranging porcupines from the biobank of LIvE Vet, located in Uberlândia, Minas Gerais State, Brazil. Using qPCR targeting the 16S rRNA gene, blood or spleen samples from six *Coendou longicaudatus* individuals were analyzed. Hemotropic mycoplasmas were detected in 83.3% (n=5/6) of the porcupines, identifying a previously undocumented host species. Partial sequencing of the 16S and 23S rRNA genes confirmed two positive cases, showing 98.67% identity with the '*Ca.* M. haemosphiggurus' reference strain, thereby supporting its molecular identification. All animals were collected from the wild in debilitated condition and transferred to rehabilitation facilities in Uberlândia—a region where this hemoplasma had not been reported. Hemoplasma infections in mammals can range from subclinical to severe, including hemolytic anemia resulting in fatalities. Disease severity is related to host immune status and pathogen co-infections. Although specific clinical signs attributable to '*Ca.* M. haemosphiggurus' could not be assessed, 33.3% (n=2/6) of the animals showed cutaneous lesions pathognomonic for Brazilian porcupinepox virus (BPoPV) and tested PCR-positive for this emerging porcupine-specific poxvirus. Coinfection with BPoPV is another relevant factor that warrants investigation. Prior infection with hemoplasmas may act as an immunosuppressive trigger, increasing susceptibility to viral pathogens—or vice versa. These findings expand the known geographic distribution of '*Ca.* M. haemosphiggurus' to Minas Gerais State and identify *Coendou longicaudatus* as a novel host. Broader studies involving clinically healthy and diseased porcupines are essential to better understand hemoplasmas' epidemiological and pathological roles in these animals.

Spirometra spp. e *Echinococcus oligarthrus* em amostras fecais de onças-pintadas (*Panthera onca*): primeiro registro no Pantanal

Paul Raad | Bruna Mendonça Santos | Larissa Pereira Rodrigues | Anna Luisa Pizzaia Henrique | Ricardo Shoiti Ichikawa | Rafael Yoshinobu Ito | Lígia Souza Lima Silveira da Mota | Larissa Megumi Nogueira Sato | Maria Heloísa Gomes Silva de Oliveira | José Gabriel Gonçalves Lins | Felipe Fornazari

Ponente: Paul Raad Cisa, paulraadc@gmail.com

As onças-pintadas (Panthera onca) ocupam o topo da cadeia trófica, possuindo grande importância no equilíbrio dos ecossistemas. Estudar os parasitos que ocorrem em onças pode elucidar os ciclos de transmissão de enfermidades relevantes para a Saúde Única. Este estudo buscou investigar com análises moleculares a ocorrência de *Spirometra* spp. e *Ancylostoma caninum* em amostras fecais de onças-pintadas de vida-livre no Pantanal Norte, Brasil. Entre junho de 2022 e setembro de 2024, foram coletadas diretamente do ambiente 108 amostras fecais. Após uma triagem, foram selecionadas para o estudo 31 amostras, as quais apresentavam menor grau de degradação ambiental e eram compatíveis com fezes provenientes de onças-pintadas. Entre estas amostras, seis foram coletadas logo após o registro visual do animal defecando; e outra (número 72) foi selecionada por apresentar partes do parasito. As 31 amostras de fezes foram submetidas a extração de DNA e, em seguida, a dois protocolos (um para cada parasito investigado) de diagnóstico molecular utilizando a reação em cadeia pela polimerase (PCR). Foram empregados primers direcionados às regiões ITS (*A. caninum*) e cox1 (*Spirometra* spp.). Dois parasitos foram selecionados da amostra 72: um espécime foi submetido à PCR para *Spirometra* spp. e o outro foi analisado por microscopia óptica para a obtenção de dados morfométricos das proglotes. Todas as 31 amostras de fezes submetidas à PCR foram negativas para *A. caninum*; e 24 (77,4%) foram positivas para *Spirometra* spp.. Os dois parasitos apresentaram características morfométricas e genéticas compatíveis com o gênero *Spirometra*. Entre as amostras de fezes positivas, foram selecionadas duas para o sequenciamento genético, as quais apresentavam bandas forte e únicas (indicativas de amplificação de um único alvo). Entretanto, estas duas amostras revelaram alta similaridade com *Echinococcus oligarthrus*. Este é o primeiro registro da ocorrência tanto de *Spirometra* como de *Echinococcus oligarthrus* em onças-pintadas no Pantanal.

POSTER PRESENTATION

Protocolo de identificação visual no monitoramento de saúde e comportamento de tamanduás-bandeira (*Myrmecophaga tridactyla*) reabilitados, reintroduzidos e monitorados em vida livre pelo Instituto Tamanduá no Pantanal Sul

Luana Wnuk Ferreira | Thomas Labbe | Lorena Costa Moreira Santos | Danielle de Oliveira Moreira | Flávia Regina Miranda

Ponente: Luana Wnuk Ferreira, luanawnuk2@gmail.com

O tamanduá-bandeira (*Myrmecophaga tridactyla*), mamífero da superordem Xenarthra, apresenta padrões de manchas corporais únicos, que podem ser utilizados na identificação individual. Este estudo, desenvolvido no âmbito do Projeto Órfãos do Pantanal (Instituto Tamanduá), propõe um protocolo padronizado para registro dessas marcas em animais reabilitados e reintroduzidos na natureza, visando facilitar o monitoramento pós-soltura sem métodos invasivos. Os indivíduos reabilitados desde filhotes e soltos em Aquidauana (Mato Grosso do Sul) são monitorados por até dois anos usando coletes GPS/VHF e armadilhas fotográficas. Após a remoção do colete, a identificação torna-se desafiadora. Para suprir essa necessidade, desenvolveu-se um protocolo de identificação visual baseado em características morfológicas externas, individuais e permanentes de 10 tamanduás. As observações foram feitas de forma direta (em campo e por fotografias) e indireta (por armadilhas fotográficas). As principais regiões corporais consideradas foram: (1) membro torácico, avaliando a presença, formato e padrão de manchas escuras; (2) cauda, observando falhas ou irregularidades visíveis; (3) orelhas, quanto ao contorno e conformação; e (4) marcas adquiridas, como cicatrizes. Esse método tem permitido o reconhecimento de indivíduos reintroduzidos, mesmo após a retirada do colete de telemetria, contribuindo para o acompanhamento de sua adaptação à vida livre, reprodução, estado de saúde e comportamento. O protocolo pode auxiliar na criação de um banco de dados com imagens padronizadas, facilitando estudos ecológicos (deslocamento, uso de habitat, interações sociais), avaliação de saúde (cicatrização, condição corporal) e comportamento (adaptação, reprodução). Essa abordagem não invasiva, potencialmente integrada a tecnologias de inteligência artificial para análise automatizada de padrões, representa uma ferramenta promissora para programas de reabilitação e conservação da espécie, ameaçada por perda de habitat, doenças e atropelamentos. A padronização do método permite a replicação e integração de dados entre instituições, fortalecendo estratégias de manejo e pesquisa.

POSTER PRESENTATION

Esquistossomose em um gavião-caramujeiro (*Rostrhamus sociabilis*)

Nayara Toledo da Silva Martinez | Acácia Eduarda de Jesus Nascimento | Camila Issa Amaral | Roselene Ecco | Ayisa Rodrigues Oliveira

Ponente: Nayara Toledo da Silva Martinez, nayararesidenciaufmg@gmail.com

A esquistossomose aviária é uma parasitose causada por trematódeos da família Schistosomatidae que atacam diferentes espécies de aves e mamíferos. Hospedeiros vertebrados, principalmente aves, eliminam os ovos infectantes pelas fezes, pois os miracídios do eclodema nadam ativamente em busca de moluscos hospedeiros para se aprisionarem. Elas então se transformam em cercárias e são liberadas em grande número, com essas larvas penetrando na pele de hospedeiros vertebrados. Este estudo revela os achados anatomopatológicos em um exemplar de gavião-caramujeiro (*Rostrhamus sociabilis*) de vida livre, da região metropolitana de Belo Horizonte, Minas Gerais, submetido à necropsia com histórico de apatia, caquexia, diarreia enegrecida e fétida, hipotermia e palidez acentuada. Amostras de órgãos formais fixadas em formalina a 10% e enviadas ao Departamento de Patologia Animal da Universidade Federal de Minas Gerais para exame histopatológico. Os principais ovários microscópicos incluem dezenas de ovos de trematódeos medindo aproximadamente 50–100 µm, não encapsulados, com uma cutícula marrom espessa, frequentemente contendo miracídios em diferentes estágios de desenvolvimento, presos às vilosidades ou ovos no lúmen intestinal. Estruturas sugestivas de trematódeos adultos também foram observadas em vasos linfáticos da serosa intestinal, em estado de autólise baixa ou avançada, impossibilitando a identificação morfológica adequada. Apesar das limitações causadas pelo estado avançado de autólise, foi possível sugerir o diagnóstico de esquistossomose, com base nos numerosos ovos intraluminais. Este relato contribui para a disseminação da infecção por trematódeos da família Schistosomatidae em aves de rapina neotropicais, destacando a importância da vigilância epidemiológica e do diagnóstico macroscópico e microscópico. Além disso, reforça o conceito de Saúde Única, tendo em vista que esse patógeno tem relevância em saúde pública por ser o agente etiológico da dermatite cercariana em humanos.

Encontros agonísticos entre tamanduás-bandeira podem ser fatais

Grazielle Soresini | Mario H. Alves | Carla C. Gestich | Alessandra Bertassoni | Pedro M. Galetti Jr | Arnaud Desbiez

Ponente: Grazielle Soresini, grasoresini@gmail.com

Diversas interações agonísticas entre tamanduás-bandeira (*Myrmecophaga tridactyla*) foram previamente descritas, assim como encontros não agonísticos, especialmente envolvendo fêmeas com filhotes. No entanto, não há registros de encontros agonísticos fatais, mesmo que indiretamente, entre tamanduás de vida livre. Neste relato, descrevemos a evolução clínica e o óbito de um tamanduá-bandeira macho adulto que sofreu uma lesão ocular grave decorrente de um encontro agonístico com outro macho no Cerrado, Brasil Central. O animal, monitorado por telemetria, apresentava crostas na região periocular, terceira pálpebra lacerada, enoftalmia pronunciada e secreção purulenta no olho esquerdo. O tratamento consistiu na administração intramuscular de meloxicam e oxitetraciclina de ação prolongada. Foram coletadas amostras de sangue e swabs oculares bilaterais para análises hematológicas/bioquímicas e de cultura microbiológica/antibiograma. Os parâmetros sanguíneos estavam dentro dos valores de referência, e os swabs oculares isolaram *Staphylococcus aureus* em ambos os olhos e *Pseudomonas* sp. na amostra do olho lesionado. Apesar do tratamento instituído, o indivíduo apresentou perda progressiva de peso e evoluiu para óbito. A necropsia revelou a presença de fragmento de garra de tamanduá-bandeira alojado sob o globo ocular, não detectado durante o exame oftalmológico em campo. A garra foi coletada e submetida à identificação molecular, que confirmou que o fragmento era oriundo de outro indivíduo da mesma espécie. A provável causa do óbito foi sepse secundária à infecção ocular por *Pseudomonas* sp., bacilo gram-negativo frequentemente associado a infecções oftálmicas. O hemograma foi realizado em uma fase precoce da infecção, antes da manifestação sistêmica típica da sepse. Este relato destaca o comportamento agonístico como uma causa potencial de mortalidade para a espécie, especialmente em populações fragmentadas, onde o aumento da competição territorial pode favorecer comportamentos agonísticos que resultem em lesões graves e infecções fatais. Além disso, feridas abertas podem facilitar infecções oportunistas, comprometendo a viabilidade de populações já vulneráveis.

Investigação molecular de *Leishmania* spp. em morcegos de uma área endêmica do centro-oeste paulista.

Maisa Jampauli Bernardes | Lígia Souza Lima Silveira da Mota | Larissa Pereira Rodrigues | Benedito Donizete Menozzi

Ponente: Maisa Jampauli Bernardes, maisa.jampauli@gmail.com

Os quirópteros exercem funções ecológicas fundamentais, contudo, também podem estar envolvidos no ciclo epidemiológico de vários microrganismos potencialmente zoonóticos. Tal fato é intensificado pela modificação do ambiente natural, que impacta o equilíbrio dos ecossistemas, modifica a distribuição e a ecologia dos morcegos, podendo resultar em uma interação mais estreita entre esses animais e os humanos. A observação de patógenos em morcegos é uma estratégia crucial para identificar agentes zoonóticos e compreender a dinâmica de enfermidades em animais selvagens. Neste estudo, analisamos cinquenta morcegos para identificar DNA de *Leishmania spp*. Os animais vieram da Vigilância Ambiental de Bauru/SP, uma região considerada endêmica para a leishmaniose. Este estudo utilizou uma amostra de morcegos com uma diversidade biológica reduzida, composta por quatorze espécies, a maioria insetívora, pertencentes a três famílias. Amostras de fígado, baço, coração e pele de cada morcego foram coletadas e submetidas à extração de DNA com o kit *DNeasy Blood & Tissue* (Qiagen), seguindo as orientações do fabricante. A quantificação do material genético extraído foi feita com o uso de espectrofotômetro (NanoDrop ND-1000 Spectrophotometer – Thermo Fisher Scientific). Em seguida, as Reações em Cadeia da Polimerase (PCRs) foram realizadas em termociclador Eppendorf® Mastercycler® Nexus X2, utilizando os primers HSP70 para detecção de DNA de *Leishmania spp.* Todas as análises incluíram controles negativos e positivos. Por fim, os produtos de PCR foram visualizados em gel de agarose a 1,5%. Nenhuma amostra apresentou resultado positivo para a presença de material genético de *Leishmania spp.* A falta de resultados positivos pode indicar uma baixa taxa de infecção na população amostrada, além de reforçar a importância de prosseguir com esta pesquisa, ampliando a amostragem e empregando diversos conjuntos de primers, com distintos graus de sensibilidade e especificidade, com o objetivo de monitorar os tripanossomatídeos em morcegos.

POSTER PRESENTATION

Circulação do parvovírus canino em quatis (*Nasua nasua*) em parque urbano do Brasil

Janaina Ribeiro Duarte | Bruna Hermine de Campos | Jéssica de Souza Joaquim | Nadja Simbera Hemetrio | Grazielle Cossenzo Florentino Galinari | Zélia Inês Portela Lobato | Erica Azevedo Costa | Marcelo Pires Nogueira de Carvalho

Ponente: Janaina Ribeiro Duarte, drrbjana@gmail.com

O parvovírus canino tipo 2 (CPV-2) é um patógeno altamente resistente no ambiente e responsável por infecções entéricas severas em cães, podendo também afetar espécies silvestres, como os quatis (*Nasua nasua*). Em áreas urbanas, a sobreposição entre fauna silvestre, animais domésticos e humanos, especialmente em parques urbanos, podem favorecer a disseminação interespécies de patógenos. Este estudo teve como objetivo investigar a circulação do CPV-2 em quatis de vida livre em um parque urbano de Belo Horizonte, Minas Gerais. As capturas foram realizadas em 2021, abrangendo períodos seco e chuvoso, com aprovação ética e ambiental. Os animais foram anestesiados para exame clínico e coleta de sangue e swabs retais, armazenados em tubos com ativador de coágulo e solução salina tamponada com penicilina (200 U/mL) e estreptomicina (200 µg/mL) respectivamente. A presença de anticorpos anti-CPV foi avaliada por inibição da hemaglutinação, enquanto a detecção do DNA viral foi realizada por PCR, após extração com o kit DNA Mini Spin. Dos 63 indivíduos amostrados, 57% (36/63) apresentaram soroconversão com títulos ≥80, indicando exposição prévia ao vírus. Além disso, 29,5% (18/61) dos swabs retais testaram positivos para CPV-2 por PCR, sugerindo eliminação viral ativa. Os resultados revelam uma alta exposição dos quatis ao CPV-2 e indicam a persistência do vírus no ambiente, mesmo na ausência de sinais clínicos evidentes. A detecção do vírus em animais assintomáticos ressalta o papel desses hospedeiros na manutenção ambiental do patógeno e alerta para os riscos potenciais de transmissão entre animais silvestres e domésticos. Assim, o monitoramento sanitário da fauna urbana é essencial para a compreensão da ecologia de patógenos e para a implementação de estratégias de vigilância e prevenção no contexto da saúde única.

POSTER PRESENTATION

"One Burrow, One Health": The Potential Role of Armadillos in Early Detection of Reemerging Diseases and in the Promotion of Integrated Preventive Health Strategies in Wildlife, Domestic Animals, and Humans

Danilo Kluyber | Mayara Caiaffa | Ana C.M. Lobo | Arthur Bellini | Letícia Bolonha | Gabriela Longo | Mariana Catapani | Julia de A.C. Ramos | André L.R. Roque | Ana M. Jansen | Renata V. Timbo | Ciro M. Gomes | Bianca B.C. Amorim | Patricia D. Deps | Nathana B. Martins | Aline Santana da Hora | Giliane de S. Trindade | Tomas Moutinho | Expedito J.A. Luna | Idris Mhaidi | Julio Benavides | Arnaud L.J. Desbiez

Ponente: Danilo Kluyber, dkluyber@live.com

The Pantanal and Cerrado ecosystems in Brazil are recognized as global biodiversity hotspots. However, both have experienced severe habitat loss, resulting in serious consequences for wildlife. Human-induced factors such as hunting, close contact with domestic animals, and the movement of people with unvaccinated dogs contribute to the increased prevalence of diseases and higher vector densities. Armadillos are particularly susceptible to various zoonotic agents and may act as reservoirs for several parasitic diseases. This situation threatens the health of wildlife, domestic animals, and humans, especially in areas where these groups interact. In response to this complex scenario, the Wild Animal Conservation Institute (ICAS) launched the "One Burrow, One Health" initiative, a transdisciplinary team of veterinarians, physicians, nurses, and biologists in partnership with institutions specializing in zoonoses and animal infectious diseases. Two study areas of the giant armadillo were selected: one in the Pantanal and the other in the Cerrado, both in the state of Mato Grosso do Sul. Since 2023, biological samples have been collected from 104 free-living armadillos, 201 domestic dogs, 144 humans, and 100 giant armadillo burrows. Laboratory analyses are ongoing, focusing on reemerging zoonotic diseases such as Hansen's disease, leishmaniasis, Chagas disease, toxoplasmosis, and animal infectious diseases like canine distemper and parvoviral enteritis. Preliminary results show that 1/104 (0,96%) armadillo tested PCR-positive for *M. leprae*, 10/144 (3.47%) humans examined presented clinical signs of *Hansens' disease* and 96/144 (66.7%) presented antibodies against- *Toxoplasma gondii*. Among dogs, 1/201 (0.5%) tested positive for parvovirus, and 1/104 (0.96%) six-banded-armadillo, tested positive for canine distemper. This program aims to investigate the role of armadillos in the early detection of reemerging diseases and act on the development of public policies to control and to provide preventive health care for wild animals, domestic dogs, and humans.

Health under pressure: wild canid disease surveillance in a fragmented landscape in the Cerrado

Isis Zanini das Candeias | Caio Filipe da Motta Lima | Fernanda Cavalcanti de Azevedo | Fabiana Lopes Rocha | Frederico Gemesio Lemos

Ponente: Caio Filipe da Motta Lima; caio.lima@usp.br

Anthropogenic changes drive biodiversity loss and disease emergence, emphasizing the role of Conservation Medicine. The Brazilian Action Plan for Wild Canids Conservation considered diseases as critical threats, and a Wildlife Disease Risk Assessment (ICMBio, IUCN), highlighted canine distemper, parvovirus, ehrlichiosis, and anaplasmosis among the priority targets for surveillance. However, wildlife disease monitoring in Brazil remains limited by logistical, financial, and infrastructural challenges. Rapid diagnostic tests represent a promising tool for preliminary field assessments. This study aimed to assess the health of two wild canids species in the Brazilian Cerrado through a longitudinal conservation program developed in fragmented landscapes in Corumbaíba-GO. Three capture expeditions were conducted between 2023 and 2024 (SISBIO 14576-11; CEUA-UFG 108/19). Biological samples were collected from 14 hoary foxes (*Lycalopex vetulus*) and 44 crab-eating foxes (*Cerdocyon thous*). We used two tests designed for domestic dogs: Snap 4Dx® (IDEXX Laboratories) and Vaccicheck® (Biogal). Positivity was detected for *Anaplasma spp.* (8.33% in *L. vetulus*), *Ehrlichia spp.* (41.66% in *L. vetulus* and 22.5% in *C. thous*), Canine Distemper Virus (2.32% in *C. thous*), and Canine Adenovirus (13.95% in *C. thous*). There was no positivity for *Borrelia burgdorferi*, *Dirofilaria immitis*, and Canine Parvovirus. Differences in pathogen exposure between species suggest that ecological and behavioral traits may influence disease dynamics. These results underscore the necessity for continuous epidemiological surveillance of wild canid populations, particularly considering the increasing interactions with domestic dogs and humans. Rapid diagnostic tests emerge as a valuable tool for preliminary health screening and field-based monitoring. However, further validation of these tests for wild species is enhanced to improve diagnostic confidence and encourage broader application in wildlife health programs. Early detection of infectious and zoonotic agents is critical to prevent spillover events, support conservation strategies, and safeguard biodiversity, domestic animals, and human health within a One Health framework.

POSTER PRESENTATION

Ocorrência de *Spirometra* spp. em amostras fecais de onças-pintadas (*Panthera onca*)

Paul Raad | Samuel Bressan | Flávio Paixão de Alencar Junior | Richard de Campos Pacheco | José Gabriel Gonçalves Lins | Felipe Fornazari

Ponente: Paul Raad; paulraadc@gmail.com

As onças-pintadas (*Panthera onca*) podem atuar como bioindicadoras da saúde ambiental, especialmente em regiões com intensa interface entre a fauna silvestre, humanos e animais domésticos. Alguns parasitos presentes nesses felinos ou em suas presas representam importância em Saúde Única, sendo essencial monitorar sua presença. Este estudo investigou a ocorrência de parasitos intestinais em amostras fecais de onças-pintadas de vida-livre no Pantanal Norte. Entre junho e setembro de 2024, foram coletadas diretamente do ambiente dez amostras fecais na região da Pousada Piuval, município de Poconé, Mato Grosso, Brasil. Três amostras foram obtidas imediatamente do ambiente após observar os animais defecando – tais amostras eram provenientes de dois animais, sendo que duas amostras foram obtidas de um único indivíduo. Sete amostras foram coletadas do ambiente através de buscas ativas, sem identificar o animal. Todas as amostras foram classificadas como provenientes de onças-pintadas com base em critérios previamente estabelecidos. Foram empregadas as técnicas coproparasitológicas de Faust, Willis-Mollay e Hoffman, que revelaram a presença de ovos de *Spirometra* spp., presentes em 100% das amostras. Em menor frequência, foram identificados ovos de *Toxocara* spp. em duas amostras e ovos de *Ancylostoma* spp. em uma amostra. A ocorrência de *Spirometra* sugere que as onças-pintadas podem atuar como hospedeiros definitivos deste parasito na região do Pantanal. Os resultados sugerem que estes grandes felinos podem atuar como sentinelas da saúde ambiental, uma vez que podem indicar a presença de parasitos no ambiente e em outras espécies silvestres que são predados pelas onças. Os resultados também indicam a importância de metodologias não invasivas para estudar parasitos intestinais em grandes felinos silvestres. Este é o primeiro relato da presença de *Spirometra* spp. em onças-pintadas no Pantanal.

POSTER PRESENTATION

Treatment of pressure gun fractures and release in the wild of a caracara (*Caracara plancus*)

Guilherme R. Cassanego | Sheila C. Rahal | Bruno O. Risso | Anita M. Pigatto | Heloísa Coppini de Lima

Ponente: Heloísa Coppini de Lima; heloisacoppini@hotmail.com

The caracara is a diurnal bird of prey that feeds on carrion but also captures live prey, relying heavily on its wings for survival. This species has been subjected to various traumatic events and even trapped due to animal trafficking. This report describes the treatment progression of a free-living Southern Crested Caracara (*Caracara plancus plancus*) with gunshot-related fractures. The bird was found lying on a public road. Radiographic examination revealed a comminuted fracture in the mid-diaphysis of the humerus with displaced fragments, a comminuted fracture in the proximal third of the radius shaft, and bullet fragments. The humerus fracture was immobilized using a unilateral Type Ia acrylic resin pin skeletal fixator, applied without opening the fracture site, and remained in place for four weeks. A figure-of-eight bandage was used to stabilize the radius fracture for one week. The largest bullet fragment was also removed. After the implants were removed, the bird underwent a rehabilitation protocol with flight training aimed at achieving full functional recovery. Although physical examination revealed no mobility at the fracture site upon palpation, the humeral fracture line was still visible five months after surgery. At that time, the bird was released into the wild, highlighting the importance of appropriate interventions for the preservation of native fauna.

Occurrence of Brazilian Porcupinepox Virus (BPOPV) in free-ranging porcupines (*Coendou longicaudatus*) from Southeastern Brazil

Nathana Beatriz Martins | Yuri de Souza Linhares | Isabela Silva Rodrigues de Sá | Delcio Almeida Magalhães | Laura Castro Silva | Marcio de Barros Bandarra | Aline Santana da Hora

Ponente: Aline Santana da Hora; alinedahora@ufu.br

The Brazilian porcupinepox virus (BPoPV), a novel poxvirus, was first identified in a free-ranging porcupine (*Coendou longicaudatus*) in 2021. Associated with severe dermatological lesions, systemic clinical signs, and mortality. This study aimed to investigate the occurrence of BPoPV in free-ranging porcupines admitted for veterinary care in Uberlândia, Minas Gerais, Brazil — the original site of the first detection of the virus. From 2021 to 2025, a total of 27 porcupines were screened using PCR targeting the viral putative metalloproteinase gene. Of these, 48% (n=13/27) tested positive for BPoPV. The group comprised 78% (n=21/27) females, 15% (n=4/27) males, and 7% (n=2/27) individuals of undetermined sex. The age distribution included 63% adults (n=17/27), 22% (n=6/27) juveniles, 11% (n=3/27) cubs, and 4% (n=1/27) of unknown age. Dermatological lesions consistent with BPoPV were observed in 37% (n=10/27) of the animals, all of which (100%) tested positive for BPoPV, while 63% (n=17/27) showed no characteristic signs at admission; of these, 18% (n=3/17) tested positive for BPoPV. The most frequent clinical manifestations included edema (46.2%, n=6/13), lethargy (38.5%, n=5/13), dyspnea (30.8%, n=4/13), pulmonary crackles (30.8%, n=4/13), and ocular discharge (30.8%, n=4/13). Less common findings comprised cutaneous trauma such as lacerations and hematomas (15.4%, n=2/13), tail swelling (15.4%, n=2/13), abscesses (15.4%, n=2/13), and tail necrosis (7.7%, n=1/13). Among the BPoPV-positive animals, 53.8% (n=7/13) died, 23.1% (n=3/13) were released after clinical recovery, 7.7% (n=1/13) were transferred to another facility, 7.7% (n=1/13) remain under care, and 7.7% (n=1/13) had unknown outcomes. These findings highlight the high occurrence and mortality associated with BPoPV in *C. longicaudatus*, underscoring the virus's pathogenic potential. The detection of subclinical cases emphasizes the need for ongoing molecular surveillance and further research into the virus's epidemiology, transmission, and implications for wildlife health and conservation.

Discoespondilite em pinguim-de-Magalhães (*Spheniscus magellanicus*) de vida livre

Janaina Rocha Lorenço | Beatriz Souto de Freitas Vieira | Lívia Maria Ribeiro Saraiva | Alessandra França Mariano dos Santos | Gabriela Bezerra | Daphne Wrobel Goldberg

Ponente: Janaina Rocha Lorenço, janaina.rocha.lorenco@gmail.com

RESUMEN: A discoespondilite é uma infecção caracterizada pelo envolvimento dos discos intervertebrais e os corpos das vértebras adjacentes. Já foi descrita em diversas espécies de animais, porém com baixa prevalência em pinguins e ainda não relatado em animais provenientes de vida livre. O presente estudo descreve um caso de discoespondilite em Spheniscus magellanicus de vida livre. Um pinguim–de–Magalhães, juvenil, foi resgatado em Arraial do Cabo, RJ pelo PMP-BC/ES e encaminhado para reabilitação no Instituto Albatroz, com sinais de síndrome metabólica. Ao apresentar melhora do quadro clínico inicial, assumia uma posição curvada com alteração no posicionamento de membros pélvicos e ao descansar, sentava-se nos jarretes ou deitava-se na quilha. Os exames físicos e neurológico revelaram paraparesia de membros posteriores, déficits proprioceptivos, claudicação, caminhada na ponta do pé direito, além de aumento de volume em região lombar. O exame radiográfico constatou inflamação em topografia caudal de sinssacro, e posteriormente, o exame de tomografia computadorizada evidenciou uma discoespondilite em T7/T8, além de lesão lítica em acetábulo esquerdo, indicativa de osteomielite associada. Os resultados do hemograma apontaram anemia normocítica normocrômica regenerativa e leucocitose por heterofilia. Também foi realizada cultura de traqueia, onde foram isolados *Proteus* spp. e *Enterobacter aerogenes*. Durante o tratamento com Marbofloxacino (5mg/kg, VO, BID, por 60 dias), cloridrato de tramadol (10mg/kg, VO, BID, por 7 dias), meloxicam (0,2 mg/kg, VO, SID, por 5 dias), canabidiol (THC 3 gotas, 150 mg/mL e CBD 3 gotas, 150 mg/mL), fototerapia dinâmica 8J, terapia neural e acupuntura, o paciente apresentou melhora significativa e voltou a permanecer em estação e a movimentar-se com destreza. O animal segue em tratamento, com previsão de transferência para um oceanário autorizado como mantenedouro de fauna ex situ.

Impacto da interação de vandalismo e agressão em Fragatas (*Fregata magnificens*) no Rio de Janeiro, Brasil.

Karina Passini Tarozzi | Luis Edmundo dos Santos-Filho

Ponente: Karina Passini Tarozzi, kakapassini@gmail.com

Entre os anos de 2019 e 2024, um número significativo de aves afetadas por interações antrópicas foi registrado na região costeira do estado do Rio de Janeiro, abrangendo os municípios de Paraty a Saquarema. Esta área é acompanhada pelo Projeto de Monitoramento de Praias (PMP), iniciativa desenvolvida para atender às exigências relacionadas ao licenciamento ambiental federal, sob a supervisão do IBAMA, no contexto das atividades de exploração e produção (E&P) offshore de petróleo e gás natural realizadas pela PETROBRAS nas Bacias de Santos. Nesse período, 546 aves da espécie *Fregata magnificens* foram necropsiadas e 77 carcaças (14,1%) receberam classificação de grau 3 de interação antrópica associada à agressão/vandalismo ou caça. No total, 67 aves eram adultas, sendo 35 fêmeas e 32 machos. A classificação de interação antropogênica 3 está relacionada com a comprovação macroscópica inerente da interação antrópica, como contato com artefatos de pesca, resíduos, entre outros. Foi utilizado o banco de dados público, Sistema de Informação de Monitoramento da Biota Aquática - 1.0.0, para estudo e análises dos dados, evidenciando um cenário comprometedor para a medicina da conservação da espécie. O método utilizado para avaliação foi o exame necropsial, que constatou a maioria dos achados compatíveis com traumas violentos, incluindo rupturas musculares, tendinosas e, na maioria dos casos, fraturas expostas multifragmentadas. O presente estudo desempenha um papel importante na conservação da vida marinha e da biodiversidade, destacando a importância do monitoramento contínuo na obtenção de dados consistentes. Esses dados são essenciais para embasar estratégias direcionadas à mitigação dos impactos decorrentes das ações humanas em proximidades de ambientes estuarinos e rochosos, contribuindo para uma gestão sustentável do ecossistema marinho.

Carcinoma renal tubular em atobá-grande (*Sula dactylatra*)

Maraya Lincoln Silva | Viviane Barquete | Leandro Egert | Igor Lyra | Driellie Florencio de Melo | Valeria Ruoppolo

Ponente: Maraya Lincoln Silva, maraya96ls@gmail.com

O atobá-grande (*Sula dactylatra*) é uma ave pelágica de vida longa amplamente distribuída, o que pode ser um fator predisponente para o desenvolvimento de neoplasias, pela exposição a contaminantes ambientais persistentes, que induzem danos ao DNA ou mutações. Embora classificado como Pouco Preocupante (LC) pela IUCN, sua população está decrescendo principalmente devido a pressões antrópicas. O carcinoma renal é uma neoplasia maligna primária, classificada com base em padrões histológicos e citológicos. Um atobá-grande foi resgatado após pousar em uma plataforma de exploração de petróleo na Bacia de Santos, apresentando apatia e dificuldade de locomoção. Na avaliação clínica estava magro, infestado por piolhos e incapaz de manter a postura. Exames complementares revelaram aumento de volume em cavidade celomática, anemia e leucocitose. Apesar dos esforços, foi a óbito após sete dias em reabilitação. A necropsia revelou doença crônica, com congestão de diversos órgãos, rim esquerdo aumentado (8,5x6,5 cm), com áreas irregulares, escurecidas e conteúdo rígido amarelado, sugerindo neoplasia necrosante. A análise histopatológica indicou massa tumoral formada por estruturas tubulares organizadas, células cuboides de núcleos ovais, raras mitoses e nucléolos evidentes. Estroma discreto, vascularizado, com trombos e macrófagos pigmentados, além de hemorragia e necrose moderadas, confirmando carcinoma tubular renal. Neoplasias renais são incomuns em aves selvagens, sendo observadas quando mantidas sob cuidados humanos, principalmente psitacídeos. Em animais, a etiologia do carcinoma renal é indefinida, mas fatores de risco incluem idade, obesidade e exposição a carcinógenos químicos. Um estudo recente relatou linfoma e outras neoplasias em um atobá-pardo (*Sula leucogaster*), sugerindo relação com fatores ambientais ou idade avançada. Este relato enfatiza a importância de investigações de saúde na fauna que avaliem os impactos da poluição e contaminantes químicos nas espécies marinhas, destacando a necessidade de mais pesquisas para entender como estes fatores afetam a vida selvagem e a conservação das espécies.

Alterações cardíacas congênitas em cetáceos costeiros no litoral sul e sudeste do Brasil , relatos de casos

Giulia Gaglianone Lemos | Marta J. Cremer | Jenyffer V. Vierheller | Cinthia G. C. de Oliveira | Gustavo Valença | Angélica M. Sánchez-Sarmiento | Carla B. Barbosa | Raquel B. Ferioli

Ponente: Giulia Gaglianone Lemos, giulia.lemos@univille.br

A toninha (*Pontoporia blainvillei*) e o boto-cinza (*Sotalia guianensis*) são espécies de cetáceos que ocorrem no litoral sul e sudeste do Brasil. Por serem costeiras, estão mais suscetíveis a impactos antrópicos diretos, como emalhe em redes de pesca, e indiretos, como a bioacumulação de poluentes. De maneira geral, pouco se sabe sobre alterações cardíacas congênitas em cetáceos, incluindo comunicações entre os grandes vasos, ventrículos (defeito do septo interventricular) e átrios (forame oval), justificando a necessidade de estudos voltados a esta temática. No período de 2023 a 2025, 46 *P. blainvillei* e *5 S. guianensis* (filhotes e fetos), foram registrados encalhados em Ubatuba-SP e São Francisco do Sul-SC. As carcaças dos cetáceos foram submetidas a necropsia no âmbito do Projeto de Monitoramento de Praias da Bacias de Santos (PMP-BS), licenciado pelo governo brasileiro para o atendimento de condicionante ambiental federal nos estados de Santa Catarina, Paraná (ABIO 640/2015) e São Paulo (ABIO 1169/2019). Os corações foram dissecados seguindo o fluxo da circulação sanguínea. Foi observada presença de defeito do septo interventricular em um filhote de toninha (2,17%; 1/46), em um feto e em um filhote de boto-cinza (40%; 2/5). Anomalias cardíacas são raramente diagnosticadas em cetáceos. Tal cenário pode ser atribuído à baixa ocorrência deste tipo de afecção ou por um déficit no diagnóstico, influenciado pelo perfil de encalhes, viabilidade de carcaças, complexidade do protocolo específico para inspeção cardíaca, experiência do patologista, entre outros. Esta pesquisa contribui com o conhecimento da ocorrência de alterações cardíacas congênitas.

POSTER PRESENTATION

Melanoma intraocular em *Sula leucogaster*: relato de caso

Gabriela Bezerra | Daniela Farias da Nóbrega | Janaina Rocha Lorenço | Beatriz Souto de Freitas Vieira | Daphne Wrobel Goldberg

Ponente: Janaina Rocha Lorenço, janaina.rocha.lorenco@gmail.com

Os tumores melanocíticos são raros em aves, com poucos registros na literatura, especialmente em aves marinhas. A maioria dos relatos envolve psitacídeos, enquanto casos descritos em aves marinhas são escassos, tornando este relato particularmente relevante. Este estudo descreve um caso de melanoma intraocular em um *Sula leucogaster*, resgatado em Arraial do Cabo, RJ pelo PMP-BC/ES. O indivíduo apresentava comprometimento da acuidade visual do olho esquerdo, com a íris difusamente enegrecida. Durante o processo de reabilitação, foi a óbito de forma súbita, sendo submetido à necropsia e à análise histopatológica. O exame necroscópico evidenciou principalmente congestão generalizada e proliferação de tecido enegrecido em globo ocular esquerdo. A análise microscópica revelou proliferação extensa de células melanocíticas organizadas em feixes irregulares na íris, corpo ciliar e coróide, com discretos grânulos enegrecidos intracitoplasmáticos, acentuado pleomorfismo nuclear e eventuais figuras de mitoses. Também foram observados descolamento de retina e sinéquia anterior, compatíveis com lesões secundárias. Os achados foram consistentes com o diagnóstico de melanoma intraocular, uma neoplasia maligna de células produtoras de melanina, geralmente provenientes do trato uveal, com crescimento infiltrativo e comportamento clínico agressivo. Embora a etiologia dos melanomas em aves não seja bem compreendida, fatores como idade avançada e exposição prolongada à radiação ultravioleta têm sido sugeridos como possíveis predisponentes. Relatos prévios descrevem melanomas em psitacídeos e outras aves, incluindo casos na região cefálica e ocular, mas há escassez de registros em suliformes. A ocorrência intraocular da neoplasia reforça a necessidade de maior investigação sobre sua etiologia e fatores predisponentes em aves marinhas. O presente relato contribui para o conhecimento das neoplasias oftálmicas em *Sula leucogaster* e destaca a importância do exame histopatológico no diagnóstico de afecções oculares em animais de vida livre.

Infecção por *Toxocara* spp. e *Toxascaris* sp. em felídeos silvestres no Rio Grande do Sul, Brasil.

Luiza Rodrigues Tirelli | Laura Berger Nunes | Clara Murussi Beheregaray | Gabrielle Zanettini Tres | Vitor Gabriel Cardozo da Silva | Saulo Petinatti Pavarini | João Fabio Soares

Ponente: Luiza Rodrigues Tirelli, luizartirelli@gmail.com

O estado do Rio Grande do Sul tem a maior diversidade de felinos silvestres do Brasil, contando com oito espécies nativas. Dados sobre a situação sanitária dessas populações são escassos, bem como o impacto que as infecções parasitárias possuem para a conservação dessas espécies. Toxocaríase é uma infecção causada por nematódeos do gênero *Toxocara*, cujo os adultos parasitam o intestino delgado. As formas larvais, por sua vez, fazem migração por diversos órgãos do hospedeiro. Possuem como hospedeiros preferenciais os cães e gatos domésticos. No entanto, a infecção por tais helmintos é zoonótica, ocorrendo principalmente em pessoas com situações socioeconômicas mais vulneráveis. Outro parasito entérico encontrado em felídeos é *Toxascaris leonina*, que possui pouca relevância zoonótica. Exemplares adultos foram coletados diretamente do intestino de felinos atropelados encaminhados para necropsia, de 2019 a 2025. Após a visualização macroscópica dos helmintos, os exemplares foram encaminhados ao Laboratório de Protozoologia e Rickettsioses Vetoriais (ProtozooVet) para identificação morfológica, por diferenciação de características específicas de cada espécie e também a distinção entre machos e fêmeas. Dentre as espécies de felinos, foram analisadas amostras de *L. munoai (7), L. geoffroyi (2), L. guttulus (2), Puma concolor (1), Herpailurus yagouaroundi (2)* e *L. wiedii (1).* Os achados incluem infecção tripla por adultos de *Toxacara canis, Toxocara cati* e *Toxascaris leonina* em um indivíduo de *L. munoai*. Coinfecção por *T. canis* e *T. leonina* em um indivíduo de *L. guttulus.* Coinfecção por *T. canis* e *T. cati* em outros 5 felídeos. Infecções por apenas uma espécie de ascarídeo estavam presentes em 3 animais coletados. Foram encontrados tanto fêmeas como machos dos nematódeos nos intestinos dos felinos analisados. O presente estudo contribui para a compreensão da situação sanitária das populações de felinos silvestres do Rio Grande do Sul, além de evidenciar a manutenção do ciclo desses parasitas no ambiente natural.

Evidence of interaction with nylon monofilament and sublethal effects on pectoral fin bones of Guiana Dolphins (*Sotalia guianensis*) from the coast of Rio Grande do Norte, northeastern Brazil.

Ana Bernadete Lima Fragoso | Flávio José de Lima Silva

Ponente: Ana Bernadete Lima Fragoso; anafragoso@uern.br

The Guiana dolphin, *Sotalia guianensis*, is the most common cetacean species on the coast of northeastern Brazil. Cases of interaction between the species and fishing gear are increasingly frequent due to the coastal habit of the species. The gears are produced by nylon monofilament, a material that persists for a long time in the environment. The present study aimed to analyze injuries in the pectoral fins of *S. guianensis* produced by nylon monofilament. The samples came from specimens from the scientific collection of the Marine Biota Monitoring Laboratory – Cetaceans of Costa Branca Project of the State University of Rio Grande do Norte (PCCB-UERN). The individuals were recorded dead stranded during daily monitoring actions on beaches on the coast of Rio Grande do Norte between 2016 and 2023. Two individuals showed signs of interaction with nylon monofilament in their fins. One case affected the right humerus and the other, more severe, in a juvenile individual with severe signs in the bones of the left pectoral fin. In the latter case, the bones of the radius and ulna showed intense bone remodeling with signs of post-traumatic infection and the monofilament remained. Both cases of interaction occurred in the region of the base of the pectoral fins. Although the injuries did not cause the death of the animals, the injuries served as a gateway for pathogens and caused post-traumatic infection. The nylon monofilament apparently remained for a long time and may have hindered the movement of the limbs. Cases of severe cuts reaching important vessels can also cause the death of the animals. Quantifying sublethal cases of these interactions with nylon artifacts is important for assessing the impacts of manufactured plastic materials that are often abandoned in the oceans.

POSTER PRESENTATION

Primeiro Relato de *Plasmodium cathemerium* em *Larus dominicanus*: Uma Abordagem Integrativa

Luiz Filipe Moreira Pereira | Vitória Loiola Batista | Pedro Henrique Oliveira Pereira | Lis Marques de Carvalho e Vieira | Luiz Gustavo Magalhães Alves | Regiane da Silva Rodrigues | Érika Martins Braga

Ponente:Luiz Filipe Moreira Pereira; luizmope@gmail.com

Hemosporídeos são protozoários heteroxênicos transmitidos por dípteros hematófagos. Estes parasitos são amplamente estudados em aves e possuem distribuição global. Contudo, a prevalência das infecções em aves marinhas é considerada baixa ou até mesmo ausente. Embora existam relatos moleculares de Charadriiformes infectados por hemosporídeos, a espécie *Larus dominicanus* nunca havia sido comprovada como hospedeiro competente para Plasmodium. Ou seja, a visualização de gametócitos (formas infectantes) destes parasitos na corrente sanguínea nunca havia sido reportada, fato que comprovaria o hospedeiro como capacitado para transmitir a infecção aos vetores. Este estudo representa o primeiro relato morfológico de Plasmodium nesta ave. Amostras de sangue foram coletadas de um espécime de *Larus dominicanus* encontrado encalhado pelo Programa de Monitoramento de Praia da Baía de Santos, Área SC/PR (PMP-BS), em março de 2022. Realizou-se a extração de DNA e amplificação de um fragmento de 479 pb do gene mitocondrial cytb, o qual foi sequenciado, bem como a preparação de duplicatas de esfregaços sanguíneos corados com Giemsa 10% e analisados em microscópio óptico com aumento de 100x. O sequenciamento confirmou se tratar da espécie *Plasmodium cathemerium* com 100% de identidade, e todas as formas sanguíneas do parasito, incluindo gametócitos, foram observadas nos esfregaços, comprovando a competência do hospedeiro. Plasmodium cathemerium é uma espécie generalista e cosmopolita, tendo sido descrita em diferentes espécies de Passeriformes nas américas, e com potencial patogênico já relatado em pinguins em cativeiro. Adotando uma abordagem integrativa, este trabalho aprofunda o conhecimento sobre infecções por hemosporídeos em aves marinhas e destaca o possível papel destas aves como reservatórios silvestres de *P. cathemerium* no Brasil — uma espécie generalista e potencialmente patogênica, cuja investigação deve ser priorizada em estudos futuros.

POSTER PRESENTATION

Evaluación de patógenos zoonóticos en roedores invasores de Punta San Juan, Perú

Carlos Calvo-Mac | Susana Cárdenas-Alayza

Ponente: Carlos Calvo-Mac; calo.25388@gmail.com

Punta San Juan, situada en la región Ica de Perú, es un ecosistema costero protegido que alberga una rica biodiversidad, incluyendo especies amenazadas de aves y mamíferos marinos. La reserva cuenta con un muro de concreto que la protege de amenazas externas; sin embargo, los roedores invasores, como la rata negra (*Rattus rattus*) logran ingresar y representan un peligro significativo para la conservación del hábitat y la salud pública debido a su papel como reservorios de patógenos zoonóticos. Este estudio tiene como objetivo evaluar la presencia y prevalencia de virus zoonóticos respiratorios, como Influenza A y SARS-CoV-2, así como de *Toxoplasma gondii* y *Leptospira* spp., en roedores de tres áreas con diferentes niveles de impacto humano dentro y en las cercanías de Punta San Juan. Los especímenes serán capturados mediante trampas cebadas y se colectarán muestras de sangre, hisopados y tejidos para análisis serológicos y moleculares. Se empleará el Respiratory Virus Panel de Illumina para la detección de virus respiratorios, qPCR para *T. gondii* y *Leptospira* spp., Western Blot para IgG contra T. gondii, y un kit comercial de ELISA para la detección de IgG e IgM contra *Leptospira* spp. Los resultados se analizarán para determinar la prevalencia de estos patógenos en las poblaciones de roedores, diferenciando entre el área protegida y zonas adyacentes. Este proyecto contribuirá significativamente al entendimiento de la ecología de patógenos zoonóticos en ecosistemas costeros protegidos, proporcionando información clave para desarrollar estrategias de conservación integradas y programas de vigilancia epidemiológica bajo el enfoque de Una Salud. Los hallazgos fortalecerán la implementación del Plan Nacional sobre Especies Exóticas e Invasoras y apoyarán la toma de decisiones basadas en evidencia para proteger tanto la biodiversidad como la salud pública en Punta San Juan.

Escherichia coli ST219 productora de CTX-M-55 en *Larus dominicanus* de Isla Navarino, Chile: registro más austral de patógenos resistentes de prioridad crítica en fauna silvestre

Mª Valentina Martínez-Pincheira | Montserrat Del Campo-Parod | Jorge Campos-Tabilo | Edhnita Inostroza-Muñoz | Valentina Aravena-Ramírez | Fredy Riquelme | Catalina Parragué-Migone | Sebastián Muñoz-Leal | Danny Fuentes-Castillo

Ponente: Mª Valentina Martínez-Pincheira; mamartinez2020@udec.cl

La resistencia bacteriana a los antimicrobianos es una problemática sanitaria mundial. *Enterobacterales* productoras de betalactamasas de espectro extendido (E-BLEE) son consideradas patógenos resistentes críticamente prioritarios que se expanden a diversos y remotos lugares. Durante febrero del 2025, se colectaron 34 torulados de heces de aves silvestres de Isla Navarino, Chile. Las muestras fueron conservadas en medios Amies hasta ser sembradas en Agar MacConkey suplementado con 2 ug/ml de ceftriaxona. Los aislados positivos se identificaron bioquímicamente y sometidos a pruebas de susceptibilidad antimicrobiana y sinergismo de doble disco para confirmación de BLEE. Se extrajo el ADN de una colonia E-BLEE positiva para secuenciar su genoma completo a través de la plataforma Illumina NovaSeq-X-Plus y analizarlo con herramientas bioinformáticas. A partir de una muestra de gaviota dominicana (*Larus dominicanus*) se identificó una *Escherichia coli* perteneciente al linaje ST219 portando genes de resistencia para betalactámicos (*blaCTX-M-55*), sulfonamidas (*sul1*), aminoglucósidos (*aac(3)-VIa, aadA1*) y para macrólidos, lincosamidas y estreptograminas (*lnu(F)*). Asimismo, posee factores de virulencia que influyen sobre la captación de hierro (*chuA, iutA, iroN, sitA*), adaptación y supervivencia en el ambiente (*gad, nlpI, eliA*), adhesinas (*fimH, yehA, yehB, yehC, yehD*), hemolisinas (*hlyF, hlyE*), actividad de colicina (*cma, cia*), resistencia sérica (*traT, Iss*) y proteasas (*ompT, tsh*). Este hallazgo no solo evidencia uno de los reportes más australes de E-BLEE colonizando a un ave silvestre, sino que también es la primera vez que este linaje se localiza en Chile, lo que nos alerta sobre investigar las posibles vías de adquisición y diseminación de esta cepa bacteriana y como podría impactar a la salud pública, biodiversidad del ecosistema austral y a la misma vida silvestre que lo habita. Por esta razón tenemos el deber de mejorar los estudios epidemiológicos de la zona para proteger y preservar a nuestra fauna silvestre. Financiamiento FONDECYT 11220177 y 11241097.

Estrutura móvel de resposta para aves silvestres em atendimento à emergência zoossanitária de influenza aviária altamente patogênica (IAAP) no Estado do Rio de Janeiro, Brasil.

Mirella Lauria D'Elia | Rodolfo Pinho da Silva Filho | Valquiria Agnes Cardoso Côrtes | Germana Vizzotto Osowski | Silvia Neri Godoy | Valeria Ruoppolo

Ponente: Mirella Lauria D´Elia; mirella.delia@aiuka.com

Estruturas de resposta para atendimento à fauna silvestre em campo durante emergências constituem um grande desafio para os especialistas de fauna, uma vez que as variáveis climáticas, geográficas e logísticas somadas à escassez de recursos humanos e materiais disponíveis se colocam como grandes obstáculos para os respondedores. A Influenza Aviária Altamente Patogênica (IAAP) H5N1 disseminou-se na América do Sul no final de 2022, impactando significativamente as populações de aves silvestres e comerciais. Em resposta, a Secretaria de Estado de Agricultura, Pecuária e Abastecimento do Rio de Janeiro (SEAPA-RJ) convocou diversas instituições e articulou um Plano de Contingência para prevenção, detecção precoce e controle da IAAP em aves comerciais no estado. Como parte do escopo da contingência, um projeto de instalação móvel foi desenvolvido para possíveis necessidades de manejo de aves silvestres a campo. A estrutura visa minimizar o potencial impacto do surto sobre os Centros de Triagem de Animais Silvestres e Centros de Reabilitação de Animais Silvestres do Estado do RJ e garantir suporte operacional em zonas de alto risco onde determine-se a quarentena de aves limícolas e marinhas assintomáticas. A estrutura foi desenvolvida a partir de reuniões realizadas com equipes respondedoras à epizootia de outros países como Estados Unidos e África do Sul. O projeto da instalação móvel foi constituído de três tendas interconectadas, onde cada uma exercia a função de: 1) paramentação e desparamentação; 2) atendimento ambulatorial e 3) internação. Os recursos mínimos necessários para atendimento do fluxo da estrutura também foram mapeados e disponibilizados no plano a fim subsidiar equipes de outros estados e instituições em futuros eventos. Esse trabalho tem por objetivo apresentar a estrutura da instalação móvel proposta para o enfrentamento da epizootia de Influenza Aviária no estado, baseada nas orientações e regulamentações sanitárias vigentes regulamentadas pelo Ministério da Agricultura e Pecuária.

POSTER PRESENTATION

First Report of Avian Malaria in Cory's Shearwater (*Calonectris borealis*) Stranded in a Coastal Area in Brazil

Bruna Antonetti Damato | Carolina Clares dos Anjos | Raquel Beneton Ferioli | Angélica M. Sánchez-Sarmiento | Amanda R. da Mata | Carla B. Barbosa | Hugo Gallo Neto | Carolina Romeiro Fernandes Chagas | Gediminas Valkiūnas | Karin Kirchgatter

Ponente: Bruna Antonetti Damato; brunantonetti@usp.br

The Cory's shearwater (*Calonectris borealis*) is a long-lived migratory seabird from the family Procellariidae, widely distributed across the North Atlantic Ocean and the Mediterranean Sea. It inhabits diverse environments, including rocky areas, caves, and marine ecosystems. Long-distance and long-duration migrations significantly contribute to the dispersal and exchange of pathogens across regions. Plasmodium, a genus of apicomplexan parasites, causes avian malaria and affects a wide range of wild birds globally. Despite the low prevalence in seabirds, Plasmodium infections can significantly impact these hosts. In this study we identify and characterize a species of Plasmodium from a juvenile, male *C. borealis* found live-stranded in the northern coast of São Paulo, Brazil, during activities of the Santos Basin Beach Monitoring Project (PMP-BS). The specimen was euthanized after 61 days, due to poor prognosis. Blood and tissue samples were collected and analyzed using morphological approaches, in addition to PCR and sequencing targeting the mitochondrial cytochrome b (cytb) and nuclear 18S rRNA genes. Additionally, a phylogenetic reconstruction was performed to determine the evolutionary relationships of this Plasmodium species with other Plasmodium lineages. The morphological analysis revealed trophozoites, meronts and gametocytes in the blood smears with a mean parasitemia of 1.1%. All samples were positive for Plasmodium sp. (cytb lineage LK06). The phylogenetic analysis revealed that this lineage clusters with other species of the subgenera Novyella (*P. unalis, P. parahexamerium, P. homopolare and P. vaughani)*. Morphological features of this parasite support this result, indicating a close relationship to *P. vaughani*. This study provides new morphological and molecular findings, representing the first record of haemosporidian infection in *Calonectris borealis*. Furthermore, this constitutes the first report of the LK06 lineage in Procellariiformes. These results expand our understanding of host range and parasite distribution in seabirds and highlight the importance of continued surveillance in underrepresented avian groups.

POSTER PRESENTATION

Comparative pathology and health evaluation of bycaught Franciscana dolphins (*Pontoporia blainvillei*) from central area of São Paulo coast, Brazil

Barbara Sophia Codeas | Arícia Duarte-Benvenuto | Roberta Zamana-Ramblas | Clara Chiarello | Vanessa Lanes Ribeiro | Carolina Pacheco Bertozzi | Juliana Guimarães | José Luiz Catão-Dias

Ponente: Barbara Sophia Codeas; barbara.sophia@alumni.usp.br

Franciscana dolphins (*Pontoporia blainvillei*, Family Pontoporiidae) are considered the most endangered odontocete in the Southwestern Atlantic Ocean, classified as ''Vulnerable'' by the IUCN and ''Critically Endangered'' in Brazil. These dolphins inhabit coastal waters (<50m) of Brazil, Uruguay, and Argentina, and are highly exposed to anthropogenic impacts such as bycatch, habitat degradation and chemical pollution. Bycatch is characterized by the incidental capture of non-targeted species by fisheries, and it is a well-documented global threat to cetacean conservation and the main threat to Franciscana. Post-mortem examination of cetaceans (e.g., necropsy, histopathology) can be a useful tool to assess bycatch and other anthropogenic impacts, and it is also considered a key element in infection disease surveillance and health evaluation. In collaboration with local fishers, this study conducts comprehensive pathological and health evaluation on bycaught Franciscana in central São Paulo coast in Brazil, based on necroscopic, histopathological and molecular analysis methods. The preliminary results are based on the pathological findings of five individuals, comprising three juvenile females and two adult males in good body condition and presenting fresh gastric contents. External examination revealed linear impressions, abrasions, lacerations and bruising, with different degrees of severity and distribution, mainly affecting fluke and pectoral fins. Main gross and histopathological findings included generalized congestion on lungs, lymph nodes, spleen, liver, kidneys and gastric mucosa, pulmonary distension and edema, pneumonia, lymphadenomegaly and lymphadenitis. One animal had gastrointestinal helminthic parasitosis, and three presented gas bubbles on mesenteric and cardiac vessels. Although non-specific, the findings suggest potential comorbidities that could indicated a compromised health status of some individuals. Ongoing molecular screening for co-infections and further pathological evaluations of additional bycaught individuals will add to current knowledge in order to enhance our understanding of bycatch-related mortality and health issues.

POSTER PRESENTATION

Every Breath You Take: Survey of Selected Infectious Agents in exhaled breath from Humpback Whales in the Abrolhos Bank, Brazil

Riccardo Ramella | Roberta Ramblas Zamana | Leonardo L. Wedekin | Alexandre M. S. Machado | Fabio C. Fontes | Aricia Duarte-Benvenuto | Carlos Sacristán | José Luiz Catão-Dias | Samira Costa-Silva

Ponente: Riccardo Ramella; riccardo.ramella@usp.br

Respiratory infections may pose a major threat to cetacean populations due to their group-living and close contact, often with breathing synchrony. Bacteria such as *Mycoplasma spp*. and viruses, including Cetacean morbillivirus (CeMV; Paramyxoviridae), herpesviruses, and coronaviruses, have been associated with respiratory illness. Infected individuals may face severe consequences given their specialized respiratory tract. Ultimately, systemic infections can drive to high mortality of individuals, and the pathogen may increase the susceptibility of an epizootic outbreak threatening entire populations. Here we investigated the potential of blow samples to assess the health of free-ranging cetaceans using a customized Unmaned Aerial Vehicle (UAV or drone) adapted with 6 to 8 Petri dish holders designed with 3D printing. Samples were collected, from June to October 2024, from five humpback-whales, during vessel-based expeditions conducted by the MARESIS project (“Respostas Individuais dos Mamíferos Marinhos à Sísmica” – CENPES/PETROBRAS). We then screened for the presence of morbillivirus, herpesvirus, coronavirus, and *Mycoplasma spp*. in blow samples using molecular analysis. Total DNA and RNA were extracted from both the whale blow and six control samples of seawater using a commercial kit. To screen for paramyxovirus and coronavirus, two consensus nested RT-PCRs targeting the RNA-dependent RNA polymerase (RdRp) gene were used. *Mycoplasma spp*. detection was conducted using a real-time PCR targeting the 16S rRNA gene, while herpesvirus screening utilized two pan-nested PCR assays targeting the DNA polymerase and glycoprotein B genes. None of the blow samples tested positive for any of the screened pathogens. Blow samples were subjected to PCR amplification of an endogenous control gene, and all samples were successfully validated. Our findings suggest non-invasive methods using UAV to remotely collect blow samples of free-ranging cetaceans are a promising tool to detect emerging agents and for health assessment and monitoring of wild populations.

POSTER PRESENTATION

Skin in the game: molecular surveillance of emerging viruses in live free-ranging cetaceans of Brazil

Samira Costa-Silva | Roberta Ramblas Zamana | Nadia Maria Freitas-Eduardo | Carlos Sacrostán | Ana Carolina Ewbank | Riccardo Ramella | José Luiz Catão-Dias | Leonardo Liberali Wedekin

Ponente: Samira Costa-Silva; costasilva.samira@gmail.com

Viral infections can affect a wide range of hosts, including cetaceans. Several viruses have been detected in deceased stranded cetaceans worldwide. Nevertheless, monitoring viral infections in live free-ranging cetaceans is essential for early identification of emerging pathogens, assessment of population health, and understanding of ecological and human impacts. The purpose of this study was to molecularly survey the occurrence of *Orthoherpesviridae*, *Paramyxoviridae*, and *Coronaviridae* in 29 skin biopsies from five species free-ranging cetaceans: Orca (*Orcinus orca*, n=1), rough-toothed dolphin (*Steno bredanensis*, n=1), Atlantic-spotted-dolphin (*Stenella frontalis*, n=4), humpback-whale (*Megaptera novaeangliae*, n=19), and bottlenose-dolphin (*Tursiops truncatus*, n=4). Samples were collected during vessel-based expeditions conducted by the MARESIS project ("Respostas Individuais dos Mamíferos Marinhos à Sísmica" – CENPES/PETROBRAS) between July and November 2024, in the Santos Basin (seismic/oil areas) and the Abrolhos Bank (pristine areas). Skin biopsies were collected using darts fired from a crossbow, and total DNA/RNA were extracted using a commercial kit. Pan-nested-PCRs targeting sequences of the DNA polymerase and glycoprotein B genes were performed for *Orthoherpesviridae* detection, while pan-nested-RT-PCR assays targeting sequences of RNA-dependent RNA polymerase genes were used for *Coronaviridae* and *Paramyxoviridae* detection. Herpesvirus was detected (DNA polymerase) in one juvenile humpback whale without visible skin lesions. The obtained consensus sequence was identical to a gammaherpesvirus previously identified in a humpback whale stranded in Brazil, confirming the circulation of the virus in the population. All the remaining assays were negative. Herpesviruses are rarely reported in mysticetes. This is the first report of gammaherpesvirus in a skin biopsy of a humpback whale. Herpesvirus are frequently found in stranded odontocetes, including individuals co-infected with morbillivirus. The presence of gammaherpesvirus may be indicate immunosuppression and could serve as a good health indicator. This study highlights the value of viral surveillance and health of free-ranging cetacean populations through skin biopsies.

Pneumonia parasitária e infecção por *Diomedenema sp*. em *Thalassarche melanophris*

Silvia Bainy Gastal | Camila Brandão Seabra Castro | Janaina Rocha Lorenco | Beatriz Souto de Freitas Vieira | Gabriela Bezerra | Daphne Wrobel Goldberg

Ponente: Janaina Rocha Lorenço, janaina.rocha.lorenco@gmail.com

A infecção por helmintos pode afetar a saúde e a ecologia das aves marinhas. *Thalassarche melanophris* é um Procellariiforme amplamente distribuído no Hemisfério Sul, cuja fauna parasitária reflete sua dieta diversificada. Embora a maioria dos animais parasitados apresentem manifestações clínicas leves, aves debilitadas/imunossuprimidas podem desenvolver enfermidades graves, elevando o risco de mortalidade. A superfamília Aproctoidea inclui nematódeos que parasitam o trato respiratório e tecidos subcutâneos das aves. O gênero *Diomedenema* foi previamente registrado em *Thalassarche chrysostoma* na Austrália e em ilhas subantárticas, além de *Spheniscus magellanicus* no Brasil. Este estudo documenta, pela primeira vez, a ocorrência de infecção maciça por *Diomedenema* sp. em *T. melanophris*. Os parasitos foram coletados durante a necropsia de dois machos juvenis, encontrados encalhados em Praia Grande, SP, e em Cabo Frio, RJ. Durante o exame *post-mortem*, mais de 300 helmintos foram observados macroscopicamente nos sacos aéreos e na cavidade celomática. A análise microscópica revelou pneumonia parasitária, caracterizada por congestão pulmonar e fragmentos parasitários envoltos por células gigantes multinucleadas. Os parasitos possuem corpo pequeno, com papilas cefálicas dispostas na extremidade anterior e dois anfídeos, localizados entre os pares de papilas. A boca alongada destaca-se pela presença de um vestíbulo bem desenvolvido e o esôfago curto complementa as características morfológicas distintivas do gênero. No entanto, mais exames são necessários para a confirmação da espécie. A alta carga parasitária e o quadro de pneumonia sugerem um impacto significativo na saúde dos indivíduos afetados, especialmente no caso de animais já comprometidos por outras causas. Estudos adicionais são fundamentais para compreender a extensão da infecção e seus efeitos nos albatrozes. Este relato destaca *Diomedenema* sp. como um possível fator relevante para a saúde dos Procellariiformes, reforçando a necessidade de monitoramento contínuo durante os exames necroscópicos e investigações epidemiológicas para melhor compreender os impactos dessa infecção sobre esse grupo.

Diversidade de bactérias e fungos em Procellariiformes encalhados no litoral norte de Santa Catarina, Brasil

Manoela L. P. Miranda | Giulia G. Lemos | Jenyffer V. Vieira | Cinthia Graziela Candioto de Oliveira | Marta Jussara Cremer

Ponente: Giulia Gaglianone Lemos; giulia.lemos@univille.br

A ordem Procellariiformes compreende aves marinhas migratórias com ampla distribuição geográfica e interação com ambientes antropizados, o que as torna suscetíveis e potenciais carreadores de microrganismos multirresistentes. Este estudo teve como objetivo identificar os principais agentes bacterianos e fúngicos isolados dessas aves, visando compreender padrões de infecção e possíveis implicações ecológicas e sanitárias. As amostras foram coletadas no âmbito do Projeto de Monitoramento de Praias da Bacia de Santos (PMP/BS), exigência do Instituto Brasileiro do Meio Ambiente (IBAMA) para licenciamento ambiental. De setembro de 2019 a janeiro de 2025, foram realizadas necropsias de 172 Procellariformes frescos e em início de decomposição de 14 espécies. Destes, 15 indivíduos (8,7%) apresentaram lesões sugestivas de processo infeccioso e inflamatório (como pneumonia, aerossaculite, artrite e pericardite) e coletadas amostras em meio stuart, que foram processadas em até 72 horas. O sistema respiratório (SR) foi o mais acometido (53,3%, 8/15), seguido pelos sistemas músculo-esquelético (SME) (33,3%, 5/15) e cardiovascular (SCV) (13,3%, 2/15). As bactérias mais frequentemente isoladas foram *Pseudomonas sp.* (26,7%, 4/15) em *Puffinus puffinus* e *Calonectris borealis* no SR e SME*; Escherichia coli* (20%, 3/15) no SR de *Macronectes giganteus*, *Puffinus gravis* e *P. puffinus*. No SME foi isolado *Staphylococcus aureus* (13,3%, 2/15) em *P.puffinus* e *Macronectes halli*. Isolados menos prevalentes (6,7%, 1/15) incluíram *Acinetobacter baumanii* e *Enterobacter sakazakii*no no SCV de *M. giganteus* e *P.gravis*; *Klebsiella sp.*(SME) e *Salmonella ser. Pullorum*(SR), de *C.borealis* e *P.puffinus,* respectivamente. O único fungo isolado foi *Aspergillus sp.* (13,33%, 2/15) em *M. giganteus.* A presença de aves marinhas em ambientes antropizados favorece o contato com patógenos oportunistas e multirresistentes, que podem resultar em infecções graves e óbito. Além disso, podem atuar como reservatórios e disseminadoras desses microrganismos para as áreas remotas e intocadas, evidenciando a importância da vigilância ativa e contínua desses indivíduos no contexto da Saúde Única.

POSTER PRESENTATION

Molecular screening of Morbillivirus in Franciscana dolphins (*Pontoporia blainvillei*), Brazil: preliminary results

Chiarello C. C. | Codeas, B. S. | Ashley Barratclough | Zamana-Ramblas Roberta | Michelle Colpani | Caroline Freitas Pessi | Cristiane Kolesnikovas | Carolina P. Bertozzi | Vanessa Lanes Ribeiro | Camila Domit | Fábio Lima | Thais M. Schreiner | Rafael Murro | Raquel B. Ferioli | Carla B. Barbosa | Andrea Maranho | Lorenzo von Ferson | José Luiz Catão-Dias | Duarte-Benvenuto, A.

Ponente: Clara Caldana Chiarello; claracaldanac@usp.br

The franciscana dolphin (*Pontoporia blaivillei*) is considered the most endangered cetacean in the South Atlantic Ocean. The main causes of their high mortality rates are due to bycatch and loss of habitat. Infectious agents are amongst the leading factors in morbidity and mortality of marine mammals, affecting the populations with greater anthropic pressure. Although classified as “Critically Endangered” in Brazil and “Vulnerable” on the IUCN Red List, little is known about the infectious agents affecting franciscanas and their potential pathogenicity. *Morbillivirus* (family *Paramyxoviridae*), is considered the main infectious agent associated with high mortality and morbidity in cetaceans worldwide, however there is no detection on franciscanas so far. Thus, this study aims to investigate the occurrence of viruses within *Morbilivirus* genus in samples of fresh (code 2) stranded or bycaught franciscanas on the coast of São Paulo, Paraná, and Santa Catarina since 2019. Standardized necropsies were performed and samples for molecular and histopathological analysis were collected. Total RNA from selected tissues (e.g., central nervous system, lung, liver, kidney, spleen, mesenteric lymph node) were extracted using commercial kits, and an RT-PCR was performed to partially amplify the phosphoprotein gene (429bp) of the morbillivirus. Samples from 29 individuals were examined, including 17 females and 12 males, and 27 calves, 2 juveniles and no adults. In total, 152 tissue samples were analyzed; however, all tested negative for *Morbillivirus*. These preliminary findings suggest a low prevalence of *Morbillivirus* in the sampled population. Nonetheless, a broader representation across age groups and continued surveillance are essential to better understand the epidemiological dynamics of viral infections in this threatened species.

POSTER PRESENTATION

Immune costs in a long-distance migratory shorebird: physiological implications

Pablo Oyarzún-Andrade

Ponente: Pablo Oyarzún-Andrade; p.oyarzun.andrade@gmail.com

Migration imposes extreme physiological challenges on birds, especially those undertaking long-distance, non-stop flights. These events require complex trade-offs between energy allocation, immune function, and other activities. Understanding how migratory birds manage immune costs is key to avian ecology and has important implications for the spread of pathogens across hemispheres. We experimentally challenged Hudsonian godwits (*Limosa haemastica*), a transhemispheric migratory shorebird, in non-breeding seaso, with a novel antigen designed to simulate the diverse pathogen communities encountered during migration, to assess post-challenge changes in immune activation, energy expenditure, behavior, and plasma metabolome. We focused on the acute phase response, the most energetically demanding stage of immune activation. Preliminary results revealed significant physiological shifts following the immune challenge. Immune activation, evidenced by changes in haptoglobin, BKA, and IgY, was followed by elevated oxygen consumption, increased locomotor activity, and activation of metabolic pathways linked to energy mobilization and amino acid metabolism. These findings suggest that acute immune activation drives coordinated responses across physiological systems, indicating an adaptive reorganization to meet rising immune and energetic demands during a critical life stage. These findings demonstrate that even during the non-breeding period, when conditions are relatively stable, migratory birds face physiological trade-offs when mounting immune responses. The observed behavioral and metabolic adjustments suggest a strategy of compensating for immune costs by increasing energy intake and reallocating metabolic resources. Ecologically, this can influence individual fitness and migratory performance. Epidemiologically, altered immune states during key migratory windows could affect pathogen susceptibility and transmission dynamics, reinforcing the importance of understanding immune costs in migratory species across their annual cycle.

Perfil de sensibilidade e resistência antimicrobiana de *Salmonella* spp. isolada de pinguins-de-magalhães (*Spheniscus magellanicus*, Forster, 1781) no litoral sul do Brasil

Luis Edmundo dos Santos-Filho | Karina Passini Tarozzi | Vanessa Oliveira Caldas Lopes | Maria Eduarda Pizzani Bié | Andrey Lopes Cunha

Ponente: Karina Passini Tarozzi; kakapassini@gmail.com

O Pinguim-de-Magalhães (*Spheniscus magellanicus,* Forster, 1781) é uma espécie migratória sul-americana. Sua microbiota é composta por cepas possivelmente apatogênicas de bactérias como *Salmonella spp.*, que, associadas a fatores ambientais, podem causar enfermidades no indivíduo. O presente estudo tem como objetivo caracterizar os perfis de sensibilidade e resistência antimicrobiana de *Salmonella spp.* isoladas em Pinguins-de-Magalhães encalhados entre o município de Laguna/SC e Pontal do Paraná/PR, entre agosto de 2019 a outubro de 2024. Foram analisados dados de acesso público disponíveis no Sistema de Informação de Monitoramento da Biota Aquática (SIMBA). Na aba "Exames Laboratoriais/Imagem" do trecho PMP-BS Área SC/PR, aplicou-se os filtros "Cultura e antibiograma" em nome, "*Spheniscus magellanicus*" na taxonomia e "17/10/2024" em Data fim (Validação). Foram analisadas as informações obtidas nos 1447 exames registrados, correspondentes a 497 indivíduos. *Salmonella spp.* foi isolada em 20 exames de cultura, correspondente a 13 especimes, e teve a seguinte distribuição nos tecidos encontrados: 40% (8/20)em sacos aéreos; 30% (6/20) cloaca; 10% (2/20) fígado; 10% (2/20) estômago; 5% (1/20) intestino delgado; e 10% (1/20) sangue. Treze antibiogramas foram realizados, para avaliar o perfil de sensibilidade aos antimicrobianos, com os seguintes resultados: 83,3% (10/12) para Amicacina, Cefalexina, Ceftriaxona e Gentamicina; 100% (9/9) para Enrofloxacina, Ertapenem, Meropenem e Trimetoprim Sulfametoxazol; 88,9% (8/9) para Amoxicilina Clav e Cloranfenicol; e 87,5% (7/8) para Ampicilina. Amoxicilina, Cefalotina, Levofloxacina, Penicilina e Sulfazotrim foram testadas, mas tiveram um baixo número de testes (≤ 4). Animais de vida livre são importantes bioindicadores, e o monitoramento da resistência antimicrobiana é crucial na Saúde Única. Este estudo identificou alta sensibilidade da *Salmonella spp*. aos fármacos testados, reforçando a importância da vigilância contínua.

El impacto de la disponibilidad de presas, en el tiempo de cuidado materno y el crecimiento de los cachorros de lobo fino austral (*Arctocephalus australis*), en Isla Guafo, Chile

Luna Larrieta | Ítalo Baquedano | Erick Méndez Gómez | Guillermo Marimán Galindo | Camila Vega | Irene Peña Galindo | Felipe Montalva | Josefina Gutiérrez | Aranza Gómez Camus | Antonia Angel | Claudia Ulloa Contreras | Maritza Sepúlveda | Mauricio Seguel | Diego Joaquin Perez Venegas

Ponente: Luna Larrieta; luna.larrieta@alumnos.uach.cl

El lobo fino austral (*Arctocephalus australis*) es un bioindicador clave de la salud de los ecosistemas marinos. Estudios previos indican que la reducción en la disponibilidad de presas podría afectar el comportamiento de forrajeo de las hembras, comprometiendo el cuidado materno y el desarrollo de las crías. No obstante, aún no se ha determinado si la pesca intensiva sobre especies como *Merluccius australis*, *Macruronus magellanicus* y *Trachurus murphyi* impacta significativamente a las colonias de esta especie. Este estudio evaluó cómo las variaciones interanuales en la disponibilidad de presas influyen en el tiempo de forrajeo, el cuidado materno y el crecimiento de las crías, considerando diferencias sexuales. También se analizó la relación entre la duración del cuidado materno y la carga parasitaria por *Uncinaria* sp., principal causa de mortalidad en cachorros. Se realizaron capturas y recapturas en Isla Guafo (Región de Los Lagos) durante cinco veranos: 2015–2016 (n = 25), 2021–2022 (n = 51), 2022–2023 (n = 39), 2023–2024 (n = 47) y 2024–2025 (n = 39). El tiempo de forrajeo y cuidado materno se estimó mediante observaciones diarias. El crecimiento fue evaluado por la variación del índice de masa corporal (IMC), y la disponibilidad de presas se estimó según desembarques pesqueros. El análisis parasitológico se realizó mediante un protocolo semicuantitativo. Se aplicaron Modelos Lineales Generalizados (GLMs) para evaluar asociaciones entre variables. Se observó que las crías con menor cuidado materno presentaron mayor carga parasitaria. En años con baja disponibilidad de *M. australis*, las madres permanecieron más tiempo en tierra. Además, los cachorros machos invirtieron más en reservas energéticas y crecimiento que las hembras. Los resultados sugieren que la disponibilidad de presas modula el cuidado materno y el desarrollo de las crías, con potenciales implicancias ante escenarios de sobrepesca y cambio climático.

POSTER PRESENTATION

Viral prospecting in vampire bat (*Desmodus rotundus*) colonies along the coastal zone of the Antofagasta Region, Chile: detection of Adenovirus, Coronavirus, Rabies Virus, and Influenza A

Karla Díaz-Morales | Marcelo Ramírez | Consuelo Cereceda | Galaxia Cortes-Hinojosa | Pedro Jimenez-Bluhm

Ponente: Karla Díaz-Morales; kdm@uc.cl

Bats are recognized as natural reservoirs of a wide range of viruses with zoonotic potential, playing a key role in the dynamics of infectious diseases. In particular, the common vampire bat (*Desmodus rotundus*), a hematophagous species, feeds on birds, domestic livestock, and sea lions. In Chile, its distribution is restricted to coastal caves along the shoreline from Arica to Valparaíso, where it interacts closely with both wild and domestic fauna. Currently, there is no viral characterization of this species in the country. Therefore, the objective of this study is to assess the circulation of potentially zoonotic viruses through the detection of adenoviruses, coronaviruses, rabies virus, and influenza A virus in wild colonies of *D. rotundus*. In October 2024, a total of 35 environmental guano samples were collected from seven bat colonies (five samples for colony) located in the coastal communes of Taltal and Tocopilla, Antofagasta Region. All samples were collected using sterile swabs, handled under standardized biosafety protocols, stored in viral transport medium (VTM), and preserved at −80 °C. Virological analyses is process include RT-PCR/PCR and Sanger sequencing. This study is particularly relevant in the context of the global outbreak of highly pathogenic avian influenza (H5N1), with reported cases in birds, marine mammals, and humans along the northern coast of Chile, where *D. rotundus* could have direct contact with infected animals. This work represents a first approach to the study of viral circulation in *D. rotundus* in northern Chile and aims to provide relevant information on the zoonotic transmission risks and viral ecology associated with this bat species in coastal environments.

Dirofilariose em lontra-neotropical (*Lontra longicaudis*) de vida-livre: relato de caso

Maraya Lincoln Silva | Luciano Antunes Barros | Rodrigo Hidalgo Friciello Teixeira | Igor Izo Moraes Lyra | Valeria Ruoppolo

Ponente: Maraya Lincoln Silva; maraya96ls@gmail.com

A lontra-neotropical (*Lontra longicaudis*), única espécie de lontra no Brasil, possui hábitos solitários e semi-aquáticos. É considerada Quase Ameaçada (NT) de extinção, principalmente pela degradação e poluição de seus habitats. A dirofilariose é uma zoonose causada por nematóides do gênero *Dirofilaria*, transmitidos por mosquitos da família Culicidae, que atuam como hospedeiros intermediários. Um macho adulto de *L. longicaudis* foi encaminhado ao Centro de Reabilitação da Aiuká Consultoria em Soluções Ambientais, Praia Grande, SP, após ser encontrado debilitado. Na admissão, estava magro (7,52kg), desidratado, apático, apresentando lesões com miíase e alopecia ventral, evoluindo a óbito no dia seguinte. Na necropsia, constatou-se coração congesto com dilatação atrial direita (5x3,5cm) e ventrículo direito delgado, contendo parasitos filiformes no interior do ventrículo e artéria pulmonar. Cinco espécimes foram coletados e encaminhados ao Laboratório de Apoio Diagnóstico em Doenças Parasitárias da UFF, Niterói, RJ. Foram identificados três fêmeas e dois machos, baseando-se em caracteres morfológicos: boca sem lábios, papilas cefálicas pequenas, asa caudal bem desenvolvida nos machos, espículos desiguais e ausência de gubernáculo. Comprimento total médio de 12cm (machos) e 25cm (fêmeas), largura 0,1cm (machos e fêmeas), espículos de 0,01 a 0,03cm, sendo identificados como *Dirofilaria* sp. As espécies descritas em lontras são *D. immitis* e *D. lutrae*. A localização cardíaca sugere *D. immitis*, frequentemente reportada neste órgão, diferindo de *D. lutrae*, geralmente subcutânea. Contudo, outras análises morfométricas e moleculares são necessárias para confirmação. Dirofilariose já foi relatada em lontras das espécies *Lutra lutra*, *L. canadensis* e *Aonyx cinereus*. No Brasil, há apenas um registro em *L. longicaudis*, em Santa Catarina. A Baixada Santista apresenta alta prevalência de dirofilariose canina, podendo ser potencial fonte de infecção para a fauna silvestre. Este é o primeiro relato de *Dirofilaria sp.* em lontra-neotropical na Região Sudeste, destacando a importância de estudos parasitológicos com enfoque em saúde única.

Adenovirus and Herpesvirus surveillance in *Procellariiformes*, Southeastern Brazil.

Laura Baes | Carolina Reigada | Aricia Duarte-Benvenuto | Roberta Ramblas Zamana | Carlos Sacristán | Juliana Mariotti Guerra | Thais Marcondes Schreiner | Rafael Sardinha Murro | José Luiz Catão-Dias | Ana Carolina Ewbank

Ponente: Laura Baes; laurabaescaetano@gmail.com

Procellariiformes (albatrosses, shearwaters and petrels) are among the most threatened avian groups. Nevertheless, studies on viral pathogens causing chronic/sublethal effects in Procellariiformes are still very scarce, limited to reports of only three viral agents (*avipoxvirus*, influenza A virus and herpesvirus). We surveyed adenovirus and herpesvirus in Procellariiformes, viruses of particular concern for these species given their potential to spill over among other individuals and bird species, capable of causing severe disease and even death. We analyzed fresh carcasses of 50 individuals, comprising 11 Procellariiformes species of the families Procellariidae (n=8), Diomedeidae (n=2) and Oceanitidae (n=1), that stranded dead or died during rehabilitation in São Paulo state, southeastern Brazil, rescued by the Beach Monitoring Program of Santos Basin (IPeC/PMP-BS), between 2017 to 2021. Tissue samples from brain (n=47), lungs (n=50), and kidneys (n=50) were frozen at -80 ºC until processing. Total DNA was extracted and subsequently tested using two nested pan-PCR protocols to partially amplify the DNA polymerase genes of adenovirus and herpesvirus. Positive samples were confirmed by sequencing in both directions. Overall, 14% (7/50) of the seabirds were adenovirus-positive - Cory's Shearwater (*Calonectris borealis*, n=3/10), Southern Giant-Petrel (*Macronectes giganteus*, n=3/4) and Black-browed Albatross (*Thalassarche melanophris*, n=1/8), in lungs (n=6/50), brain (n=2/47), and kidneys (n=1/50); and 24% (12/50) were herpesvirus-positive - Black-browed Albatross (n=7/8), Cory's Shearwater (n=2/10), Southern Giant-Petrel (n=1/4), Manx Shearwater (*Puffinus puffinus*, n=1/6), and Atlantic Yellow-nosed Albatross (*Thalassarche chlororhynchos*, n=1/1), in lungs (n=10/50), kidneys (n=8/50), and brain (n=5/47). This study broadens these viruses' host range in seabirds, being the first description of adenovirus in Procellariiformes worldwide. Ongoing analysis will use histopathology to investigate if these agents caused any impact on the health of the infected individuals. Our findings contribute to the current knowledge regarding infectious agents in Procellariiformes, and warrant further health investigations in these endangered seabird animals.

Molecular detection of Adenoviruses and Herpesviruses and hematological and biochemical profile assessment in seabirds from the Cagarras Archipelago, Rio de Janeiro, Brazil

Joana Medina Maçaira | José Júnior França de Barros | Marthiellen Roosevelt de Lima Felix | Amanda Peixoto | Raquel Gonzalez Boullosa | Beatriz Vilete Dias | Amanda de Oliveira Alcântara | Larissa Schmauder Teixeira da Cunha | Tatiana Teixeira Leite Ribeiro | Maria Ogrzewalska | Eduarda Fialho | Aline Moreira de Souza | Marina Galvão Bueno

Ponente: Joana Medina Maçaira; joanamacaira@aluno.fiocruz.br

Seabirds can be used as sentinels for monitoring emerging infectious diseases, due to their wide flight range. Adenoviruses (AdV) and herpesviruses (HSV) represent important zoonotic pathogens and were previously described in seabirds worldwide. Their capacity for asymptomatic and latent infections reinforce the need for continuous monitoring and further health status investigations of wild populations. The Cagarras Archipelago, located approximately five kilometers from a densely populated region in Rio de Janeiro, Brazil, and two kilometers from an underwater sewage outfall, hosts the largest (approximately 7,500 nests) colony of frigatebirds (*Fregata magnificens*) in the South Atlantic, as well as around 2,000 nests of brown-boobies (*Sula leucogaster*). Our study aimed to detect AdV and HSV in feces or cloacal swabs samples collected from seabirds from the Archipelago and determine their hematological and biochemical profile through blood samples and correlate it with viral detection. 123 animals (53 frigatebirds and 70 brown-boobies) were tested by nested-PCR. Positive samples were sequenced by the Sanger method. 19.5% (24/123; 6 frigatebirds; 18 brown-boobies) were positive for adenovirus infection. AdV sequences analysis revealed genotypic variability ranging from 69.03% - 82.35% compared to GenBank® *Aviadenovirus* sequences and from 69% - 97.31% to *Siadenovirus* sequences. Three frigatebirds were positive for HSV (2.4%; 3/123), with genotypic variability ranging from 77.62% - 87.56% compared to *Alphaherpesvirinae* sequences. 45 animals had their hematological and biochemistry profile determined and statistical analysis are still being conducted. To date, this is the first record of AdV and HSV detection in frigatebirds and brown-boobies in the archipelago. These findings highlight the need for ongoing surveillance of zoonotic viruses in wildlife to clarify their epidemiology, assess health impacts and help prevent outbreaks. They also emphasize the value of integrated, long-term ecological monitoring within the One Health framework.

POSTER PRESENTATION

Detecção de *Scutavirus chelonidalpha5* em amostras de sangue de tartarugas marinhas verdes (*Chelonia mydas*) capturadas na costa do Brasil

Isabel Rangel Prado Ferreira | Larissa Pereira Rodrigues | Pedro Paulo de Oliveira Nogueira | Rodrigo Hidalgo Friciello Teixeira | Lígia Souza Lima Silveira da Mota

Ponente: Lígia Souza Lima Silveira da Mota; ligia.mota@unesp.br

A fibropapilomatose é uma enfermidade neoplásica benigna de distribuição circuntropical que afeta tartarugas marinhas, com impacto relevante para a conservação da tartaruga-verde (*Chelonia mydas*). A etiologia da doença está associada ao *Scutavirus chelonidalpha5*, vírus da família Herpesviridae, cuja manifestação clínica depende de fatores multifatoriais, incluindo poluição ambiental, resposta imune do hospedeiro e predisposição genética. Infecções subclínicas ou latentes são sugeridas, dado que o vírus foi detectado em tumores, sangue, pele e órgãos de animais sintomáticos e assintomáticos. Este estudo avaliou a ocorrência do *Scutavirus chelonidalpha5* em amostras sanguíneas de 157 tartarugas-verdes juvenis, com e sem lesões compatíveis com fibropapilomatose, capturadas em cinco estados do litoral brasileiro. Do total, 43 indivíduos apresentavam tumores típicos da doença, resultando em prevalência geral de 27%. As prevalências regionais foram: Bahia 8,8% (4/45), Espírito Santo 53,7% (24/45), Rio de Janeiro 35% (7/20), Santa Catarina 35,7% (5/14) e Rio Grande do Sul 9% (3/33). Exames físicos e biométricos foram realizados, com registro detalhado da quantidade, localização e tamanho dos tumores. Para detecção viral, foram utilizados primers específicos em reação em cadeia da polimerase (PCR): UL-18, que amplifica o gene da proteína do capsídeo, e UL-30, direcionado ao gene da DNA polimerase. O primer UL-18 detectou o vírus em 13/157 (8,3%) amostras sanguíneas, enquanto UL-30 não detectou presença viral em sangue. Nos tecidos tumorais de sete indivíduos do Rio de Janeiro, UL-18 foi positivo em 100% das amostras e UL-30 em 71,4%. As sequências genéticas das amostras positivas foram confirmadas por comparação com bancos de dados. Os resultados indicam maior sensibilidade do primer UL-18 para detecção molecular. Conclui-se que o *Scutavirus chelonidalpha5* circula na corrente sanguínea de tartarugas-verdes juvenis, sintomáticas e assintomáticas, evidenciando disseminação hematógena do vírus e o papel potencial de reservatórios assintomáticos.

POSTER PRESENTATION

Post-mortem analysis of Franciscana dolphin calves stranded along the coast of Brazil between 2022-2024

Aricia Duarte-Benvenuto | Kathleen Colegrove | Ashley Barratclough | Forrest Gomez | Barbara Sophia Codeas | Caroline Freitas Pessi | Michelle Colpani | Clara C. Caldana | Cristiane Kolesnikovas | Carolina P. Bertozzi | Vanessa Lanes Ribeiro | Camila Domit | Fábio Lima | Thais M. Schreiner | Rafael Murro | Raquel B. Ferioli | Carla B. Barbosa | Andrea Maranho | Lorenzo von Fersen | José Luiz Catão-Dias

Ponente: Aricia Duarte-Benvenuto; aricia.benvenuto@gmail.com

Franciscana dolphins (*Pontoporia blainvillei,*) are small odontocete cetaceans inhabiting coastal waters of Brazil, Uruguay, and Argentina. They are considered the most endangered cetacean in the southwestern Atlantic. Currently, high numbers of stranded neonates are recorded annually, and to date, long-term neonatal rehabilitation efforts have been unsuccessful. The aim of this study is to investigate the main causes of stranding and mortality of Franciscana calves to improve veterinary care and fulfill knowledge gaps for conservation efforts. Herein, we will present the preliminary analysis of twenty individuals who live-stranded and died during rehabilitation (7/20) and dead-stranded in a fresh decomposition status (13/20). Twelve out of twenty were classified as neonates, seven as young calves and one as an older calf, twelve were females and eight males. Total body length and weight ranged between 53-85 cm and 2-6.1 kg, respectively. After a standardized necropsy, formalin-fixed and frozen samples were processed accordingly for histopathologic and molecular analysis. Extracted nucleic acid was tested for *Brucella* spp., *Toxoplasma gondii, Sarcocystis* spp., and herpesvirus. Immunoglobulin tests were performed on five calves. The main preliminary pathologic findings were in the respiratory system, including neutrophilic and histiocytic bronchopneumonia, degrees of fetal distress, and partial atelectasis. All animals were negative for the tested infectious agents except for herpesviruses, with nine calves (45%) positive for *Pontoporiid gammaherpesvirus* previously detected in Franciscanas, mainly affecting lungs and lymph nodes. Glutaraldehyde testing yielded a coagulation time ranging between 6-33 minutes, with one sample not coagulating, suggesting varying presence of immunoglobulins. Overall, preliminary results indicate that the main causes of death of the Franciscana calves are related to pneumonia and secondary bacterial infections likely associated with early maternal separation. Further analysis will aim to improve understanding of the adult female health status that could be potentially related with underlying causes of separation.

POSTER PRESENTATION

Histopathological findings and investigation of Morbillivirus in lungs of stranded pinnipeds on the coast of Paraná

Victor Hugo Brunaldi Marutani | Kamila Corti Mira Enande | Beatriz Caroline Turini | Ana Paula Frederico Rodrigues Loureiro Bracarense

Ponente: Victor Hugo Brunaldi Marutani; victor.marutani@uel.br

Morbilliviruses (family Paramyxoviridae) have been linked to over 10 epizootic outbreaks with high mortality rates in pinnipeds and cetaceans worldwide. In Brazil, reports of the virus in pinnipeds remain scarce. This study aimed to describe histopathological changes and identify Morbillivirus in the lungs of pinnipeds stranded on Paraná's coast. Data on carcass condition, sex, and developmental stage were obtained from the *Sistema de Informação de Monitoramento da Biota Aquática* (SIMBA), performed by Santos Basin Beach Monitoring Project (UDESC - Laguna/PMP-BS - Section 1), and the selected paraffin-embedded lung tissue fragments were routinely processed for histopathology (hematoxylin and eosin) and immunohistochemistry (IHC) to detect the Morbillivirus nucleoprotein (NP) antigen. Between 2016 and 2024, 177 pinnipeds were stranded with varying decomposition codes (COD). Only 79 animals were in good or moderate condition (COD 2 and 3), of which 14 cases underwent histopathologic and immunohistochemic analysis. The most frequent findings were congestion (85.71%, n=12), interstitial pneumonia (42.85%, n=6), edema (28.57%, n=4), and parasitosis (21.42%, n=3). IHC analysis revealed no Morbillivirus antigens in the samples, indicating the virus was not the cause of pneumonias and highlighting the need to investigate other etiologies. Morbillivirus risks extend beyond marine fauna, posing potential threats to public health. Strengthening health monitoring of pinnipeds is critical for identifying novel diseases, viral infections, and risky areas to mitigate impacts on human and animal health.

Identificación de *Fusarium* spp. en tiburón martillo liso (*Sphyrna zygaena*) capturado para consumo en las costas de Perú

Sheyling Alvarado-Chia | Jaime E. Agreda Gaitán | Miguel Valderrama-Herrera | Carlos Calvo-Mac

Ponente: Sheyling Alvarado-Chía; sheylingalvarado@gmail.com

El género *Fusarium* comprende hongos filamentosos de alta capacidad patogénica, conocidos por sus impactos negativos en la agricultura y por causar infecciones graves en individuos inmunocomprometidos, con tasas de mortalidad significativas. Aunque su relevancia en la salud pública y animal ha sido menos estudiada, el Complejo de Especies *Fusarium solani* (FSSC) se identifica como un agente etiológico principal en infecciones de humanos y animales. En tiburones del género *Sphyrnidae*, especialmente *Sphyrna tiburo* en cautiverio, el FSSC ha sido asociado al síndrome denominado “Bonnethead shark disease” por acuaristas. Este estudio reporta la presencia de lesiones compatibles con infección por FSSC en carcasas de tiburón martillo liso (*Sphyrna zygaena*) comercializadas en el Terminal Pesquero de Trujillo, Perú. Se adquirieron tres muestras en diciembre de 2022, presentando lesiones descritas como pústulas blancas a lo largo del sistema de línea lateral y la región cefálica. Las muestras se procesaron mediante cultivo microbiológico en agar papa dextrosa Sabouraud con cloranfenicol (PDA), incubadas a 37°C. A los 15 días, las colonias fueron subcultivadas en PDA sin cloranfenicol, y tras siete días se realizaron observaciones microscópicas para la identificación morfológica de las hifas. Este sería el primer reporte de infección por *Fusarium* en *S. zygaena* en vida libre en el Pacífico, destacando su posible impacto en la salud humana, dada la manipulación y el consumo de estos productos, y en la conservación de una especie clasificada como Vulnerable (VU) por la Unión Internacional para la Conservación de la Naturaleza (IUCN). Los resultados pretenden fomentar nuevas investigaciones sobre las consecuencias de esta infección en ecosistemas marinos y su relevancia para la salud pública y la conservación.

POSTER PRESENTATION

Efectos de la infección por *T. cruzi* sobre la conducta locomotora circadiana de triatominos endémicos de Chile sometidos a variación térmica en contexto de cambio climático

Roxan González Irribarra | Francisco Chacón Olivos | Camila Tapia Castro

Ponente: Roxan González Irribarra, roxan.gonzalez@ug.uchile.cl

RESUMEN: En Chile, el vector silvestre más relevante de la Enfermedad de Chagas es la especie *Mepraia* spinolai. Estos hematófagos, parasitados por *Trypanosoma cruzi* en su forma tripomastigote, transmiten la infección mediante deyecciones con carga parasitaria que ingresa a circulación por la picadura. Esta zoonosis es desatendida en Latinoamérica, desvelando una salud pública deficiente. Además, se asume que temperaturas elevadas podrían modular el riesgo de transmisión, pues este vector ectotermo prefiere ambientes cálidos. Asimismo, la interacción parásito-vector podría alterar su ciclo circadiano y desplazamiento para buscar alimento. En este contexto, el objetivo es determinar el efecto de la infección por *T. cruzi* y la variabilidad térmica sobre la conducta locomotora de *Mepraia spinolai* naturalmente parasitadas. Los triatominos, que fueron capturados en sectores periurbanos de la zona central de Chile, se situaron en cámaras termorreguladas a 25, 30 y 35°C. Posteriormente, se estudiaron a través del programa Noldus Ethovision XT© durante 24 horas (12 luz/12 oscuridad); identificando eventos de movimiento, distancia y velocidad. Paralelamente se analizaron muestras de heces mediante qPCR. Los hallazgos revelaron que individuos infectados (23,5%) registran movimiento disminuido (≈24%) en relación a los no infectados, pero su velocidad se vio aumentada (3,8%). Por otro lado, en los parasitados su movimiento se duplica a los 30°C sobre 25°C, e igualmente duplica su actividad a los 35°C sobre los 30°C. Los resultados actuales abarcan un 34% del tamaño muestral ideal (N=150); insuficiente para determinar significancia estadística. Se esperaba que los infectados respondieran según la competencia vectorial, sin embargo el resultado podría deberse a la baja cantidad analizada hasta el momento. La respuesta al tratamiento térmico manifestó efecto positivo sobre el desplazamiento, lo que podría evidenciar un riesgo creciente en la transmisión de la Enfermedad de Chagas en marco de crisis climática.

POSTER PRESENTATION

Efecto del cambio climático en la supervivencia y el ciclo biológico del vector silvestre de la enfermedad de Chagas en Chile central

Catalina González Bustos | Francisco Chacón Olivos

Ponente: Catalina González Bustos, catalina.gonzalez.b@ug.uchile.cl

RESUMEN: El cambio climático ha sido un tema controversial en las últimas décadas, siendo evidente que estas fluctuaciones climáticas han impactado en la prevalencia de enfermedades, sobre todo en las vectoriales transmitidas por artrópodos hematófagos. La enfermedad de Chagas es parte de las principales enfermedades zoonóticas vectoriales en América, causada por el protozoo flagelado hemoparásito *Trypanosoma cruzi*, que cuenta con vectores intermediarios de la subfamilia Triatominae, generando ciclos domésticos y silvestres. En Chile, el principal vector silvestre de esta enfermedad es *Mepraia spinolai*, un insecto de características diurnas que ha cobrado mayor importancia debido a sus interacciones periurbanas que hacen persistir el ciclo silvestre. Este trabajo busca evidenciar cómo la variación térmica, que se espera con el cambio climático, puede impactar en la supervivencia de *M. spinolai* y si hay diferencias entre individuos infectados y no infectados. Se realizaron 3 grupos aleatorios pero equitativos entre estadios en cada cámara climatizada con supuestos esperados en el territorio nacional; con 25°C como control, 30°C como promedio de verano histórico y 35°C asociado a lo que se espera con el cambio climático; todas con humedad y ciclos de luz-oscuridad constantes. Con este proceso se analizaron los tiempos de muda y la supervivencia en cada cámara, junto con análisis de infectividad de contenido intestinal mediante qPCR. Se analizaron 69 muestras con un 12.5% de infectividad en ellas. Los resultados no muestran diferencias significativas al comparar individuos infectados y no infectados (M-W p=0,06), ni entre las distintas variaciones térmicas (K-W p=0,33). Aunque se pueden observar tendencias que, con un mayor número de análisis, podrían mostrar diferencias significativas. Nuestros resultados sirven como indicadores a la hora de plantear medidas de control preventivas y efectivas en la comunidad y su entorno.

POSTER PRESENTATION

Impacto de la expansión urbana en *Leopardus colocola*: amenazas y conservación en Chile

Claudio Ahumada-Sanhueza | Carlos Castro-Pastene

Ponente: Claudio Ahumada-Sanhueza, claudio.ahumada@unab.cl

RESUMEN: La última propuesta taxonómica postula al gato colocolo (*Leopardus colocola*) como especie endémica de Chile, cuya distribución corresponde a Chile central y se superpone con áreas de alta densidad urbana. Este estudio recopila avistamientos entre 2017 y 2024 mediante ciencia ciudadana y una solicitud formal de información al Servicio Agrícola y Ganadero, organismo regulatorio en materia de vida silvestre nacional. Los datos fueron clasificados según causas de avistamiento, estado (vivo/muerto), fechas, etc. Se obtuvieron 66 registros, ocurriendo la mayoría en 2024 (22.73%). Los atropellos representan el 53.03% de los casos, con una letalidad del 82.86% y 17.14% de derivaciones a Centros de Rehabilitación de Fauna Silvestre (CRFS). Otras amenazas incluyen ataques de perros domésticos (4.55%), heridos/enfermos por causas desconocidas (4.55%), atrapados en estructuras antrópicas (3.00%) y cachorros huérfanos (3.00%). De estos, el 50% fue derivado a CRFS, el 20% falleció, otro 20% fue rescatado y liberado inmediatamente, y el 10% no recibió intervención. El aumento de registros en el tiempo puede deberse al creciente uso de herramientas de ciencia ciudadana, un incremento real de amenazas o ambas. La mayoría de los atropellos se concentran en la Ruta 5-Norte, principal carretera del país, demostrando que vías de alto tráfico son puntos críticos. El análisis de individuos atropellados con sexo identificado (machos: 20.59% vs hembras: 8.82%) sugiere mayor vulnerabilidad en machos, probablemente por su mayor desplazamiento, como ocurre en otros felinos. Estudios globales destacan que la efectividad de las medidas de mitigación varía según la especie y carretera. Cercos con pasos de fauna pueden reducir los atropellos hasta en un 83%. Sin embargo, las zonas de alta mortalidad no siempre coinciden con corredores biológicos, por lo que resulta imperativo estudiar estos eventos para crear medidas efectivas en zonas adecuadas y gestionar acciones concretas para la conservación del gato colocolo.

Investigação de *Hepatozoon* spp. em répteis do Semiárido Nordestino, Brasil

Anthony Gabriel Berger | Vivian Gabrielle Costa e Silva | Osmaikon Lisboa Lobato | Rafael Barbosa da Silva | Vinicios Soares Esteves | Silvana Maria Medeiros de Sousa Silva | Lilian Silva Catenacci

Ponente: Lilian Silva Catenacci, catenacci@ufpi.edu.br

RESUMEN: As interações entre animais domésticos e silvestres podem aumentar os riscos de transmissão de agentes patogênicos, além de colaborar com a expansão de sua gama de hospedeiros. Objetivou-se investigar a circulação do protozoário *Hepatozoon* spp. em répteis de vida livre atendidos no Hospital Veterinário Universitário (HVU), da Universidade Federal do Piauí (UFPI) em Teresina entre os meses de agosto a dezembro de 2024. O material coletado, após adequada contenção física dos animais, foi processado no Setor de Patologia Animal do HVU/ UFPI, através da Reação em Cadeia da Polimerase (PCR). Foram utilizados primers específicos para o gênero *Hepatozoon* e os resultados foram observados em eletroforese em gel de agarose a 1%. Do total de amostras de sangue coletadas (n=26), 23 pertenciam a jabutis (n=23; 88,50%), a iguanas (n=2; 7,70%) e crocodilianos (n=1; 3,80%). Após processamento o *Hepatozoon* sp. foi detectado em duas espécies de animais silvestres coletados: *Caiman crocodilus* (n= 1) e em *Iguana iguana* (n= 1), denotando uma porcentagem de 7,70% (2/26). Esse achado pode ser justificado pela preferência do *Hepatozoon* spp. em infectar serpentes e crocodilianos. Além disso, embora não seja frequente, ainda é possível encontrar ocorrência de *Hepatozoon* spp. em lagartos, elucidado pelos resultados desta pesquisa. Ademais, em testudines, representados pela maior parcela das amostras, o parasita mais comum é *Haemogregarina* spp. Desse modo, enfatiza-se exames de rotina para acompanhamento da saúde de répteis que vivem como pets ou que se encontram nos zoológicos ou centros de triagem e reabilitação de órgãos federais e/ou estaduais, estes últimos para que possam ser reabilitados e soltos de forma segura.

Detección de endoparásitos en heces *Lagidium viscacia* (Rodentia: Hystricomorfa: Chinchillidae) en una Reserva de la Biosfera de Chile Central

Claudia Araya-Salinas | Javiera Cerda-Latorre | Pablo Espinoza | Manuel Valdés | Marcelo Hasbún-Roa | Sebastián Muñoz-Leal | Carlos Landaeta-Aqueveque

Ponente: Claudia Araya-Salinas, claaraya2022@udec.cl

RESUMEN: La Reserva de la Biosfera Corredor Biológico Nevados de Chillán – Laguna del Laja, ubicada en la región de Ñuble, Chile central, conserva ecosistemas cordilleranos amenazados por actividad antrópica. Los roedores histricomorfos, como las vizcachas (*Lagidium viscacia)* poseen escasos registros dentro de la reserva y estudios sobre sus endoparásitos no existen. La presente investigación tuvo como objetivo detectar parásitos intestinales en heces de vizcachas dentro de la Reserva de la Biosfera. Las heces fueron colectadas entre los días 1 a 3 de abril de 2025, en etanol 70%, en el Cerro Damas (36,6846 S; 71,4028 W, 1927 msnm), próximo a San Fabián de Alico. La presencia de vizcachas en el sitio prospectado fue confirmada por medio de cámaras trampa instaladas previamente. Las heces frescas fueron reconocidas debido a su morfología típica y refrigeradas para luego ser analizadas a través de examen coprológico de flotación (sulfato de zinc; densidad 1,35) y técnica de sedimentación. En las heces se observaron huevos de *Trichuris* sp., lo que corresponde al primer registro del género en este roedor en Chile. Previamente, *Trichuris* sp. fue detectado en vizcachas en Perú (Cusco). Huevos de *Trichuris* también han sido detectados por estudios coprológicos en vizcacha del sur (*Lagidium wolffsohni*), en la Patagonia, sugiriendo que este parásito es común en las especies de vizcachas. Los estudios genéticos de los huevos de *Trichuris* encontrados se encuentran en desarrollo y permitirán determinar con nivel específico su identidad. Por último, el registro de vizcacha en el Cerro Damas, por medio de cámaras trampa, confirma la presencia de este roedor dentro de la Reserva localidades próximas a asentamientos humanos.

Bacterias resistentes de prioridad crítica en aves silvestres que habitan diferentes ambientes de la región de Ñuble, Chile

Aylin Vásquez-Mosqueda | Valentina Aravena-Ramírez | Edhnita Inostroza-Muñoz | Jorge Campos-Tabilo | Jorge Barraza-Schulmeyer | Montserrat Del Campo | Sebastián Muñoz-Leal | Danny Fuentes-Castillo

Ponente: Aylin Vásquez Mosqueda, aylvasquez2021@udec.cl

RESUMEN: Las *Enterobacterales* productoras de batalactamasas de espectro extendido (E-BLEE) generan infecciones hospitalarias graves, muertes y se adaptan a diversos ambientes; por esto la OMS las clasifica como prioridad crítica. Aves silvestres son bioindicadores ambientales para evaluar la resistencia a los antimicrobianos (RAM) en ambientes que habitan. Con el objetivo de detectar estos patógenos en aves silvestres de diferentes ambientes de la región de Ñuble, se recolectaron torulados de heces de 469 aves en 10 comunas durante dos temporadas (cálida y fría). Las muestras se cultivaron en agar MacConkey suplementado con ceftriaxona (2µg/mL) a 37°C por 24H. Los aislados fueron identificados bioquímicamente y analizados mediante test de susceptibilidad antimicrobiana y sinergismo de doble disco para confirmación de BLEE. Se sometieron a extracción de ADN y secuenciamiento genómico completo mediante la plataforma NovaSeq-X-Plus, permitiendo realizar análisis de secuenciotipo (ST), resistoma y viruloma. Se aislaron cuatro E-BLEE en temporada fría y 12 en temporada cálida, todas provenientes de aves que frecuentan el vertedero Quilmo, 14 de *Coragyps atratus* y 2 de *Milvago chimango.* Se secuenció exitosamente el genoma de 13 cepas, confirmadas como *Escherichia coli* productoras de BLEE. Entre ellas se detectaron los linajes ST10 (2), ST1485 (1), ST1049 (1), ST410 (2), ST4380 (1), ST69 (1), ST744 (1), ST88 (1), ST1434 (1), ST746 (1), ST10955 (1). El análisis genómico reveló diferentes variantes de BLEE de tipo CTX-M, entre otros genes que confieren resistencia a antibióticos de uso clínico humano y veterinario. Se detectaron factores de virulencia como fimbrias, adhesinas, toxinas, formadores de biopelícula y cititoxicidad. Estos hallazgos evidencian la presencia de bacterias de prioridad crítica en aves silvestres que se alimentan de vertederos de la región, reflejando una preocupante contaminación ambiental. Estas aves pueden actuar como diseminadores de RAM generando aún más riesgos para la salud pública y veterinaria. Fondecyt 11241097.

La amenaza invisible: Evaluando y mitigando la potencial transmisión de enfermedades a felinos pequeños silvestres en los bosques nubosos de Costa Rica

Cristina Barboza Jiménez | Natalia Montero Leitón | Sofía Bernal-Valle | Juan Carlos Delgado Carazo | Rebeca Jiménez-Gómez | José Daniel Ramírez-Fernández

Ponente: Sofía Bernal-Valle, sofiabv05@gmail.com

RESUMEN: En los bosques nubosos de Costa Rica habitan cuatro felinos silvestres pequeños: *Leopardus pardalis*, *L. wiedii*, *L. pardinoides oncilla* y *Herpailurus yaguaroundi*. Estas especies enfrentan amenazas a su conservación como la pérdida de hábitat por cambios en uso de suelo (expansión agrícola/urbana) y riesgo de transmisión de patógenos desde carnívoros domésticos (perros/gatos), entre otras. En el bosque nuboso de Monteverde, Puntarenas, esta investigación en desarrollo, evalúa ese riesgo potencial de transmisión de patógenos, con el objetivo de proponer estrategias de mitigación junto a la comunidad. Mediante encuestas a los habitantes, se está estudiando la tenencia de mascotas, su contacto con fauna silvestre y los desafíos que enfrentan en esta temática. Además, se recolectaron muestras biológicas de 78 individuos (28 gatos y 50 perros). Como resultados preliminares, se detectaron mediante pruebas de ELISA comerciales: un (3.6%) gato seropositivo a FIV, un (3.6%) gato positivo a FeLV y cinco (10%) perros seropositivos a *Ehrlichia canis*. Se realizarán análisis moleculares para la detección de material genético de otros patógenos de importancia, para estas muestras y las otras que serán colectadas. Serán colectados datos de fototrampeo sobre animales domésticos y felinos silvestres dentro de áreas protegidas. Como medidas de mitigación, se están implementando talleres educativos en escuelas alcanzando aproximadamente 200 niños y en otras agrupaciones de la comunidad, para sensibilizar sobre el bosque nuboso, la amenaza de especies introducidas y la tenencia responsable de mascotas. También se realizarán campañas de salud animal (evaluación clínica y medicina preventiva). El estudio sugiere la necesidad de diseñar e implementar estrategias de conservación multidisciplinarias, que incluyen vigilancia sanitaria, educación y participación comunitaria para desarrollar medidas de mitigación del riesgo de transmisión de agentes infecciosos como planes de manejo de áreas naturales que permitan la coexistencia sin comprometer la estabilidad ecológica de los felinos silvestres.

POSTER PRESENTATION

Evaluación del estado de salud de lagartija *Petracola ventrimaculatus* (Reptilia:Sauria) mediante el índice de condición corporal y perfil leucocitario

Katya Balta | Raquel Briones | Jamín Chávez | Rubén González | Karla Núñez | Stalin Rosales | Jorge Santa María | José Pérez Z.

Ponente: Katya Balta, katya.balta@upch.pe

RESUMEN: La evaluación del estado de salud de especies silvestres es un aspecto crucial para la conservación y el monitoreo ambiental, ya que permite establecer vínculos entre la salud de los individuos y el estado de su ecosistema. La lagartija Petracola ventrimaculatus, es una especie endémica y amenazada de los Andes peruanos (Vulnerable-UICN), que requiere mayores estudios debido a la escasez de datos sobre su biología y ecología. El presente estudio tuvo como objetivo evaluar el estado de salud de individuos de P. ventrimaculatus mediante el índice de condición corporal (ICC) y el perfil leucocitario (Índice Heterófilo/Linfocito o H:L). Durante el 2024, se capturaron 32 lagartijas, en la localidad de Chugur, Cajamarca - Perú. Para cada ejemplar se registraron datos de longitud hocico-cloaca y peso para calcular el ICC, y muestras de sangre (de la vena caudal) para frotis sanguíneo, con la finalidad de realizar el recuento total y diferencial de leucocitos, y calcular el índice H:L. Adicionalmente, se determinó la presencia de hemoparásitos en cada individuo. Ninguno de los individuos fue sacrificado (Comité de Ética-UPCH CIEA-042-02-23). Los valores estimados de ICC de los individuos capturados son similares a los registrados en otras localidades, por lo tanto, presentarían buenas condiciones. En el perfil leucocitario se encontró predominancia de linfocitos, seguido de heterófilos, sin evidencia de estrés significativo (índice H:L promedio = 0.31 ± 1.29). No se encontró correlación entre el índice H:L y la presencia de hemoparásitos, sin embargo, existe relación inversa entre el índice H:L y el ICC ($r= 0.5$, $p < 0.04$). Se detectó que el 47% de los individuos estuvieron infectados por algún hemoparásito: Plasmodium sp., Haemogregarina sp. o microfilarias. El estudio proporciona valores hematológicos basales para P. ventrimaculatus y destaca la importancia de monitorear el estado de salud poblacional para garantizar la conservación de la especie.

POSTER PRESENTATION

Coinfecção por *Dioctophyma renale* e *Capillaria plica* em lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) no sul do Brasil

Luiza Rodrigues Tirelli | Laura Berger Nunes | Clara Murussi Beheregaray | Adeyldes Oliveira Reis | Vinícius Baggio de Souza | Paulo Guilherme Carniel Wagner | João Fabio Soares

Ponente: Luiza Rodrigues Tirelli, luizartirelli@gmail.com

RESUMEN: O lobo-guará (*Chrysocyon brachyurus*) é um canídeo em perigo de extinção, encontrado principalmente em campos abertos cercados por matas ciliares. Os registros dessa espécie no Rio grande do Sul são limitados e a situação sanitária da população é desconhecida. *Dioctophyma renale* é um grande nematódeo associado a infecções urinárias e comumente conhecido como o "verme gigante dos rins", e causa a destruição progressiva dos rins do hospedeiro. A ordem Carnivora é a principal associada como hospedeiros definitivos desse parasito, embora existam relatos esporádicos em humanos. A espécie *Capillaria plica* é encontrada parasitando a vesícula urinária de canídeos e a infecção geralmente é assintomática, mas em grandes infecções pode estar associada a disúria, hematúria e inflamação da bexiga. Em março de 2024, um lobo-guará de vida livre foi capturado nos Campos de Cima da Serra, no município de Cambará do Sul - RS (SISBIO 991341-1). Amostras de conteúdo fecal e urina foram coletados para investigação parasitológica de helmintos e protozoários e encaminhados ao laboratório de Protozoologia e Rickettsioses Vetoriais da UFRGS (ProtozooVet). A urinálise iniciou-se com a centrifugação de cerca de 2mL da urina a 1000 rpm por 10 minutos e, então, o sedimento centrifugado foi observado em microscopia. Os achados incluem ovos bioperculados e ovais, que correspondem a ovos de capilarídeos, medindo 64,4 µm × 26,5 µm, e ovos com casca espessa e rugosa, correspondente a *D. renale* medindo 63.7 µm × 39.5 µm. Esse relato é o primeiro de coinfecção por *D. renale* e *C. plica* em lobos-guará. Dessa forma, é apresentado um progresso no entendimento dos patógenos que ocorrem na população presente no sul do país e também o seu papel como mantenedor do ciclo desses nematódeos de potencial zoonótico, assim contribuindo para a conservação da espécie.